



AL MAGNIFICO RETTORE  
DELL'UNIVERSITA' DEGLI STUDI DI MILANO

COD. ID: 5849

Il sottoscritto chiede di essere ammesso a partecipare alla selezione pubblica, per titoli ed esami, per il conferimento di un assegno di ricerca presso il Dipartimento di Scienze Biomediche e Cliniche

Responsabile scientifico: Prof. Gianguglielmo Zehender

[Annalisa Bergna]

## CURRICULUM VITAE

### INFORMAZIONI PERSONALI

<b>Cognome</b>	Bergna
<b>Nome</b>	Annalisa

### OCCUPAZIONE ATTUALE

Incarico	Struttura
Dottoranda in Scienze per la Sanità Pubblica, MED/42, 36° ciclo	Dipartimento di Scienze Biomediche e Cliniche, Università degli Studi di Milano; via GB Grassi 74, 20157, Milano

### ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Titolo	Corso di studi	Università	anno conseguimento titolo
Laurea Magistrale o equivalente	Biologia, LM-6	Università degli Studi di Milano-Bicocca	2016
Specializzazione	/	/	/
Dottorato Di Ricerca	Scienze per la Sanità Pubblica, MED/42	Università degli Studi di Milano	In corso, discussione ottobre 2023
Master	/	/	/
Diploma Di Specializzazione Medica	/	/	/
Diploma Di Specializzazione Europea	/	/	/
Altro	/	/	/



## ISCRIZIONE AD ORDINI PROFESSIONALI

Data iscrizione	Ordine	Città
/	/	/



## LINGUE STRANIERE CONOSCIUTE

lingue	livello di conoscenza
Inglese	B2

## PREMI, RICONOSCIMENTI E BORSE DI STUDIO

anno	Descrizione premio
2020-2023	<u>Borsa di studio</u> inerente al progetto di dottorato “Sequenziamento dell’intero genoma di SARS-CoV-2 in Italia: analisi filodinamica e filogeografica e applicazioni all’epidemiologia e alla sorveglianza molecolare del virus pandemico e studio dei correlati clinici”, Università degli Studi di Milano, Milano
2020	<u>Onorificenza</u> di Cavaliere dell’Ordine al Merito della Repubblica italiana per servizio alla comunità durante l’emergenza del coronavirus
2019-2020	<u>Borsa di Studio</u> “Dinamica del reservoir di HIV nel sangue e nei tessuti linfoidi in seguito a semplificazione a terapia antiretrovirale duplice - Management dei protocolli clinici”, Ospedale Luigi Sacco, UOC Malattie Infettive 3, Milano
2018-2019	<u>Borsa di Studio</u> “Implicazioni per strategie di controllo a lungo termine della replicazione virale in pazienti con infezione primaria da HIV (PHI) trattati con terapia antivirale multitarget (mt-art): cinetica dei reservoir virali, risposta immunologica e penetrazione del farmaco nei tessuti linfoidi”, Ospedale Luigi Sacco, UOC Malattie Infettive 3, Milano
2018	<u>Premio</u> “Luigi Sacco Awards 2018” per il miglior contributo scientifico del Convegno Internazionale “Giornate Infettivologiche Luigi Sacco 2018”
2017-2018	<u>Borsa di Studio</u> “Analisi della variabilità virologica legata alla progressione dell’infezione HIV e/o da HCV e al loro trattamento - Management dei protocolli clinici condotti presso la III <sup>^</sup> Divisione di Malattie infettive”, Ospedale Luigi Sacco, UOC Malattie Infettive 3, Milano

## ATTIVITÀ DI FORMAZIONE O DI RICERCA

<ul style="list-style-type: none"><li>- Epidemiologia e genomica molecolare applicata alla sorveglianza e allo studio della patogenesi degli agenti delle principali malattie infettive;</li><li>- Allestimento di colture di linee cellulari in BLS3 (U1, OM-10, VeroE6 e CACO2) per isolamenti virali e saggi di efficacia farmacologica <i>in vitro</i> in cellule suscettibili a SARS-CoV-2;</li><li>- Estrazione di acidi nucleici da differenti campioni biologici (tra cui PBMC, sangue, tamponi nasofaringei) e amplificazione di genomi virali completi</li><li>- Sequenziamento di genomi completi virali e batterici (piattaforme Illumina Miseq e S5 Ion Torrent);</li><li>- Analisi dei dati di sequenziamento mediante specifici software (Sequencing Analysis, Sequence Navigator, Applied Biosystem, Geneious, Bioedit, Mega);</li><li>- Metodi avanzati di evoluzione molecolare e filogenetici (filodinamica e filogeografia) per la ricostruzione dell’origine, dell’epidemiologia e della dispersione geografica di virus e patogeni emergenti di alto impatto sociale mediante metodi di Neighbor-Joining, Maximum Likelihood e Bayesiani, con particolare attenzione all’epidemiologia genomica e alla filogenesi dei virus SARS-CoV-2 e HRSV in Italia ed Europa;</li><li>- Determinazione di titoli anticorpali neutralizzanti nei sieri di pazienti convalescenti o attivamente</li></ul>
--



