

UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

Procedura di selezione per la chiamata a professore di I fascia da ricoprire ai sensi dell'art. 18, comma 1, della Legge n. 240/2010 per il settore concorsuale 07/G1 - Scienze e Tecnologie Animali, (settore scientifico-disciplinare AGR/17 - Zootecnia Generale e Miglioramento Genetico) presso il Dipartimento di Medicina Veterinaria e Scienze Animali, (avviso bando pubblicato sulla G.U. IV serie speciale - Concorsi ed Esami n. 59 del 26/07/2022) - Codice concorso 5032

MARIA LINA EMILIA LONGERI

CURRICULUM VITAE

INFORMAZIONI PERSONALI

COGNOME	LONGERI
NOME	MARIA LINA EMILIA
DATA DI NASCITA	08/ 11/ 1960

1. TITOLI**1.1 TITOLO DI STUDIO**

11/11/1986

Laurea in Medicina Veterinaria presso l'Università degli Studi di Milano, Facoltà di Medicina Veterinaria.

Tesi sperimentale dal titolo: "Contributo allo studio delle fibrosi cardio polmonari nel cane" (Relatore: Prof. G. Mandelli), votazione: 109/110

1.2 TITOLO DI DOTTORE DI RICERCA

01/11/1988 - 31/10/1991

Dottorato di Ricerca in "Scienze Zootecniche" (IV ciclo - G.U. suppl.9 del 02.02.1988) presso l'Ist. di Zootecnica della Facoltà di M. Veterinaria di Milano, con Borsa.

Titolo conseguito il 10/06/1992, rilasciato dal Ministero dell'Università e della Ricerca Scientifica e Tecnologica.

Tesi dal titolo: "Antigeni di Istocompatibilità nel bovino e loro significato biologico: resistenza immunitaria - produzioni zootecniche" (Tutor: Prof. M.Zanotti).

1.3. ALTRI TITOLI CONSEGUITI

- 2021 - 2031 **Abilitazione Scientifica Nazionale 2018 - 2020 a Professore di Prima Fascia, Settore Concorsuale 07/G1 Scienze e Tecnologie Animali (VI quadrimestre), ai sensi dell'art. 16, comma 1, Legge 240/10; bando DD2175/2018, MIUR, validità dal 09/06/2021 al 09/06/2031**
- 2014 - 2024 **Abilitazione Scientifica Nazionale 2012 a Professore di Prima Fascia, Settore Concorsuale 07/G1 Scienze e Tecnologie Animali, ai sensi dell'art. 16, comma 1, Legge 240/10, MIUR, validità dal 10/01/2014 al 10/01/2023.**
- 31/10/1988 **Diploma del Corso Annuale di Perfezionamento in Zooprofilassi** realizzato dalla Scuola per la Ricerca Scientifica, emanazione della Fondazione Iniziative Zooprofilattiche e Zootecniche e dell'Istituto Zooprofilattico Sperimentale della Lombardia ed Emilia-Romagna, 1987-1988.
- 1986 (II sess.) **Diploma di Abilitazione all'Esercizio della Professione di Medico Veterinario, Università degli Studi di Milano. Iscritta all'Ordine dei Medici Veterinari di Milano dal 1987 al 1994**

2. ESPERIENZE PROFESSIONALI

- 2021 - 2023 **Esperto Zootecnico su nomina del Ministero delle Politiche Agricole Alimentari e Forestali** come componente della Commissione Tecnica Centrale dell'Associazione Nazionale Felina Italiana (ANFI-FiFe) per il triennio 2021-2023 (MIPAAF - DISR 07 - Prot. Interno N.0090401 del 24/02/2021).
- 2006 - presente **Professore Associato, Settore Agr/17,**
2022 - Dipartimenti di Medicina Veterinaria e Scienze Animali, Università degli Studi di Milano
2016 - 2021 Dipartimento di Medicina Veterinaria, Università degli Studi di Milano
2012 - 2016 Dipartimento di Scienze Veterinarie e Sanità Pubblica, Università degli Studi di Milano
2006 - 2012 Facoltà di Medicina Veterinaria, Università degli Studi di Milano
- 05/07 - 3/09/2013 **Visiting Scientist** presso il Laboratorio di genetica e genomica felina diretto dalla Prof. L.A.Lyons, College of Veterinary Medicine, University of Missouri - Columbia, per attività inerenti progetti di ricerca comuni.
- A.A. 1994 - 2006 **Ricercatore, Istituto di Zootecnica, Facoltà di Medicina Veterinaria, Università degli Studi di Milano** (concorso libero a ricercatore universitario D.R. 14.6.1993, G.U. n.59 bis 27.7.1993).
In particolare, in servizio come:
Ricercatore confermato - Settore AGR/17 Dal 01.04.2001
Ricercatore confermato - Settore G09A Dal 06.12.1997 al 31.03.2001
Ricercatore - Settore G09A Dal 11.05.1995 al 05.12.1997
Ricercatore - Gruppo G06 Dal 01.11.1994 al 10.05.1995

- 01/04/1993 - 31/10/1994 **Borsista di Ricerca Post-Dottorato**, area 006 (Scienze mediche, veterinarie e biologiche applicate - bando D.R. n.146447 del 2.11.1992), Progetto UE di "Mappaggio del genoma bovino - BovMap", presso l'Istituto di Zootecnica, Facoltà di Medicina Veterinaria, Università degli Studi di Milano.
- 23/08/1993 - 31/10/1993 **Visiting Scientist** presso l'International Laboratory of Animal Diseases (I.L.R.A.D.) di Nairobi (Kenia) per attività di ricerca nell'ambito del progetto europeo di mappaggio del genoma bovino (BovMap); supervisor dr. S.J.Kemp.
- 15/03/1992 - 14/03/1993 **Borsista, Consiglio Nazionale delle Ricerche C.N.R. - P.F. R.A.I.S.A.** 'Ricerche Avanzate per l'Innovazione del Sistema Agricolo' nell'ambito della tematica 'Biotecnologie innovative per il miglioramento degli animali in produzione zootecnica' (Bando n. 201.12.75 dell'11.6.1991), presso l'Istituto di Zootecnica, Facoltà di Medicina Veterinaria, Università degli Studi di Milano.
- 1/12/1991 - 14/03/1992 **Collaboratore professionale esterno** nell'ambito del P.F. C.N.R. - 'Ricerche Avanzate per l'Innovazione del Sistema Agricolo' (R.A.I.S.A.) presso Consiglio Nazionale delle Ricerche- Ist. Difesa Valoriz. Germoplasma Animale (I.D.V.G.A.), presso l'Istituto di Zootecnica, Facoltà di Medicina Veterinaria, Università degli Studi di Milano.
- 30/01 - 24/05/1990 **Visiting student** per attività di ricerca e studio inerenti il Dottorato presso l'International Laboratory for Research in Animal Diseases (I.L.R.A.D.), Nairobi, Kenya; supervisore dr. A.J.Teale.

3. FORMAZIONE PROFESSIONALE

- 7/11/2021 **Corso di "Aggiornamento quinquennale della Formazione del Responsabile attività di didattica e/o di ricerca di laboratorio (RADRL)"**, organizzato da Aware Lab srl - Milano per conto della Direzione Sicurezza, Sostenibilità e Ambiente, Università degli Studi di Milano, 6 ore (codice attestato W46-211117-1258)
- 29/01/2016 **Corso di "Formazione Particolare Aggiuntiva Responsabile dell'Attività Didattica o Ricerca di Laboratorio"**, D.Lgs 81/2008 - Accordo Stato Regioni 21/12/2011 - D.M. 363/98, organizzato da Aifos - Milano per conto della Direzione Sicurezza, Sostenibilità e Ambiente, Università degli Studi di Milano
- 17/11/2013 **Corso di Formazione sulla sicurezza in Laboratorio**, organizzato da Aifos - Milano per conto della Direzione Sicurezza, Sostenibilità e Ambiente, Università degli Studi di Milano
- 12/07 - 16/07/1993 **International Course on: "DNA polymorphism: their detection and use in genetic analyses and animal selection"**, organizzato a Liegi dalla Facoltà di Medicina Veterinaria dell'Università di Liegi.
- 18/02/1991 - 23/02/1991 **Corso di "Programmazione degli esperimenti"** organizzato dall'ASPA (Associazione Scientifica di Produzione Animale) a Roma.
- 13/02/1989 - 25/02/1989 **Corso di "Metodologia Statistica per Ricercatori in Zootecnia"** organizzato dall'ASPA (Associazione Scientifica di Produzione Animale) a Vico Equense (Napoli).
- 01/11/1987 - 31/10/1988 **Corso Annuale di Perfezionamento in Zooprofilassi** realizzato dalla Scuola per la Ricerca Scientifica, emanazione della Fondazione Iniziative Zooprofilattiche e Zootecniche e dell'Istituto Zooprofilattico Sperimentale della Lombardia ed Emilia-Romagna, con Borsa. Frequenza a tempo pieno, tesi dal titolo "Sonde di ibridizzazione ad acidi nucleici e principali applicazioni in virologia veterinaria", superamento esami finali.
- 20/5 - 30/9/1987 **Laureato frequentatore** presso il Dipartimento di Biologia e Genetica per le Scienze Mediche dell'Università degli Studi di Milano (Responsabile Prof. Siccardi).