immunizzati rispetto a nuove varianti o al test dell'efficacia degli agenti antivirali e degli anticorpi monoclonali;

- Saggi immunoenzimatici per l'identificazione di anticorpi IgM e IgG in campioni biologici di pazienti suscettibili all'infezione da SARS-CoV-2;

- Gestione dei protocolli clinici (raccolta, processamento e stoccaggio dei campioni biologici).

#### PARTECIPAZIONE AI CORSI:

- Maggio-giugno 2023: Corso Applicato di Statistica Medica per la Ricerca Clinica, Università degli Studi di Milano, Milano
- gennaio 2019: ICH good clinical practice E6 (R2) (Global Health Training Centre), Milano, Italia
- 12, 19-20 novembre 2018: "Ion Chef™/Ion S5™ System Workflow" Training", ThermoFisher Scientific, Milano, Italia
- Settembre 2018: Scuola di alta formazione in virologia clinica Vikt2018- Virology Knowledge Tank, Siena, Italia
- 25,26 luglio 2016: Corso interaziendale di formazione parte generale e specifica per lavoratori (Art. 37, D.Lgs 81/08 e CRS 221 del 21/12/2011), AWARE LAB S.R.L., Milano, Italia

#### ATTIVITÀ PROGETTUALE

Anno	Progetto
2022-2023	Epidemiologia genomica delle sottovarianti Omicron (BA.1, BA.2 e BA.5) circolanti nel corso dell'anno 2022
2021-2022	Epidemiologia genomica delle principali varianti di SARS-CoV-2 circolanti in Italia nel periodo 2020-2021
2020-2021	Sequenziamento del genoma intero di SARS-CoV-2 in Italia: analisi filodinamica e filogeografica e applicazioni all'epidemiologia e alla sorveglianza molecolare del virus pandemico
2019-2020	Studio della dinamica del reservoir di HIV nel sangue e nei tessuti linfoidei in seguito a semplificazione a terapia antiretrovirale duplice-Management dei protocolli clinici mediante digital droplet PCR (ddPCR)
2018-2019	Caratterizzazione del reservoir di HIV archiviato ed espresso mediante droplet digital PCR (ddPCR) in individui in terapia antiretrovirale per la valutazione e il monitoraggio dell'infezione e gestione dei protocolli clinici
2017-2018	Analisi della variabilità virologica legata alla progressione dell'infezione HIV e/o da HCV e al loro trattamento e valutazione di biomarker infiammatori come TNF- $\alpha$ , IL-6 e IL-18 in pazienti HIV-positivi; gestione dei protocolli clinici
2016-2017	Studio della variabilità virologica associata alla progressione dell'infezione da HCV e/o HIV e relativo trattamento; gestione dei protocolli clinici
2015-2016	Caratterizzazione mediante "Next Generation sequencing" delle varianti associate a resistenza del virus dell'epatite C durante la terapia con farmaci ad azione antivirale



diretta

## TITOLARITÀ DI BREVETTI

<b>Brevetto</b>
/

## CONGRESSI, CONVEGNI E SEMINARI

Data	Titolo	Sede
25-27 giugno 2023	7Th NATIONAL CONGRESS OF THE ITALIAN SOCIETY FOR VIROLOGY One Virology One Health	Brescia, Italia
14-16 giugno 2023	15° Congresso Nazionale ICAR 2023 "Italian Conference on AIDS and Antiviral Research - From prevention to cure: ready for new challenges"	Bari, Italia
07-09 giugno 2023	21ST EUROPEAN MEETING ON HIV & HEPATITIS	Roma, Italia
04-05 maggio 2023	Convegno nazionale IMPACT "implementation Science in Viral Infections"	Roma, Italia
20-23 novembre 2022	XXI Congresso Nazionale Società Italiana Malattie Infettive e Tropicali SIMIT	Roma, Italia
14-16 giugno 2022	14° Congresso Nazionale ICAR 2022	Bergamo, Italia
08-10 giugno 2022	20TH EUROPEAN MEETING ON HIV & HEPATITIS	Parigi, Francia
12-13 maggio 2022	Convegno Nazionale IMPACT "Implementation Science in Viral Infections"	Roma, Italia
21-23 ottobre 2021	13° Congresso Nazionale ICAR: Italian Conference on AIDS and Antiviral Research	Riccione, Italia
06-09 novembre	17 <sup>th</sup> European AIDS Conference, EACS	Basilea, Svizzera



2019		
13-14 giugno 2019	52° Congresso della Società Italiana di Storia della Medicina (SISM)	Monza, Italia
05-07 giugno 2019	11° Congresso ICAR - Italian Conference on AIDS and Antiviral Research	Milano, Italia
05 giugno 2019	Corso pregressuale ICAR "Viral reservoir as obstacle to cure"	Milano, Italia
28-29 marzo 2019	Convegno Nazionale IMPACT	Roma, Milano
04 febbraio 2019	Incontro per la presentazione del Database di Vironet C	Milano, Italia
28-30 novembre 2018	2nd National Congress of the Italian Society for Virology- One virology One Health, SIV-ISV	Roma, Italia
17 ottobre 2018	Programma Nazionale per la formazione continua degli operatori della Sanità "HIV e coinfezione HIV/HCV: problemi aperti e aggiornamenti dagli ultimi congressi 2018", T.M.T. eventi	Milano, Italia
Settembre 2018	Scuola di alta formazione in virologia clinica Vikt2018- Virology Knowledge Tank	Siena, Italia
14-15 giugno 2018	Convegno Internazionale "Giornate Infettivologiche Luigi Sacco 2018"	Milano, Italia
30 maggio-1 giugno 2018	16 <sup>th</sup> European Meeting on HIV & Hepatitis- Treatment Strategies & Antiviral Drug Resistance	Roma, Italia
22-24 maggio 2018	10° Congresso Nazionale ICAR-Italian Conference on AIDS and Antiviral Research	Roma, Italia
16 aprile 2018	Progetto di formazione Pandora 5.0- Sifilide: Approccio multidisciplinare	Milano, Italia
15-16 marzo	Convegno Nazionale IMPACT "HIV, Epatiti e altri virus: clinica, diagnostica e nuovi	Roma, Italia



2018	standard di gestione”	
23 febbraio 2018	“Laboratorio e Territorio: un approccio integrato alla sorveglianza delle malattie infettive”, EpiSoMi	Milano, Italia
26 settembre 2017	Symposium-Novel Challenges and approaches in microbiology: genomics, bioinformatics and the control of antibiotic resistance	Pavia, Italia
15 maggio 2017	Progetto di formazione Pandora 4.0-INFLUENZA	Milano, Italia
27 marzo 2017	Progetto di formazione Pandora 4.0-NEWS ON HIV THERAPY	Milano, Italia
16-17 febbraio 2017	Congresso “Guidelines of the Italian Society for Virology SIV-ISV on human papillomavirus testing and vaccination for cancer prevention:update”, SIV-ISV	Padova, Italia
03 ottobre 2016	Progetto di formazione pandora 3.0- HIV 2026, NOVITA’ DAGLI ULTIMI CONGRESSI E DALLA LETTERATURA INTERNAZIONALE	Milano, Italia
26 settembre 2016	Progetto di formazione pandora 3.0- INFEZIONI ANIMALI, INFEZIONI UMANE: ANIMALI DA REDDITO E ZONOSI	Milano, Italia
06-08 giugno 2016	VIII Congresso Nazionale ICAR	Milano, Italia
19-20 maggio 2016	Convegno internazionale “Giornate Infettivologiche Luigi Sacco”	Milano, Italia
11-12 giugno 2015	Convegno internazionale “Giornate Infettivologiche Luigi Sacco”	Milano, Italia

## PUBBLICAZIONI

<b>Libri</b>
Capitolo 2 di Genomica in Sanità Pubblica Evidenze scientifiche e prospettive di integrazione nella pratica della prevenzione [Genomics in Public Health Scientific evidence and prospects for integration in the prevention practice] dal titolo: La genomica virale nella sorveglianza della COVID-19. della Ventura C, Lai A, <b>Bergna A</b> , Galli M, Zehender G.