4. INTERRUZIONE DELL'ATTIVITÀ

Motivazione	Dal (gg/mm/aaaa)	Al (gg/mm/aaaa)
Congedo per maternità (Legge 30/12/71 n.1204)	22/07/1995	18/09/1995
Congedo per maternità (Legge 30/12/71 n.1204)	19/09/1995	18/12/1995
Aspettativa per salute (art.68 D.P.R. 10/1/57 n.3)	20/03/1997	25/04/1997
Congedo per maternità (Legge 30/12/71 n.1204)	30/07/1998	28/09/1998
Congedo per maternità (Legge 30/12/71 n.1204)	29/09/1998	28/12/1998

5. ATTIVITÀ DIDATTICA

5.1 INSEGNAMENTI E MODULI

5.1.1 Attività didattica nei corsi di laurea dell'Università degli Studi di Milano

Nella sua carriera Maria Longeri è stata responsabile con continuità della didattica di diverse materie e discipline previste dalla declaratoria del settore scientifico disciplinare Zootecnia generale e Miglioramento genetico afferenti all'offerta didattica dell'Università degli Studi di Milano.

Nello specifico ha ricoperto continuativamente insegnamenti nell'ambito dei corsi di laurea Triennali di Scienze delle produzioni animali e Biotecnologia (interfacoltà) curriculum veterinario (precedentemente CdL Biotecnologie veterinarie, interfacoltà) e nel corso di Laurea Magistrale in Scienze Biotecnologiche veterinarie (quest'ultimo corso curriculare erogato in lingua inglese dall'AA 2016-17). Nell'AA 2018-19 è inoltre stata titolare del corso di Zootecnica Generale e Miglioramento genetico per il corso di Laurea a ciclo unico in Medicina Veterinaria. La didattica nelle Scuole di Specializzazione è stata conteggiata in questa sezione solo dall'A.A. 2017/2018, in accordo con i dati forniti su richiesta dagli uffici della sede UNIMI, che non ha fornito registrazioni antecedenti al suddetto A.A.. Altre informazioni, relative alla didattica nelle Scuole di Specialità di UNIMI per gli A.A. precedenti sono riportate nella sezione 5.1.2 del presente CV.

- **A.A. 2022/2023** **Carico didattico totale 112 ore (assegnato)**

- SCIENZE DELLE PRODUZIONI ANIMALI (Classe L-38)
H16-53.22.1 Chimica e principi di biologia - Docente Presidente; Modulo H16-53-B: Genetica, biologia generale e agro-ecologia SSD AGR/17, BIO/05, 3 cfu (2+1 cfu = 16+16 = 32 ore); curricolare
- BIOTECNOLOGIA (Classe L-2)
K06-30.22.1 Genetica molecolare e modelli animali; Unita' didattica: Genetica molecolare e applicazioni negli animali domestici, SSD AGR/17, 5 cfu (3+2 cfu = 24+32 = 56 ore); curricolare
- SCIENZE BIOTECNOLOGICHE VETERINARIE (Classe LM-9)
H52-79.22.1 Etiopathogenesis of hereditary and parasitic diseases - Docente Presidente; H52-79-A Unit: Genomic analysis of inherited diseases, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 cfu = 12+12 = 24 ore); curricolare
- **A.A. 2021/2022 Carico didattico totale 152 ore**
- SCIENZE DELLE PRODUZIONI ANIMALI (Classe L-38)
H16-14.22.1 Genetica e Selezione Zootecnica; H16-14-A Unita' didattica: Genetica di base, SSD AGR/17, 4 cfu (3+1 cfu = 24+16 = 40 ore); curricolare
- SCIENZE DELLE PRODUZIONI ANIMALI (Classe L-38)
H16-53.22.1 Chimica e principi di biologia - Docente Presidente; Modulo H16-53-B: Genetica, biologia generale e agro-ecologia SSD AGR/17, BIO/05, 3 cfu (2+1 cfu = 16+16 = 32 ore); curricolare
- BIOTECNOLOGIA (Classe L-2)
K06-30.22.1 Genetica molecolare e modelli animali; Unita' didattica: Genetica molecolare e applicazioni negli animali domestici, SSD AGR/17, 5 cfu (3+2 cfu = 24+32 = 56 ore); curricolare
- SCIENZE BIOTECNOLOGICHE VETERINARIE (Classe LM-9)
H52-79.22.1 Etiopathogenesis of hereditary and parasitic diseases - Docente Presidente; H52-79-A Unit: Genomic analysis of inherited diseases, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 cfu = 12 + 12 = 24 ore); curricolare
- **A.A. 2020/2021 Carico didattico totale 128 ore**
- SCIENZE DELLE PRODUZIONI ANIMALI (Classe L-38)
H16-14.22.1 Genetica e Selezione Zootecnica
H16-14-A Unita' didattica: Genetica di base, SSD AGR/17, 4 cfu (3+1 cfu = 24+16 = 40 ore); curricolare
- BIOTECNOLOGIA (Classe L-2)
K06-30.22.1 Genetica molecolare e modelli animali; Unita' didattica: Genetica molecolare e applicazioni negli animali domestici, SSD AGR/17, 5 cfu (3+2 cfu = 24+32 = 56 ore); curricolare
- SCIENZE BIOTECNOLOGICHE VETERINARIE (Classe LM-9)
H52-79.22.1 Etiopathogenesis of hereditary and parasitic diseases - Docente Presidente; H52-79-A Unit: Genomic analysis of inherited diseases, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 cfu = 12+12 = 24 ore); curricolare
- SCUOLA DI SPECIALIZZAZIONE in "Scienza e medicina degli animali da laboratorio", UNIMI, SSD/AGR17, 8 ore
- **A.A. 2019/2020 Carico didattico totale 120 ore**
- SCIENZE DELLE PRODUZIONI ANIMALI (Classe L-38)
H16-14.22.1 Genetica e Selezione Zootecnica; H16-14-A Unita' didattica: Genetica di base, SSD AGR/17, 4 cfu (3+1 cfu = 24+16 = 40 ore); curricolare
- BIOTECNOLOGIA (Classe L-2)
K06-30.22.1 Genetica molecolare e modelli animali; Unita' didattica: Genetica molecolare e applicazioni negli animali domestici, SSD AGR/17, 5 cfu (3+2 cfu = 24+32 = 56 ore); curricolare
- SCIENZE BIOTECNOLOGICHE VETERINARIE (Classe LM-9)
H52-79.22.1 Etiopathogenesis of hereditary and parasitic diseases - Docente Presidente; H52-79-A Unit: Genomic analysis of inherited diseases, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 cfu = 12+12 = 24 ore); curricolare
- **A.A. 2018/2019 Carico didattico totale 184 ore**
- SCIENZE DELLE PRODUZIONI ANIMALI (Classe L-38)
H16-14.22.1 Genetica e Selezione Zootecnica; H16-14-A Unita' didattica: Genetica di base, SSD AGR/17, 4 cfu (3+1 cfu = 24+16 = 40 ore); curricolare
- BIOTECNOLOGIA (Classe L-2)
K06-30.22.1 Genetica molecolare e modelli animali; Unita' didattica: Genetica molecolare e applicazioni negli animali domestici, SSD AGR/17, 5 cfu (3+2 cfu = 24+32 = 56 ore); curricolare
- SCIENZE BIOTECNOLOGICHE VETERINARIE (Classe LM-9)
H52-79.22.1 Etiopathogenesis of hereditary and parasitic diseases - Docente Presidente; H52-79-A Unit: Genomic analysis of inherited diseases, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 cfu = 12+12 = 24 ore); curricolare
- MEDICINA VETERINARIA A CICLO UNICO (Classe LM-42)
H15-24.19.1 Zootecnica Generale e Miglioramento Genetico; curricolare
H15-24-A Modulo: Zootecnica generale e miglioramento genetico, SSD AGR/17, 4 cfu (3+1 cfu = 24+16 = 40 ore); curricolare; H15-24-B Modulo: Genetica veterinaria, SSD AGR/17, 3 cfu (3 cfu = 24 ore); curricolare
- **A.A. 2017/2018 Carico didattico totale 128 ore**
- SCIENZE DELLE PRODUZIONI ANIMALI (Classe L-38)
H16-14.22.1 Genetica e Selezione Zootecnica; H16-14-A Unita' didattica: Genetica di base, SSD AGR/17, 4 cfu (3+1 cfu = 24+16 = 40 ore); curricolare
- BIOTECNOLOGIA (Classe L-2)
K06-30.22.1 Genetica molecolare e modelli animali; Unita' didattica: Genetica molecolare e applicazioni negli animali domestici, SSD AGR/17, 5 cfu (3+2 cfu = 24+32 = 56 ore); curricolare
- SCIENZE BIOTECNOLOGICHE VETERINARIE (Classe LM-9)
H52-79.22.1 Etiopathogenesis of hereditary and parasitic diseases - Docente Presidente; H52-79-A Unit: Genomic analysis of inherited diseases, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 cfu = 12 + 12 = 24 ore); curricolare

- SCUOLA DI SPECIALIZZAZIONE in “Scienza e medicina degli animali da laboratorio”, UNIMI, SSD/AGR17, 8 ore

• **A.A. 2016/2017 Carico didattico totale 120 ore**

- SCIENZE DELLE PRODUZIONI ANIMALI (Classe L-38)

H16-14.22.1 Genetica e Selezione Zootecnica; H16-14-A Unita' didattica: Genetica di base, SSD AGR/17, 4 cfu (3+1 cfu = 24+16 = 40 ore); curricolare

- BIOTECNOLOGIA (Classe L-2)

K06-30.22.1 Genetica molecolare e modelli animali; Unita' didattica: Genetica molecolare e applicazioni negli animali domestici, SSD AGR/17, 5 cfu (3+2 cfu = 24+32 = 56 ore); curricolare