Articoli su riviste
1. Neutralizing antibodies response to novel SARS-CoV-2 omicron sublineages in long-term care facility residents after the fourth dose of monovalent BNT162b2 COVID-19 vaccination. Varasi I, Lai A, Fiaschi L, <b>Bergna A</b> , Gatti A, Caimi B, Biba C, Della Ventura C, Balotta C, Riva A, Zehender G, Zazzi M, Vicenti I. <i>J Infect.</i> 2023; 87:270-272
2. Genomic epidemiology and phylogenetics applied to the study of SARS-CoV-2 pandemic. Lai A, <b>Bergna A</b> , Della Ventura C, Zehender G. <i>New Microbiol.</i> 2023;46:1-8
3. Genomica in Sanità Pubblica Evidenze scientifiche e prospettive di integrazione nella pratica della prevenzione [Genomics in Public Health Scientific evidence and prospects for integration in the prevention practice]. Traversi D, Calabrò GE, Francese C, Franchitti E, Pulliero A, Spatera P, Izzotti A, Ventura CD, Lai A, <b>Bergna A</b> , Galli M, Zehender G, Tamburro M, Lombardi A, Salzo A, DE Dona R, D'Amico A, Viccione V, Ripabelli G, Baccolini V, Migliara G, Pitini E, Marzuillo C, DE Vito C, Pastorino R, Villari P, Boccia S. <i>J Prev Med Hyg.</i> 2023;63(3 Suppl 2):E1-E29
4. Epidemiological and Clinical Features of SARS-CoV-2 Variants Circulating between April-December 2021 in Italy. Lai A, <b>Bergna A</b> , Della Ventura C, Menzo S, Bruzzone B, Sagradi F, Ceccherini-Silberstein F, Weisz A, Clementi N, Brindicci G, Vicenti I, Sasset L, Caucci S, Corvaro B, Ippoliti S, Acciarri C, De Pace V, Lanfranchi L, Bellocchi MC, Giurato G, Ferrarese R, Lagioia A, Francisci D, Colombo ML, Lazzarin S, Ogliastro M, Cappelletti MR, Iannetta M, Rizzo F, Torti C, Fumi M, d'Avenia M, Brusa S, Greco F, Menchise A, Letizia V, Vaccaro E, Santoro CR, Fracalvieri C, Testa S, Carioti L, Rocco T, Saracino A, Cattelan A, Clementi M, Sarmati L, Riva A, Galli M, Antinori S, Zehender G, Sars-CoV-Italian Research Enterprise-Scire Collaborative Group. <i>Viruses.</i> 2022;14:2508
5. Efficacy of Licensed Monoclonal Antibodies and Antiviral Agents against the SARS-CoV-2 Omicron Sublineages BA.1 and BA.2. Fiaschi L, Dragoni F, Schiaroli E, <b>Bergna A</b> , Rossetti B, Giammarino F, Biba C, Gidari A, Lai A, Nencioni C, Francisci D, Zazzi M, Vicenti I. <i>Viruses.</i> 2022;14:1374