- SCIENZE BIOTECNOLOGICHE VETERINARIE (Classe LM-9)

H52-79.22.1 Etiopathogenesis of hereditary and parasitic diseases - Docente Presidente; H52-79-A Unit: Genomic analysis of inherited diseases, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 cfu = 12+12 = 24 ore); curricolare

• **A.A. 2015/2016 Carico didattico totale 120 ore**

- SCIENZE DELLE PRODUZIONI ANIMALI (Classe L-38)

H16-14.22.1 Genetica e Selezione Zootecnica; H16-14-A Unita' didattica: Genetica di base, SSD AGR/17, 4 cfu (3+1 cfu = 24+16 = 40 ore); curricolare

- BIOTECNOLOGIE VETERINARIE (Classe L-2)

H12-74.16.1 Genetica molecolare e nutrizione animale; H12-74-B Unita' didattica: genetica molecolare negli animali domestici SSD AGR/17, 5 cfu (3+2 cfu = 24+32 = 56 ore); curricolare

- SCIENZE BIOTECNOLOGICHE VETERINARIE (Classe LM-9)

H52-41.16.1 Etiopatogenesi delle patologie ereditarie e parassitarie - Docente Presidente; H52-41-B Unita' didattica: Analisi genomica nell'eredità delle malattie SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 cfu = 12+12 = 24 ore); curricolare

• **A.A. 2014/2015 Carico didattico totale 64 ore**

- BIOTECNOLOGIE VETERINARIE (Classe L-2)

H12-45.15.1) Genetica, allevamento e biotecnologie; H12-45-A Modulo: Genetica molecolare negli animali domestici, SSD AGR/17, 4 cfu (3+1 cfu = 24+16 = 40 ore); curricolare

- SCIENZE BIOTECNOLOGICHE VETERINARIE (Classe LM-9)

H52-41.16.1 Etiopatogenesi delle patologie ereditarie e parassitarie - Docente Presidente; H52-41-B Unita' didattica: Analisi genomica nell'eredità delle malattie SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 cfu = 12+12 = 24 ore); curricolare

• **A.A. 2013/2014 Carico didattico totale 112 ore**

- PRODUZIONI ANIMALI, ALIMENTI E SALUTE (Classe L-38)

H14-104.14.1 Biologia, Genetica e Agronomia - Docente Presidente; H14-104-A Modulo: Biologia Generale e Genetica, BIO/01 e SSD AGR/17; SSD/AGR17, 4 cfu (2+2 cfu = 16+32 = 48 ore); curricolare

- BIOTECNOLOGIE VETERINARIE (Classe L-2)

H12-45.15.1) Genetica, allevamento e biotecnologie; H12-45-A Modulo: Genetica molecolare negli animali domestici, SSD AGR/17, 4 cfu (3+1 cfu = 24 + 16 = 40 ore); curricolare

- SCIENZE BIOTECNOLOGICHE VETERINARIE (Classe LM-9)

H52-37.14.1 Biotecnologie e modelli sperimentali; H52-37-A Unita' didattica: Metodo sperimentale e project design in genetica animale, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 cfu = 12+12 = 24 ore); curricolare

• **A.A. 2012/2013 Carico didattico totale 104 ore**

- PRODUZIONI ANIMALI, ALIMENTI E SALUTE (Classe L-38)

H14-31.13.1 Elementi di Produzioni Animali

H14-31-A Modulo: Genetica di base e tracciabilità dei prodotti, SSD AGR/17, 4 cfu (3+1 cfu = 24+16 = 40 ore); curricolare

- BIOTECNOLOGIE VETERINARIE (Classe L-2)

H12-45.15.1) Genetica, allevamento e biotecnologie; H12-45-A Modulo: Genetica molecolare negli animali domestici, SSD AGR/17, 4 cfu (3+1 cfu = 24+16 = 40 ore); curricolare

- SCIENZE BIOTECNOLOGICHE VETERINARIE (Classe LM-9)

H52-20.13.1 Genetica molecolare, genomica e benessere in allevamento; H52-20-B Modulo: Metodo sperimentale e project design in genetica animale, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 cfu = 12+12 = 24 ore); curricolare

• **A.A. 2011/2012 Carico didattico totale 120 ore**

- PRODUZIONI ANIMALI, ALIMENTI E SALUTE (Classe L-38)

H14-31.13.1 Elementi di Produzioni Animali; H14-31-A Modulo: Genetica di base e tracciabilità dei prodotti, SSD AGR/17, 4 cfu (3+1 cfu = 24+16 ore = 40); curricolare

- BIOTECNOLOGIE VETERINARIE (Classe L-2)

H12-45.15.1) Genetica, allevamento e biotecnologie; H12-45-A Modulo: Genetica molecolare negli animali domestici, SSD AGR/17, 4 cfu (3+1 cfu = 24+16 = 40 ore); curricolare

- SCIENZE BIOTECNOLOGICHE VETERINARIE (Classe LM-9)

H52-20.13.1 Genetica molecolare, genomica e benessere in allevamento; H52-20-B Modulo: Metodo sperimentale e project design in genetica animale, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 cfu = 12+12 = 24 ore); curricolare

- MEDICINA VETERINARIA

H08-95.12.1 Clinica e management del cavallo sportivo; H08-95-H Genetica di base per la pratica equina e terapia genica, SSD AGR/17, 1 cfu (16 ore), a scelta

• **A.A. 2010/2011 Carico didattico totale 104 ore**

- PRODUZIONI ANIMALI, ALIMENTI E SALUTE (Classe L-38)

H14-31.13.1 Elementi di Produzioni Animali

H14-31-A Modulo: Genetica di base e tracciabilità dei prodotti, SSD AGR/17, 4 cfu (3+1 cfu = 24+16 = 40 ore); curricolare

- BIOTECNOLOGIE VETERINARIE (Classe L-2)
H12-45.15.1) Genetica, allevamento e biotecnologie; H12-45-A Modulo: Genetica molecolare negli animali domestici, SSD AGR/17, 4 cfu (3+1 cfu = 24+16 = 40 ore); curricolare
- SCIENZE BIOTECNOLOGICHE VETERINARIE (Classe LM-9)
H52-20.13.1 Genetica molecolare, genomica e benessere in allevamento; H52-20-B Modulo: Metodo sperimentale e project design in genetica animale, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 cfu = 12+12 = 24 ore); curricolare
- **A.A. 2009/2010 Carico didattico totale 128 ore**
- PRODUZIONI ANIMALI, ALIMENTI E SALUTE (Classe L-38)
H14-31.13.1 Elementi di Produzioni Animali; H14-31-A Modulo: Genetica di base e tracciabilità dei prodotti, SSD AGR/17, 4 cfu (3+1 cfu = 24+16 = 40 ore); curricolare
- BIOTECNOLOGIE VETERINARIE (Classe L-2)
H11-7.10.1 Biotecnologie applicate al miglioramento genetico e alle produzioni animali e qualità dei prodotti derivati; H11-7-A Moduli: Miglioramento Genetico, SSD AGR/17, 4 cfu (3+1 cfu = 24+16 = 40 ore); curricolare
- SCIENZE BIOTECNOLOGICHE VETERINARIE (Classe LM-9)
H52-20.13.1 Genetica molecolare, genomica e benessere in allevamento; H52-20-B Modulo: Metodo sperimentale e project design in genetica animale, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 cfu = 12+12 = 24 ore); curricolare
- SCIENZE E TECNOLOGIE DELLE PRODUZIONI ANIMALI
H50-25.10.1 Miglioramento genetico avanzato e Tecnologie del DNA per il miglioramento genetico; H50-25-B Tecnologie del DNA per il miglioramento genetico avanzato, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 cfu = 12+12 = 24 ore); curricolare
[Nell'A.A. 2009/2010 il CdL in STPA ha ridotto le ore di un cfu da 8 a 6]
- **A.A. 2008/2009 Carico didattico totale 96 ore**
- TECNOLOGIE DELLE PRODUZIONI ANIMALI E QUALITA' DEI PRODOTTI (Classe L-38)
H10-20.09.1 GENETICA, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 = 16+16 = 32 ore); curricolare
- BIOTECNOLOGIE VETERINARIE (Classe L-2)
H11-7.10.1 Biotecnologie applicate al miglioramento genetico e alle produzioni animali e qualità dei prodotti derivati; H11-7-A Moduli: Miglioramento Genetico, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 cfu = 16+16 = 32 ore); curricolare
- SCIENZE E TECNOLOGIE DELLE PRODUZIONI ANIMALI
H50-25.10.1 Miglioramento genetico avanzato e Tecnologie del DNA per il miglioramento genetico; H50-25-B Tecnologie del DNA per il miglioramento genetico avanzato, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 cfu = 16+16 = 32 ore); curricolare
- **A.A. 2007/2008 Carico didattico totale 96 ore**
- TECNOLOGIE DELLE PRODUZIONI ANIMALI E QUALITA' DEI PRODOTTI
H10-20.08.1 Genetica, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 = 16+16 = 32 ore); curricolare
- BIOTECNOLOGIE VETERINARIE (Classe L-2)
H11-7.08.1 Biotecnologie applicate al miglioramento genetico e alle produzioni animali e qualità dei prodotti derivati; H11-7-A Moduli: Miglioramento Genetico, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 cfu = 16+16 = 32 ore); curricolare
- SCIENZE E TECNOLOGIE DELLE PRODUZIONI ANIMALI
H50-25.08.1 Miglioramento genetico avanzato e Tecnologie del DNA per il miglioramento genetico; H50-2-B Tecnologie del DNA per il miglioramento genetico avanzato, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 cfu = 16+16 = 32 ore); curricolare
- **A.A. 2004/2005 Carico didattico totale 96 ore**
- TECNOLOGIE DELLE PRODUZIONI ANIMALI E QUALITA' DEI PRODOTTI
H10-20.05.1 Genetica, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 = 16+16 = 32 ore); curricolare
- PRODUZIONI ANIMALI, ALIMENTI E SALUTE
H*01-30.05.1 Genetica e salute negli animali domestici, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 = 16+16 = 32 ore); curricolare
- SCIENZE E TECNOLOGIE DELLE PRODUZIONI ANIMALI
H50-25.1 Miglioramento genetico avanzato e Tecnologie del DNA per il miglioramento genetico; H50-2-B Tecnologie del DNA per il miglioramento genetico avanzato, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 cfu = 16+16 = 32 ore); curricolare
- **A.A. 2003/2004 Carico didattico totale 64 ore**
- TECNOLOGIE DELLE PRODUZIONI ANIMALI E QUALITA' DEI PRODOTTI
Genetica, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 = 16+16 = 32 ore); curricolare
- SCIENZE E TECNOLOGIE DELLE PRODUZIONI ANIMALI - Classe delle lauree n. 79/S; Tecnologie del DNA per il miglioramento genetico avanzato, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 cfu = 16+16 = 32 ore); curricolare
- **A.A. 2002/2003 Carico didattico totale 64 ore**
- TECNOLOGIE DELLE PRODUZIONI ANIMALI E QUALITA' DEI PRODOTTI
Genetica, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 = 16+16 = 32 ore); curricolare
- ALLEVAMENTO E BENESSERE ANIMALE
Genetica, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 = 16+16 = 32 ore); curricolare
- **A.A. 2001/2002 Carico didattico totale 32 ore**
- TECNOLOGIE DELLE PRODUZIONI ANIMALI E QUALITA' DEI PRODOTTI
Genetica, SSD AGR/17, 3 cfu (2+1 = 16+16 = 32 ore); curricolare
- **A.A. 2000/2001 Carico didattico totale 50 ore**
- DIPLOMA UNIVERSITARIO IN PRODUZIONI ANIMALI, orientamento: assistenza tecnica e divulgazione in zootecnia (area 11 "Produzioni animali")
Genetica, SSD AGR/17, 50 ore; curricolare