6. Evidence of SARS-CoV-2 Antibodies and RNA on Autopsy Cases in the Pre-Pandemic Period in Milan (Italy). Lai A, Tambuzzi S, <b>Bergna A</b> , Battistini A, Della Ventura C, Galli M, Zoja R, Zehender G, Cattaneo C. <i>Front Microbiol.</i> 2022;13:886317
7. Phylogeography and genomic epidemiology of SARS-CoV-2 in Italy and Europe with newly characterized Italian genomes between February-June 2020. Lai A, <b>Bergna A</b> , Toppo S, Morganti M, Menzo S, Ghisetti V, Bruzzone B, Codeluppi M, Fiore V, Rullo EV, Antonelli G, Sarmati L, Brindicci G, Callegaro A, Sagnelli C, Francisci D, Vicenti I, Miola A, Tonon G, Cirillo D, Menozzi I, Caucci S, Cerutti F, Orsi A, Schiavo R, Babudieri S, Nunnari G, Mastroianni CM, Andreoni M, Monno L, Guarneri D, Coppola N, Crisanti A, Galli M, Zehender G, SCIRE-SARS-CoV-2 Italian Research Enterprise-Collaborative Group. <i>Sci Rep.</i> 2022;12:5736
8. Phylogeographical and evolutionary history of variola major virus; a question of timescales? <b>Bergna A</b> , Ventura CD, Marzo R, Ciccozzi M, Galli M, Zehender G, Lai A. <i>Infez Med.</i> 2022;30:109-118
9. First Monkeypox Genome Sequence from Italy-Genome Reports-Virological. Lai A, <b>Bergna A</b> , Della Ventura C, Tarkowski M, Riva A, Moschese D, Rizzardini G, Antinori S, Zehender G. 2022. Available online: <a href="https://virological.org/t/first-monkeypox-genome-sequence-from-italy/824/print">https://virological.org/t/first-monkeypox-genome-sequence-from-italy/824/print</a>
10. Durability of Humoral Responses after the Second Dose of mRNA BNT162b2 Vaccine in Residents of a Long Term Care Facility. <i>Vaccines (Basel)</i> . Lai A, Caimi B, Franzetti M, <b>Bergna A</b> , Velleca R, Gatti A, Rossi PL, D'Orso M, Pregliasco F, Balotta C, Calicchio G. 2022;10:446
11. Decreased neutralization of the Eta SARS-CoV-2 variant by sera of previously infected and uninfected vaccinated individuals. Boccuto A, Dragoni F, <b>Bergna A</b> , Ventura CD, Giammarino F, Saladini F, Pezzati L, Zehender G, Zazzi M, Vicenti I, Lai A. <i>J Infect.</i> 2022;84:94-118
12. Anti-SARS-CoV-2 Immunoglobulin Isotypes, and Neutralization Activity Against Viral Variants, According to BNT162b2-Vaccination and Infection History. Tarkowski M, de Jager W, Schiuma M,