• **A.A. 1999/2000** **Carico didattico totale 50 ore**

DIPLOMA UNIVERSITARIO IN PRODUZIONI ANIMALI, orientamento: assistenza tecnica e divulgazione in zootecnia (area 11 "Produzioni animali")

Genetica, SSD AGR/17, 50 ore; curricolare

• **A.A. 1996/1997** **Carico didattico totale 2 ore**

SCIENZE DELLE PRODUZIONI ANIMALI

Immunogenetica (esercitazioni di biologia molecolare), SSD AGR/17, 2 ore

• **A.A. 1995/1996** **Carico didattico totale 2 ore**

SCIENZE DELLE PRODUZIONI ANIMALI

Immunogenetica (esercitazioni di biologia molecolare), SSD AGR/17, 2 ore

• **A.A. 1992/1993, A.A. 1991/1992, A.A. 1990-1991, A.A. 1889/1990, A.A. 1988/1989,**

Partecipazione alle attività didattiche dell'Istituto di Zootecnia della Facoltà di Medicina Veterinaria attraverso lo svolgimento di lezioni, di seminari ed il coordinamento di studenti in tesi, sia nella fase di ricerca sperimentale che in quella di elaborazione ed esposizione dei risultati. Ha inoltre partecipato alle commissioni di esame di Immunogenetica Zootecnica in qualità di Cultore della Materia come da delibera del Consiglio di Corso di Laurea in Medicina Veterinaria del 24.3.1992 e del Consiglio di Corso di Laurea in Scienze della Produzione Animale del 30.11.1992 della Facoltà di Medicina Veterinaria di Milano.

5.1.2 Attività didattica in Scuole di Specializzazione dell'Università degli Studi di Milano

• Sc.Sp. "Scienza e medicina degli animali da laboratorio".

A.A. 2020 - 2021 - Lezioni: "Richiami di genetica", SSD AGR/17 (8 ore frontali)

A.A. 2017 - 2018 - Lezioni: "Introduzione alla genetica", SSD AGR/17 (8 ore frontali)

A.A. 2014 - 2015 - Lezioni: "Elementi di genetica", SSD AGR/17 (8 ore frontali)

A.A. 2011 - 2012 - Lezioni: "Elementi di genetica", SSD AGR/17 (8 ore frontali)

A.A. 2003 - 2004 - Lezioni: "Genetica, riproduzione e gestione degli animali da laboratorio", SSD AGR/17 (8 ore frontali)

• Sc.Sp. in "Clinica dei piccoli animali".

A.A. 2011 - 2012 - Lezioni: "Genetica dei mantelli", SSD AGR/17 (2 ore frontali)

"Patologie ereditarie", SSD AGR/17 (2 ore frontali)

• Sc.Sp. in "Etologia applicata e benessere degli animali di interesse zootecnico e degli animali da affezione".

A.A. 2003 - 2004 - Lezione: "Biotecnologie applicate per il miglioramento del benessere animale", SSD AGR/17 (2 ore frontali)

• Sc.Sp. in "Miglioramento genetico degli animali domestici e delle produzioni zootecniche".

A.A. 1994- 1995 - Lezione: "L'eredità patologica", SSD AGR/17 (2 ore frontali)

5.1.3 Attività didattica presso altri Atenei (Nulla osta richiesto e ottenuto in quanto carico didattico coperto)

• **Master di II livello in Medicina Interna del Cane E Del Gatto**, nell'ambito delle attività di Formazione Post-laurea, presso il Dipartimento di Scienze Medico Veterinarie dell'Università degli Studi di Parma

A.A. 2017 - 2018 - Lezioni "Genetica del cane e del gatto", SSD AGR/17, 8 ore frontali

A.A. 2015 - 2016 - Lezioni "Genetica del cane e del gatto", SSD AGR/17, 8 ore frontali.

5.2 ATTIVITÀ DI DIDATTICA INTEGRATIVA E DI SERVIZIO AGLI STUDENTI

5.2.1 Attività di relatore di elaborati di laurea, di tesi di laurea magistrale, di tesi di dottorato e di tesi di specializzazione dell'Università degli Studi di Milano

• **Relatore di Elaborati di Laurea Triennale in Biotecnologie veterinarie - dall'A.A. 2016-2017 Biotecnologia, curriculum veterinario (Classe L-2), N.13:**

A.A. 20015 - 2016: Cassandra MARGOTTA, Matr. 839115, "Variabilità nel gene T-Box della brachyury in una famiglia di gatti Khmer segreganti per il fenotipo Tailless".

A.A. 2015 - 2016.: Rosalba Olga PROCE, Matr.839494, "Variabilità nel gene di regolazione della somitogenesi HES7 in un gruppo familiare di gatti Khmer segreganti per il fenotipo Tailless"

A.A. 20014 - 2015: Elena FORCATI, Matr.819427, "Valutazione degli effetti della liofilizzazione sul deterioramento del DNA genomico".

A.A. 2013 - 2014: Francesca GENOVA, Matr.781365, "Messa a punto del test e screening genetico per la Mucopolisaccaridosi VI nel gatto Sacro di Birmania"

A.A. 2012 - 2013: Giada MASCHERONI, Matr.776559, "SNP genotyping per la diagnostica genetica: Bigdye® Terminator cycle sequencing e chimica Kaspar™ a confronto".

A.A. 2012 - 2013: Luana CRESCENTI, Matr.769988, Amiloidosi eredo-famigliare nel gatto Abissino: analisi di segregazione e sequenziamento diretto della regione amiloide-associata del gene SAA.

A.A. 2011 - 2012: Paola BINELLO, Matr.732068, "Sequenziamento diretto della regione amiloide-associata del gene SAA in *Felis silvestris catus* e *Panthera tigris*

A.A. 2010 - 2011: Marcello BETTINELLI, Matr.714787, "Messa a punto di un test in Real Time PCR per la genotipizzazione di polimorfismi SNP della beta caseina bovina"

A.A. 2009 - 2010: Riccardo MORETTI, Matr. 722867, "Sequenziamento e polimorfismi SNP in MYBPC3 per l'identificazione di aplotipi legati all'HCM in diverse specie feline"

- A.A. 2008 - 2009: Daniele BETTONI, Matr.710852, "Identificazione e analisi di Single Nucleotide Polymorphism in geni causativi di patologie nella razza Bruna"
- A.A. 2008 - 2009: Alice CAVALLINI, Matr. 709900, "Associazione tra fenotipo clinico e mutazione di MYBPC3, causativa di Miocardiopatia Iperτροφica nei gatti di razza Maine Coon e Ragdoll"
- A.A. 2007 - 2008: Simona BOCCALETTI, Matr. 693481, "Screening della mutazione causativa di Cardiomiopatia Iperτροφica mediante sequenziamento di DNA genomico nella razza felina Maine Coon".
- A.A. 2006 -2007: Eva PIANO MORTARI, Matr. 664485, "Benessere e allevamento del gatto domestico: aspetti delle problematiche comportamentali e diagnostica molecolare delle principali malattie ereditarie"
- **Relatore di Elaborati di Laurea Triennale in Allevamento e Benessere Animale (Classe L-38), N.1**
- A.A. 2016 - 2017: Francesca VALLI, Matr. 851375, "Il gatto Siberiano: caratteristiche della razza e ipoallergenicità"
- **Relatore di Elaborati di Laurea Triennale in Scienze e Tecnologie delle Produzioni Animali e Qualità dei Prodotti (Classe L-38), N.1**
- A.A. 2003 - 2004: Erika FRIGO, Matr.610064, "Polimorfismi SNP nel gene candidato BMPR1B per la prolificità nel suino in incroci Iberico X Meishan"
- **Relatore Tesi di Laurea Magistrale in Scienze Biotecnologiche Veterinarie (Classe LM-9), N.6:**
- A.A. 2018 - 2019: Valeria CORSINI, Matr. 921403 "Identification and expression of miRNAs in renal tissue of Abyssinian cats with inherited amyloidosis"
- A.A. 2017-2018: Rosalba Olga PROCE, Matr. 894489, "Investigating cerebral cortex development and behaviour of immunodeficiency WHIM syndrome animal model"
- A.A. 2016 -2017: Michela CARSETTI, Matr. 876621, "A structural bioinformatic analysis of the celiac disease related chemokine-cxc-receptor-3 - gliadin binding complex".
- A.A.2015 - 2016: Francesca GENOVA, Matr. 853928 "LTA4H and FXR1 gene expression as potential biomarker for canine oral cavity melanoma metastasis in FFPE samples"
- A.A. 2014 - 2015: Luana CRESCENTI, Matr.840259 "Genome wide association analysis per l'identificazione delle cause genetiche dell'amiloidosi felina".
- A.A. 2009 - 2010: Simona BOCCALETTI, Matr. 754771, "Genome-wide association con high density DNA microarray per identificare nella razza canina Rhodesian ridgeback regioni candidate di una neuropatia CMT-like"
- **Relatore Tesi di Laurea Magistrale in Scienze e Tecnologie delle Produzioni Animali (LM-86), N.2:**
- A.A. 2005 - 2006 Erika FRIGO, Matr. 685055, "Caratterizzazione genetica della razza autoctona Ottonese-Tortonese-Varzese"
- A.A. 2003 - 2004: Silvia FARINA, Matr.598370, "Analisi del DNA mitocondriale (mtDNA) come strumento integrativo per la selezione di *Tursiops truncatus* in cattività"
- **Relatore di Tesi di Laurea a ciclo unico in Medicina Veterinaria (LM-42), N.4:**
- A.A. 2012 - 2013: Francesca SAFFIRIO, Matr.677434, "Estrazione di DNA genomico da preparati FFPE per studi genomici retrospettivi sull'amiloidosi felina"
- A.A. 2012 - 2013: Gianpietro BELUSSI, Matr.676322, "Analisi della trasmissione e della frequenza della mutazione causativa di ittiosi fetale bovina nella Chianina in Italia".
- A.A. 2011 - 2012: Silvia FILIPPONE, Matr.633671, "Lo sviluppo di una Biobank felina come supporto alla diagnostica clinica nel controllo delle malattie ereditarie"
- A.A. 2009 - 2010: Beatrice FUNICIELLO, Matr. 673042, "Relazioni tra problematiche comportamentali su base ansiosa e neurotrasmettitori nel gatto".
- **Relatore di Tesi di Laurea a ciclo unico in Biotecnologie indirizzo Veterinario, N.3**
- A.A. 2003 - 2004: Barbara GANDOLFI Matr.601963, "Ittiosi ereditaria nel bovino di razza Chianina: analisi di retrotrascritti e identificazione di polimorfismi del gene candidato Transglutaminasi1 su un pedigree informativo"
- A.A. 2002 - 2003: Sabrina DARDANO, Matr 601543" Ittiosi nel bovino di razza Chianina: trasmissione ereditaria e analisi molecolare del gene candidato Transglutaminasi 1"
- A.A. 2000 - 2001: Tania PERRONE, Matr.553382 "Sequenziamento di un gene candidato per l'artrogrifosi bovina: il gene SMN"
- **Relatore di Tesi di Dottorato, N.4**
- Dottorato di Ricerca in "Veterinary and Animal Science"
- A.A. 2018 - 2019 (ciclo XXXII): Francesca GENOVA Matr. R11547 "Next Generation Genomic and Proteomic Analyses in Feline Amyloidosis".
- Dottorato di Ricerca in "Biotecnologie Applicate alle Scienze Veterinarie e Zootecniche"
- A.A. 2008/2009 (XXII ciclo): Barbara GANDOLFI Matr. R06910 "The genomic analysis of KIT in white spotted cats: characterization of the Birman gloves phenotype".
- A.A. 2005 -2006 (XIX ciclo): Sabrina DARDANO "Analisi molecolare dell'eredità patologica nel bovino: Ittiosi nella razza Chianina e Spinal Muscular Atrophy nella razza Bruna".
- A.A. 2004 - 2005 (ciclo XIX): Isabella TABONI Matr. R04759 "Sequenza completa e caratterizzazione molecolare del ceppo vaccinale DF2-FIPV di Coronavirus felino"
- **Relatore di Tesi di Specializzazione, N.1**
- Scuola di Specializzazione in Miglioramento genetico degli animali domestici
- A.A. 2001 - 2002: Giovanni RATTEGNI, Matr. S50192 "Analisi introduttiva della variabilità genetica in delfini della specie *Tursiops truncatus* mantenuti in cattività: indicazioni per programmi riproduttivi".

5.2.2 Attività di tutorato degli studenti di corsi di laurea e di laurea magistrale e di tutorato di dottorandi di ricerca

• Tutor di tirocini universitari curriculari dell'Università degli Studi di Milano

○ Corso di Laurea Triennale:

- Biotecnologia (Classe L-2), **N.11:**

A.A. 2015 - 2016: Cassandra MARGOTTA, Matr. 839115; A.A. 2015 - 2016: Rosalba Olga PROCE, Matr.839494; A.A. 2014 - 2015: Elena FORCATI, Matr.819427; A.A. 2013 - 2014: Francesca GENOVA, Matr.781365; A.A. 2012 - 2013: Giada MASCHERONI, Matr.776559; A.A. 2012 - 2013: Luana CRESCENTI, Matr.769988; A.A. 2011 - 2012: Paola BINELLO, Matr.732068; A.A. 2009 - 2010: Riccardo MORETTI, Matr. 722867; A.A. 2008 - 2009: Alice CAVALLINI, Matr. 709900; A.A. 2007 - 2008: Simona BOCCALETTI, Matr. 693481; A.A. 2006 - 2007: Eva PIANO MORTARI, Matr. 664485

- Allevamento e Benessere Animale (Classe L-38), **N.1:** A.A. 2016 - 2017: Francesca VALLI, Matr. 851375

○ Corso di Laurea Magistrale:

- Scienze Biotecnologiche Veterinarie (Classe LM-9); **N.5:**

A.A. 2018 - 2019: Valeria CORSINI, Matr. 921403; A.A. 2017- 2018: Rosalba Olga PROCE, Matr. 894489; A.A. 2016 - 2017: Michela CARISSETTI, Matr. 876621; A.A. 2014 - 2015: Luana CRESCENTI, Matr.840259; A.A. 2009 - 2010: Simona BOCCALETTI, Matr. 754771.

- Scienze e Tecnologie delle Produzioni Animali (LM-86), **N.2:**

A.A. 2005 - 2006: Erika FRIGO, Matr. 685055; A.A. 2003 - 2004: Silvia FARINA, Matr.598370

○ Corso di Laurea a Ciclo Unico:

- Medicina Veterinaria (LM-42), **N.2:**

A.A. 2012 - 2013: Francesca SAFFIRIO, Matr.677434; A.A. 2011 - 2012: Silvia FILIPPONE, Matr.633671

- Biotecnologie indirizzo Veterinario, **N. 3:**

A.A. 2003 - 2004: Barbara GANDOLFI Matr.601963; A.A. 2002 - 2003: Sabrina DARDANO, Matr601543; A.A. 2000 - 2001: Tania PERRONE, Matr.553382

• Tutor di Dottorandi di Ricerca dell'Università degli Studi di Milano

○ Dottorato in:

- Veterinary and Animal Science, **N.1:**

A.A. 2018 - 2019 (ciclo XXXII): Francesca GENOVA Matr. R11547

- Biotecnologie Applicate alle Scienze Veterinarie e Zootecniche, **N3:**

A.A. 2008/2009 (XXII ciclo): Barbara GANDOLFI Matr. R06910; A.A. 2005 -2006 (XIX ciclo): Sabrina DARDANO Matr.;

A.A. 2004 - 2005 (ciclo XIX): Isabella TABONI Matr. R04759

6. SEMINARI SU INVITO E/O ORGANIZZAZIONE di GIORNATE SCIENTIFICHE

6.1 UNIVERSITÀ ED ENTI NAZIONALI

○ Organizzatore: Giornata Biotech for Future” nel contesto dell’annuale European Biotech Week - Università degli Studi di Milano, Polo di Lodi, 29/09/2021 e 30/09/2022

○ Organizzatore: Giornata “Risk assessment: dalla Formazione al Lavoro”. Università degli Studi di Milano, Polo di Lodi, 11/11/2021

○ Organizzatore: Workshop “Cooperazione tra EFSA e gli Organismi riconosciuti ai sensi dell’art.36 del Reg. (CE) 178/2002”. Università degli Studi di Milano, Milano, 22/11/2018.