Covizzi A, Lai A, Gabrieli A, Corbellino M, <b>Bergna A</b> , Ventura CD, Galli M, Riva A, Antinori S. <i>Front Immunol.</i> 2021;12:793191
13. SARS-CoV-2 reinfection in a cancer patient with a defective neutralizing humoral response. Borgogna C, De Andrea M, Griffante G, Lai A, <b>Bergna A</b> , Galli M, Zehender G, Castello L, Ravanini P, Cattrini C, Mennitto A, Gennari A, Gariglio M. <i>J Med Virol.</i> 2021;93:6444-6446
14. COVID-19: an outbreak in a nursing home in spring 2021. Castaldi S, Zani S, Lai A, Zehender G, <b>Bergna A</b> , Boriello CR, Cereda D. <i>Acta Biomed.</i> 2021;92:e2021445
15. Circulating SARS-CoV-2 variants in Italy, October 2020-March 2021. Lai A, <b>Bergna A</b> , Menzo S, Zehender G, Caucci S, Ghisetti V, Rizzo F, Maggi F, Cerutti F, Giurato G, Weisz A, Turchi C, Bruzzone B, Ceccherini Silberstein F, Clementi N, Callegaro A, Sagrati F, Francisci D, Venanzi Rullo E, Vicenti I, Clementi M, Galli M; collaborative group SCIRE SARS-CoV-2 Italian Research Enterprise. <i>Virol J.</i> 2021;18:168
16. Marked decrease in acquired resistance to antiretrovirals in latest years in Italy. Lai A, Franzetti M, <b>Bergna A</b> , Saladini F, Bruzzone B, Di Giambenedetto S, Di Biagio A, Lo Caputo S, Santoro MM, Maggiolo F, Parisi SG, Rusconi S, Gianotti N, Balotta C. <i>Clin Microbiol Infect.</i> 2021;27:1038.e1-1038.e6
17. SARS-CoV-2 seroprevalence trends in healthy blood donors during the COVID-19 outbreak in Milan. Valenti L, <b>Bergna A</b> , Pelusi S, Facciotti F, Lai A, Tarkowski M, Lombardi A, Berzuini A, Caprioli F, Santoro L, Baselli G, Ventura CD, Erba E, Bosari S, Galli M, Zehender G, Prati D; Covid-19 Donors Study (CoDS) network. <i>Blood Transfus.</i> 2021;19:181-189
18. The Longest Persistence of Viable SARS-CoV-2 With Recurrence of Viremia and Relapsing Symptomatic COVID-19 in an Immunocompromised Patient-A Case Study. Sepulcri C, Dentone C, Mikulska M, Bruzzone B, Lai A, Fenoglio D, Bozzano F, <b>Bergna A</b> , Parodi A, Altosole T, Delfino E, Bartalucci G, Orsi A, Di Biagio A, Zehender G, Ballerini F, Bonora S, Sette A, De Palma R, Silvestri G, De Maria A, Bassetti M. <i>Open Forum Infect Dis.</i> 2021;8:ofab217
19. Early-Transmitted Variants and Their Evolution in a HIV-1 Positive Couple: NGS and Phylogenetic Analyses. Lai A, Giacomet V, <b>Bergna A</b> , Zuccotti GV, Zehender G, Clerici M, Trabattoni D, Fenizia C. <i>Viruses.</i> 2021;13:513
20. Human-to-Cat SARS-CoV-2 Transmission: Case Report and Full-Genome Sequencing from an Infected Pet and Its Owner in Northern Italy. Pagani G, Lai A, <b>Bergna A</b> , Rizzo A, Stranieri A, Giordano A, Paltrinieri S, Lelli D, Decaro N, Rusconi S, Gismondo MR, Antinori S, Lauzi S, Galli M, Zehender G. <i>Pathogens.</i> 2021;10:252
21. Dynamics of the seroprevalence of SARS-CoV-2 antibodies among healthcare workers at a COVID-19 referral hospital in Milan, Italy. Milazzo L, Lai A, Pezzati L, Oreni L, <b>Bergna A</b> , Conti F, Meroni C, Minisci D, Galli M, Corbellino M, Antinori S, Ridolfo AL. <i>Occup Environ Med.</i> 2021:oemed-2020-107060
22. Contribution of transgender sex workers to the complexity of the HIV-1 epidemic in the metropolitan area of Milan. Lai A, <b>Bergna A</b> , Simonetti FR, Franzetti M, Bozzi G, Micheli V, Atzori C, Ridolfo A, Zehender G, Ciccozzi M, Galli M, Balotta C. <i>Sex Transm Infect.</i> 2020;96:451-456
23. Genomic characterization and phylogenetic analysis of SARS-COV-2 in Italy. Zehender G, Lai A, <b>Bergna A</b> , Meroni L, Riva A, Balotta C, Tarkowski M, Gabrieli A, Bernacchia D, Rusconi S, Rizzardini G, Antinori S, Galli M. <i>J Med Virol.</i> 2020;92:1637-1640
24. Molecular Tracing of SARS-CoV-2 in Italy in the First Three Months of the Epidemic. Lai A, <b>Bergna A</b> , Caucci S, Clementi N, Vicenti I, Dragoni F, Cattelan AM, Menzo S, Pan A, Callegaro A, Tagliabracci A, Caruso A, Caccuri F, Ronchiadin S, Balotta C, Zazzi M, Vaccher E, Clementi M, Galli M, Zehender G. <i>Viruses.</i> 2020;12:798
25. Early phylogenetic estimate of the effective reproduction number of SARS-CoV-2. Lai A, <b>Bergna A</b> , Acciarri C, Galli M, Zehender G. <i>J Med Virol.</i> 2020;92:675-679
26. Local Epidemics Gone Viral: Evolution and Diffusion of the Italian HIV-1 Recombinant Form