○ Seminario - Relatore su invito: “DNA diagnostic tests for Inherited diseases in pets”. European School for Advanced Veterinary Studies - European Veterinary Society for Small Animal Reproduction. Università di Milano, Facoltà di M. Veterinaria, Milano, 15/09/2008

○ Seminario - Relatore su invito: “Il controllo delle malattie genetiche mediante analisi del DNA negli animali d’affezione”. Convegno “la Genetica Molecolare: nuovi orizzonti in Medicina Veterinaria”, workshop “Malattie genetiche in ambito veterinario”. Centro di riferimento per le Encefalopatie Animali, Istituto Zooprofilattico del Piemonte, Liguria e Valle d’Aosta, Torino, 4/10/2007.

○ Seminario - Relatore su invito: “Il DNA dei bovini di razza Varzese-Ottonese-Tortonese: prime indicazioni per la caratterizzazione del tipo genetico autoctono e per le scelte selettive”. Convegno “I bovini della razza autoctona Varzese-Ottonese-Tortonese: una biodiversità da salvaguardare” Associazione Provinciale Allevatori Pavia e dalla Provincia di Pavia, Voghera, 26/02/2007.

○ Seminario - Relatore su invito: “Marcatori molecolari per l’analisi delle patologie ereditarie e della predisposizione alle malattie”. Dottorato Di Ricerca in “Biotecnologie Applicate alle Scienze Veterinarie e Zootecniche”, Università di Milano, Milano, 4/4/2003, (8 ore).

○ Seminario - Relatore su invito: “Marcatori molecolari a DNA (microsatelliti) per l’identificazione dei cetacei”. Dottorato Di Ricerca in “Medicina degli Animali”, Università di Padova, Legnaro (PD) 30/09/2003, (2 ore).

○ Seminario - Relatore su invito: “Artrogrifosi congenita nella bovina piemontese: analisi del gene SMN”. Workshop “Analisi e utilizzo dei dati molecolari in animal breeding”, Campobasso, Facoltà di Agraria, Università del Molise, 27/09/2002.

○ Seminario - Relatore su invito: “Artrogrifosi nella bovina piemontese”. Dottorato Di Ricerca in “Biotecnologie Applicate alle Scienze Veterinarie e Zootecniche”, Università di Milano, Milano, AA 2000/2001, (2 ore).

○ 6.2 DIVULGAZIONE E AGGIORNAMENTO SCIENTIFICO PERMANENTE A PROFESSIONISTI, ALLEVATORI, PUBLIC ENGAGEMENT (TERZA MISSIONE)

- Organizzatore evento e Relatore: Tavola Rotonda Virtuale per gli allevatori di tutte le associazioni nazionali e club di razza: “L'Osservatorio Veterinario Italiano Cardiopatie (OVIC) si confronta con gli allevatori: facciamo il punto insieme”. On line, 29/05/2022.
- Organizzatore: “Il corso di Laurea in Scienze Biotechologiche Veterinarie apre i suoi Laboratori alle Scuole Superiori del territorio”. Evento di un giorno. Università di Milano, Polo di Lodi, 04/10/2021.
- Organizzatore evento e Relatore Seminario: “Le biotecnologie per svelare la diversità del genoma animale”. Evento “Biotech for Future”. Dipartimento di Medicina Veterinaria e Dipartimento di Scienze Veterinarie per la Salute, la Produzione Animale e la Sicurezza Alimentare. 29/09/2021.
- Seminario - Relatore su invito -: “Introduzione alla genetica applicata alla cardiologia”. Elanco - “Congresso di cardiologia on-line - Cardiopatie e genetica nel cane e nel gatto”, formazione post-laurea per veterinari, on-line 6/11/2021.
- Seminari - Relatore su invito: 1. “Genetica e riproduzione specie, razza, genealogia, parentela e consanguineità”. 2. “Valore genetico, scelta dei riproduttori, metodologie di selezione”. 3. “Inbreeding, linebreeding e out-crossing”. IV Master per l'allevatore felino - ed. on line. Associazione Nazionale Felina Italiana (A.N.F.I.). 11/07/2021.
- Seminario - Relatore su invito: “Conoscere e prevenire le patologie genetiche di razza: malattie muscolari e metaboliche”. IV - Master per l'allevatore felino. A.N.F.I. - ed. on line. 08/05/2021.
- Seminario - Relatore su invito: “La genetica applicata all'allevamento: nozioni generali e genetica del fenotipo”. IV Master per l'allevatore felino. A.N.F.I. - ed. on line. 18/04/2021.
- Organizzatore evento e relatore Seminario: “Basi genetiche della Cardiomiopatia ipertrofica nel gatto”. OVIC - “Webinar di Cardiologia ed ecocardiografia felina”, on-line 28/03/2021.
- Seminari - Relatore su invito: 1. “La genetica applicata all'allevamento: nozioni generali e genetica del fenotipo”. 2. “Conoscere e prevenire le patologie genetiche di razza (HCM, PKD)”. 3. “Conoscere e prevenire le patologie genetiche di razza: malattie muscolari e metaboliche”. III Master allevatore felino. SCIVAC-A.N.F.I., Cremona, 15/07/2018
- Seminario - Relatore su invito: “Genetica del colore nel Bull dog francese”. French Bulldog Meeting, Bergamo, 15/04/2018
- Seminario - Relatore su invito: “La predisposizione all'amiloidosi nel gatto Abissino. I risultati della ricerca”. Meeting “La predisposizione all'amiloidosi nel gatto Abissino e l'impatto della genomica sull'allevamento del gatto di razza”, CIGAS-A.N.F.I.-FIFE, Milano, 06/04/2018
- Seminari - Relatore su invito: 1. “Introduzione alle malattie genetiche nelle razze feline”. 2. “Cos'è la PRA e test disponibili sul mercato”. 3. “La PK Deficiency: cosa la causa e per chi è indicato il test. Altri test per gli allevatori A.N.F.I.”. 4. “Aggiornamento sulla cardiomiopatia ipertrofica (HCM), 10 anni di lavoro nel MCO e situazione nelle altre razze”. 5. “PKD: andamento in Italia e sviluppi”. Convegno “Le malattie genetiche nel gatto di razza: quello che non puoi non sapere” per la certificazione dei controlli di cucciolata e approfondimento sull'allevamento felino. A.N.F.I., Milano, 18/02/2018.
- Seminario - Relatore su invito: “Introduzione alle malattie ereditarie”. Corso propedeutico per accreditamento Osservatorio Italiano HCM Felina. CIVIT, Treviso, 29/11/2014
- Seminari - Relatore su invito: 1. “PK Deficiency: cos'è, screening genetico, razze da controllare”. 2. “L'Osservatorio HCM: il punto e qualche aggiornamento a 6 anni di vita”. Manifestazione allevatoriale Magnificat, Roma, 08/11/2014
- Seminari - Relatore su invito: 1. “La genetica applicata all'allevamento: nozioni generali e genetica del fenotipo”. 2. “Conoscere e prevenire le patologie genetiche di razza (HCM, PKD): gli aspetti genetici”. Master allevatore felino. F.S.A. - A.N.F.I. - A.N.M.V.I., Cremona, 19/02/2014
- Seminario - Relatore su invito: “Patologie ereditarie nel Birmano”. Associazione Italiana Amatori Gatto Sacro di Birmania (A.Ga.Bi.), Malpensa (VA), 11/10/2013
- Seminari - Relatore su invito: “Fondamenti di genetica dell'allevamento felino: trasmissione dei principali caratteri”. 2. “Test per le più comuni malattie genetiche dei gatti: come e quando applicarli”. Manifestazione allevatoriale Felina Maxima, Villa Erba, Cernobbio (CO), 16/02/2013
- Seminario - Relatore su invito. “Genetica, prevenzione e diagnosi molecolare delle principali malattie ereditarie del gatto”. Convegno A.N.F.I. Toscana “Il gene nella lampada: la genetica per la salute e il miglioramento del gatto di allevamento”, Pistoia, 17/06/2012
- Organizzatore evento e relatore Seminario: “Cardiomiopatia Iperetrofica Felina (HCM) aggiornamenti sulla ricerca, tre anni di lavori dell'Osservatorio Italiano HCM Felina”. “IV Seminario Maine Coon Club”, A.N.F.I. Lombardia, A.GA.BI., Osservatorio Italiano HCM, Reggio Emilia, 05/06/2011
- Seminario - Relatore su invito: “Genetica e diagnosi molecolare della cardiomiopatia ipertrofica (HCM) e della malattia policistica renale (PKD) del gatto”. Convegno “Patologie su base ambientale e genetica negli animali da compagnia”. Vetogene Spin-Off Università degli Studi di Milano, Fondazione Filarete Milano, 11/02/2011
- Seminario - Relatore su invito: “Genetica di base e genetica dei mantelli nel gatto domestico”. Convegno “Primi passi nella genetica felina”. A.N.F.I. Lombardia, Università degli Studi di Milano, Milano, 28/11/2010
- Organizzatore: “III Seminario Maine Coon Club”, Università degli Studi di Milano, Milano, 17/01/2010.
- Seminari - Relatore su invito: 1. “HCM nel Maine Coon”. 2. “Genetica di base”. A.N.F.I., MCO Club, AGABi Trento, 01/11/2009
- Seminari - Relatore su invito: 1. “Introduzione alla genetica nel gatto”. 2. “Uso dei test genetici nelle patologie feline”. Simposio sulle principali malattie genetiche del gatto, Soc. It. Med.Felina, Cremona, 9/11/2008

- Seminari - Relatore su invito: 1. “Genetica del colore, aspetti scientifici e dell'allevamento”. 2. “Osservatorio Italiano HCM Felina aggiornamento sul lavoro svolto”. “Il Seminario Maine Coon Club”, Reggio Emilia, 28/09/2008
- Seminario - Relatore su invito: “Miocardiopatia ipertrofica (HCM) - Rene Policistico (PKD) - Genetica ed aspetti caratteristici della malattia”. “Il Seminario Maine Coon Club”, Parma, 07/10/2007
- Seminari - Relatore su invito: 1. “Aspetti genetici e trasmissione ereditaria e diagnosi genetica della PDK nel gatto”. 2. “Aspetti genetici, trasmissione ereditaria e diagnosi genetica della miocardiopatia ipertrofica nel gatto”. Associazione Veterinaria Italiana di Ecografia Clinica (AVIEC), Università degli Studi di Milano, Milano, 05/05/2007
- Seminario - Relatore su invito: “P.K.D. Polycystic Kidney Disease o malattia del rene policistico”. Esposizione Internazionale Felina, A.N.F.I.- F.I.Fe., La Spezia, 05/03/2006
- Seminario - Relatore su invito: “Genetica del cane”. Corso E.C.M.: “Etologia del cane al servizio dell'Igiene urbana veterinaria” E.N.C.I e ASL12 di Biella, Biella 18/05/2005 - 20/05/2005.
- Seminario - Relatore su invito: “Aspetti di genetica del cane”. Corso: “Genetica del cane” E.N.C.I., Milano, 01/06/2004 - 08/07/2004.

7. ATTIVITÀ DI RICERCA SCIENTIFICA

7.1 PUBBLICAZIONI SCIENTIFICHE ORCID: 0000-0001-7863-1855

Tabella 1 (T1), articoli su riviste scientifiche indicizzate

N: 56 - Citazioni: 1208 da 1046 documenti - H index: 17 (Scopus 25/08/2022)

[Metriche della rivista riportate in Tabella: Quartile (Q) relativo all'anno di pubblicazione e citazioni per documento (C/D, riportato in Tabella come I.F.) - due anni - da Scimago Journal & country ranks (<https://www.scimagojr.com/>). Su Scimago C/D disponibili dal 1999 al 2021. Per l'anno 2022 Metriche (Q e I.F.) da journalsearches.com/.

N	Dettagli della Pubblicazione	Contributo di M.L.E. Longeri
1	Schipper T, Ohlsson Å, Longeri M , Hayward JJ, Mouttham L, Ferrari P, Smets P, Ljungvall I, Häggström J, Stern JA, Lyons LA, Peelman LJ, Broeckx BJG. The TNNT2: c.95-108G>A variant is common in Maine Coons and shows no association with hypertrophic cardiomyopathy. <i>Anim Genet</i> . 2022 May 30. doi: 10.1111/age.13223. Epub ahead of print. PMID: 35634705. Metriche: Q1; I.F.: 2.884	Ideazione; Indagine; Metodologia; Risorse (campioni e dati); Visualizzazione; Scrittura - revisione & editing.
2	Cozzi MC, Valiati P, Longeri M , Ferreira C, Abreu Ferreira S. Genetic Variability Trend of Lusitano Horse Breed Reared in Italy. <i>Animals (Basel)</i> . 2022 Jan 1;12(1):98. doi: 10.3390/ani12010098. PMID: 35011204; PMCID: PMC8749805. Metriche: Q2; I.F.: 3.231	Collaborazione alle analisi; Scrittura - revisione & editing.
3	Longeri M , Russo V, Strillacci MG, Perillo A, Carisetti M, Cozzi MC, Neola B, Roperto S. Association Between BoLA-DRB3.2 Polymorphism and Bovine Papillomavirus Infection for Bladder Tumor Risk in Podolica Cattle. <i>Front Vet Sci</i> . 2021 Jun 9;8:630089. doi: 10.3389/fvets.2021.630089. PMID: 34179154; PMCID: PMC8219868. Metriche: Q1; C/D 3,216.	Primo nome; Ideazione; Indagine; Validazione; Scrittura - Bozza originale; Scrittura - revisione & editing.
4	Genova F, Nonnis S, Maffioli E, Tedeschi G, Strillacci MG, Carisetti M, Sironi G, Cupaioli FA, Di Nanni N, Mezzelani A, Mosca E, Helps CR, Leegwater PAJ, Dorso L; 99 Lives Consortium, Longeri M . Multi-omic analyses in Abyssinian cats with primary renal amyloid deposits. <i>Sci Rep</i> . 2021 Apr 16;11(1):8339. doi: 10.1038/s41598-021-87168-0. PMID: 33863921; PMCID: PMC8052419. Metriche: Q1; C/D 4,543.	Ultimo nome e Corresponding author; Ideazione; Analisi formale; Acquisizione di Fondi; Indagine; Metodologia; Gestione del Progetto; Risorse (anche GF dottorando e Consorzio 99Lives di cui fa parte); Supervisione; Visualizzazione; Scrittura - Revisione & editing.
5	Nordio L, Bazzocchi C, Genova F, Serra V, Longeri M , Franzo G, Rondena M, Stefanello D, Giudice C. Molecular and Immunohistochemical Expression of LTA4H and FXR1 in Canine Oral Melanoma. <i>Front Vet Sci</i> . 2021 Dec 13;8:767887. doi: 10.3389/fvets.2021.767887. PMID: 34966807; PMCID: PMC8710725. Metriche: Q1; C/D 3,216.	Acquisizione di fondi; Risorse (dottorando, Indagine, collaborazione alle analisi); Scrittura - revisione & editing.
6	de Groot M, Anderson H, Bauer H, Bauguil C, Bellone RR, Brugidou R, Buckley RM, Dovc P, Forman O, Grahn RA, Kock L, Longeri M , Mouysset-Geniez S, Qiu J, Sofronidis G, van der Goor LHP, Lyons LA. Standardization of a SNP panel for parentage verification and identification in the domestic cat (<i>Felis silvestris catus</i>). <i>Anim Genet</i> . 2021 Oct;52(5):675-682. doi: 10.1111/age.13100. Epub 2021 Jun 18. PMID: 34143521; PMCID: PMC8519126. Metriche: Q2; C/D 2,655.	Ideazione; Risorse e Indagine: campioni, dati, collaborazione alle analisi; Scrittura - revisione & editing.
7	Lyons LA, Buckley RM, Harvey RJ; 99 Lives Cat Genome Consortium . Mining the 99 Lives Cat Genome Sequencing Consortium database implicates genes and variants for the Ticked locus in domestic cats (<i>Felis catus</i>). <i>Anim Genet</i> . 2021 Jun;52(3):321-332. doi: 10.1111/age.13059. Epub 2021 Mar 29. PMID: 33780570; PMCID: PMC8252059. Metriche: Q2; C/D: 2,655.	Risorse e Indagine: campioni, dati, collaborazione alle analisi; Scrittura - revisione & editing.
8	Buckley RM, Gandolfi B, Creighton EK, Pyne CA, Bouhan DM, LeRoy ML, Senter DA, Gobble JR, Abitbol M, Lyons LA; 99 Lives Consortium . Werewolf, There Wolf: variants in Hairless Associated with Hypotrichia and Roaning in the Lykoi Cat Breed. <i>Genes (Basel)</i> . 2020 Jun 22;11(6):682. doi: 10.3390/genes11060682. PMID: 32580512; PMCID: PMC7348984. Metriche: Q2; C/D: 3,868.	Risorse e Indagine: campioni, dati, collaborazione alle analisi; Scrittura - revisione & editing.