CRF60\_BC. Lai A, Simonetti FR, Brindicci G, **Bergna A**, Di Giambenedetto S, Sterrantino G, Mussini C, Menzo S, Bagnarelli P, Zazzi M, Angarano G, Galli M, Monno L, Balotta C. *Front Microbiol.* 2019;10:769

27. Bayesian reconstruction of the evolutionary history and cross-species transition of variola virus and orthopoxviruses. Zehender G, Lai A, Veo C, **Bergna A**, Ciccozzi M, Galli M. *J Med Virol.* 2018;90:1134-1141

28. Evolution of Resistance-Associated Variants of All-Oral Direct-Acting Antiviral Therapy of Hepatitis C in a Clinical Setting. Lai A, Milazzo L, Bergna A, Polano M, Binda F, Franzetti M, Micheli V, Ronzi P, Zehender G, Sollima S, Galli M, Balotta C. *J Antivir Antiretrovir* 2017; 09. 10.4172/1948-5964.1000169

## Atti di convegni

ReAdfiles Congress Report, SETTEMBRE 2023; 21th European meeting on HIV & Hepatitis, Roma 07-09 giugno 2023.

ReAdfiles Congress Report, N.3 SETTEMBRE 2022; 20th European meeting on HIV & Hepatitis, Parigi 08-10 giugno 2022.

## ALTRE INFORMAZIONI

### Partecipazione a progetti:

2023: Progetto RIPrEi ISS “A comprehensive toolbox for timely phenotypic characterization of novel SARS-CoV-2 variants (PHENO-BOX)”. Responsabile Dott.ssa A.Lai

2020-2023: Progetto HORIZON-HLTH-2021-CORONA-01-02- Cohorts United against COVID-19 Variants of Concern. EU-Africa Concerted Action on SAR-CoV-2 Virus Variant and Immunological Surveillance. Acronym: CoVICIS. Coordinatore: Prof. A. Riva

2020-2023: Progetto IDEA “Sistema integrato di ateneo per lo studio, il monitoraggio e il controllo delle infezioni, delle emergenze epidemiche e della resistenza ai farmaci antimicrobici”. Responsabile Prof. C. Bandi

2020-2023: Membro del Gruppo collaborativo SCIRE: SARS-CoV-2 ITALIAN RESEARCH ENTERPRISE per la sorveglianza molecolare di SARS-CoV-2, composto da 74 Centri Clinici e Laboratori che ricoprono quasi tutto il territorio Nazionale. Centro coordinatore e promotore ASST Fatebenefratelli Sacco

2022: PRIN Ministero Università e Ricerca Scientifica- Progetto “Genomic epidemiology and phylogenesis of SARS-CoV-2 in Italy: identification and characterization of circulating variants of clinical and public health relevance”. Coordinatore: Prof. G. Zehender

2022: Finanziamento Fondazione Banca di Italia- Progetto “Epidemiologia genomica e filogenesi di SARS-CoV-2 in Italia”; Coordinatore: Prof. G. Zehender

2021-2022: Progetto in collaborazione con il Prof. M. Buscaglia, Dipartimento di Biotecnologie mediche e Medicina traslazionale, per lo sviluppo di un test sierologico multi-plexing per SARS-CoV-2

2021-2022: Progetto “COVID in Pet”, in collaborazione con la Prof.ssa S. Lauzi, Dipartimento di Medicina Veterinaria e Scienze Animali

2020-2022: Progetto di collaborazione con la Prof.ssa C. Cattaneo, Dipartimento di Scienze Biomediche per la Salute per la ricerca di SARS-CoV-2 in materiale autoptico.

2020: Fondo straordinario di Ateneo per lo studio del COVID-19- Progetto “Molecular mapping of SARS-



CoV-2 in North Italy”; Ricercatore Principale: Prof. G. Zehender

2018-2023: Membro dell’HIV DNA Network per la standardizzazione a livello nazionale della quantificazione dell’HIV DNA

2017-2023: Membro di HCV Virology Italian Resistance Network study Group: VIRONET-C

Attività didattica:

2020-2021 (II semestre): Incarico di collaborazione finalizzata al tutorato e ad attività integrative della didattica ai sensi dell’art. 45 Regolamento Generale d’Ateneo; Corso di Studio di Biologia applicata alla ricerca biomedica. Tutorato per: Microbiologia Clinica e Igiene, Dipartimento di Bioscienze, Università degli Studi di Milano, Milano. Bando ID 941/G Dr 334/2021 del 26/01/2021

20-21 giugno 2019: Esercitatore all’elettivo seminariale “Molecular epidemiology and Evolution of Infectious Disease”, Università degli Studi di Milano, Milano

18-19 giugno 2018: Esercitatore all’elettivo seminariale “Molecular epidemiology and Evolution of Infectious Disease”, Università degli Studi di Milano, Milano

Le dichiarazioni rese nel presente curriculum sono da ritenersi rilasciate ai sensi degli artt. 46 e 47 del DPR n. 445/2000.

Il presente curriculum, non contiene dati sensibili e dati giudiziari di cui all’art. 4, comma 1, lettere d) ed e) del D.Lgs. 30.6.2003 n. 196.

**RICORDIAMO** che i curricula **SARANNO RESI PUBBLICI sul sito di Ateneo** e pertanto si prega di non inserire dati sensibili e personali. Il presente modello è già precostruito per soddisfare la necessità di pubblicazione senza dati sensibili.

Si prega pertanto di **NON FIRMARE** il presente modello.

Luogo e data: Milano, 06/09/2023