9	Cogné B, Latypova X, Senaratne LDS, Martin L, Koboldt DC, Kellaris G, Fievet L, Le Meur G, Caldari D, Debray D, Nizon M, Frengen E, Bowne SJ; 99 Lives Consortium , Cadena EL, Daiger SP, Bujakowska KM, Pierce EA, Gorin M, Katsanis N, Bézieau S, Petersen-Jones SM, Occelli LM, Lyons LA, Legeai-Mallet L, Sullivan LS, Davis EE, Isidor B. Mutations in the Kinesin-2 Motor KIF3B Cause an Autosomal-Dominant Ciliopathy. <i>Am J Hum Genet.</i> 2020 Jun 4;106(6):893-904. doi: 10.1016/j.ajhg.2020.04.005. Epub 2020 May 7. PMID: 32386558; PMCID: PMC7273529. Metriche: Q1; C/D: 8,638.	Risorse e Indagine: campioni, dati, collaborazione alle analisi; Scrittura - revisione & editing.
10	Yu Y, Creighton EK, Buckley RM, Lyons LA; 99 Lives Consortium . A Deletion in GDF7 is Associated with a Heritable Forebrain Commissural Malformation Concurrent with Ventriculomegaly and Interhemispheric Cysts in Cats. <i>Genes (Basel).</i> 2020 Jun 19;11(6):672. doi: 10.3390/genes11060672. PMID: 32575532; PMCID: PMC7349246. Metriche: Q2; C/D: 3,868.	Risorse e Indagine: campioni, dati, collaborazione alle analisi; Scrittura - revisione & editing.
11	Longeri M , Chioldi A, Brilli M, Piazza A, Lyons LA, Sofronidis G, Cozzi MC, Bazzocchi C. Targeted genotyping by sequencing: a new way to genome profile the cat. <i>Anim Genet.</i> 2019 Dec;50(6):718-725. doi: 10.1111/age.12838. Epub 2019 Sep 12. PMID: 31512748; PMCID: PMC6899796. Metriche: Q1; C/D 2,316.	Primo nome e Corresponding author; Ideazione; acquisizione di fondi; Indagine; Metodologia; gestione del progetto; Risorse; Supervisione; Validazione; Visualizzazione; Scrittura - bozza originale; Scrittura - revisione & editing.
12	Cozzi MC, Strillacci MG, Valiati P, Rogliano E, Bagnato A, Longeri M . Genetic variability of Akhal-Teke horses bred in Italy. <i>PeerJ.</i> 2018 Sep 6;6: e4889. doi: 10.7717/peerj.4889. PMID: 30202639; PMCID: PMC6129384. Metriche: Q1; C/D 2,405.	Ultimo nome; Ideazione; Risorse; Visualizzazione; Scrittura - Bozza originale; Scrittura - Revisione & editing
13	Genova F, Longeri M , Lyons LA, Bagnato A; 99Lives Consortium, Strillacci MG. First genome-wide CNV mapping in <i>Felis catus</i> using next generation sequencing data. <i>BMC Genomics.</i> 2018 Dec 10;19(1):895. doi: 10.1186/s12864-018-5297-2. PMID: 30526495; PMCID: PMC6288940. Metriche: Q1; C/D 3,579.	Risorse (GF dottorando e risorse - campioni e dati- dal Consorzio 99Lives di cui fa parte); Supervisione (revisione critica dei risultati); Scrittura - revisione & editing.
14	Strillacci MG, Gorla E, Cozzi MC, Vevey M, Genova F, Scienski K, Longeri M , Bagnato A. A copy number variant scan in the autochthonous Valdostana Red Pied cattle breed and comparison with specialized dairy populations. <i>PLoS One.</i> 2018 Sep 27;13(9):e0204669. doi: 10.1371/journal.pone.0204669. PMID: 30261013; PMCID: PMC6160104. Metriche: Q1; C/D 2,900.	Scrittura - Bozza originale; Scrittura - revisione & editing
15	Mastrangelo S, Ciani E, Ajmone Marsan P, Bagnato A, Battaglini L, Bozzi R, Carta A, Catillo G, Cassandro M, Casu S, Ciampolini R, Crepaldi P, D'Andrea M, Di Gerlando R, Fontanesi L, Longeri M , Macciotta NP, Mantovani R, Marletta D, Matassino D, Mele M, Pagnacco G, Pieramati C, Portolano B, Sarti FM, Tolone M, Pilla F. Conservation status and historical relatedness of Italian cattle breeds. <i>Genet Sel Evol.</i> 2018 Jun 26;50(1):35. doi: 10.1186/s12711-018-0406-x. PMID: 29940848; PMCID: PMC6019226. Metriche: Q1; C/D 3,112.	Risorse e Indagine: campioni, dati; Scrittura - revisione & editing.
16	Gandolfi B, Alhaddad H, Abdi M, Bach LH, Creighton EK, Davis BW, Decker JE, Dodman NH, Ginns EI, Grahn JC, Grahn RA, Haase B, Haggstrom J, Hamilton MJ, Helps CR, Kurushima JD, Lohi H, Longeri M , Malik R, Meurs KM, Montague MJ, Mullikin JC, Murphy WJ, Nilson SM, Pedersen NC, Peterson CB, Rusbridge C, Saif R, Shelton GD, Warren WC, Wasim M, Lyons LA. Applications and efficiencies of the first cat 63K DNA array. <i>Sci Rep.</i> 2018 May 4;8(1):7024. doi: 10.1038/s41598-018-25438-0. Erratum in: <i>Sci Rep.</i> 2018 Jun 4;8(1):8746. Erratum in: <i>Sci Rep.</i> 2019 Mar 12;9(1):4664. PMID: 29728693; PMCID: PMC5935720. Metriche: Q1; C/D 4,115.	Risorse e Indagine: campioni, dati, collaborazione alle analisi; Scrittura - revisione & editing.
17	Cozzi MC, Valiati P, Cherchi R, Gorla E, Prinsen RTMM, Longeri M , Bagnato A, Strillacci MG. Mitochondrial DNA genetic diversity in six Italian donkey breeds (<i>Equus asinus</i>). <i>Mitochondrial DNA A DNA Mapp Seq Anal.</i> 2018 Apr;29(3):409-418. doi: 10.1080/24701394.2017.1292505. Epub 2017 Feb 28. PMID: 28278690. Metriche: Q4; C/D 0,571.	Risorse e Indagine: campioni, dati, collaborazione alle analisi; Scrittura - revisione & editing.
18	O'Rourke BA, Kelly J, Spiers ZB, Shearer PL, Porter NS, Parma P, Longeri M . Ichthyosis fetalis in Polled Hereford and Shorthorn calves. <i>J Vet Diagn Invest.</i> 2017 Nov;29(6):874-876. doi:10.1177/1040638717724186. Epub 2017 Aug 6. PMID: 28782451. Metriche: Q2; C/D 1,225.	Ultimo nome; Ideazione; Metodologia; Risorse (campioni e dati); Supervisione; Scrittura - revisione & editing.
19	Cozzi MC, Colombo E, Zaniboni L, Madeddu M, Mosca F, Strillacci MG, Longeri M , Bagnato A, Cerolini S. Phenotypic and genetic characterization of the Italian bantam chicken breed Mericanel della Brianza. <i>Livestock Science.</i> 2017; 205: 56-63. doi: 10.1016/j.livsci.2017.09.013. Metriche: Q1; C/D 1,305.	Scrittura - Bozza originale; Scrittura - revisione & editing
20	Aberdein D, Munday JS, Gandolfi B, Dittmer KE, Malik R, Garrick DJ, Lyons LA; 99 Lives Consortium . A FAS-ligand variant associated with autoimmune lymphoproliferative syndrome in cats. <i>Mamm Genome.</i> 2017 Feb;28(1-2):47-55. doi: 10.1007/s00335-016-9668-1. Epub 2016 Oct 21. Erratum in: <i>Mamm Genome.</i> 2017 Apr;28(3-4):152-154. PMID: 27770190. Metriche: Q2; C/D: 2,752.	Risorse e indagine (campioni, dati, collaborazione alle analisi); Scrittura - revisione & editing
21	Mauler DA, Gandolfi B, Reinero CR, O'Brien DP, Spooner JL, Lyons LA; and 99 Lives Consortium . Precision Medicine in Cats: Novel Niemann-Pick Type C1 Diagnosed by Whole-Genome Sequencing. <i>J Vet Intern Med.</i> 2017 Mar;31(2):539-544. doi: 10.1111/jvim.14599. Epub 2017 Feb 24. Erratum in: <i>J Vet Intern Med.</i> 2018 Jul;32(4):1471. PMID: 28233346; PMCID: PMC5354023. Metriche: Q1; C/D: 2,245.	Risorse e indagine (campioni, dati, collaborazione alle analisi); Scrittura - revisione & editing

22	Oh A, Pearce JW, Gandolfi B, Creighton EK, Suedmeyer WK, Selig M, Bosiack AP, Castaner LJ, Whiting RE, Belknap EB, Lyons LA; 99 Lives Consortium . Early-Onset Progressive Retinal Atrophy Associated with an IQCB1 Variant in African Black-Footed Cats (<i>Felis nigripes</i>). <i>Sci Rep</i> . 2017 Mar 21;7:43918. doi: 10.1038/srep43918. Erratum in: <i>Sci Rep</i> . 2018 May 18;8:46978. PMID: 28322220; PMCID: PMC5359545. Metriche: Q1; C/D: 4,433.	Risorse e indagini (campioni, dati, collaborazione alle analisi); Scrittura - revisione & editing
23	Lyons LA, Grahn RA, Genova F, Beccaglia M, Hopwood JJ, Longeri M . Mucopolysaccharidosis VI in cats - clarification regarding genetic testing. <i>BMC Vet Res</i> . 2016 Jul 2;12(1):136. doi: 10.1186/s12917-016-0764-y. PMID: 27370326; PMCID: PMC4930586. Metriche: Q1; C/D 1,986.	Ultimo nome. Scrittura - revisione & editing. Il lavoro è tratto dalla tesi di laurea triennale di FG, effettuato sotto il tutoring di ML che ha fornito: Ideazione; Metodologie; Risorse (materiale, strumenti, campioni, dati); Supervisione; Visualizzazione.x
24	Paltrinieri S, Sironi G, Giori L, Faverzani S, Longeri M . Changes in serum and urine SAA concentrations and qualitative and quantitative proteinuria in Abyssinian cats with familial amyloidosis: a five-year longitudinal study (2009-2014). <i>J Vet Intern Med</i> . 2015 Mar-Apr;29(2):505-12. doi: 10.1111/jvim.12561. Epub 2015 Mar 16. PMID: 25776129; PMCID: PMC4895502. Metriche: Q1; C/D 2,036.	Ultimo nome; Ideazione; Risorse (campioni e dati); Supervisione; Scrittura - revisione & editing.
25	Gandolfi B, Grahn RA, Creighton EK, Williams DC, Dickinson PJ, Sturges BK, Guo LT, Shelton GD, Leegwater PA, Longeri M , Malik R, Lyons LA. COLQ variant associated with Devon Rex and Sphynx feline hereditary myopathy. <i>Anim Genet</i> . 2015 Dec;46(6):711-5. doi: 10.1111/age.12350. Epub 2015 Sep 16. PMID: 26374066; PMCID: PMC4637250. Metriche: Q1; C/D 1,899.	Indagine; Risorse (campioni e dati); Validazione; Scrittura - revisione & editing.
26	Marelli SP, Riva J, Picchi A, Gessi A, Moretti E, Filippone S, Baldini M, Longeri M , Polli M. Test del DNA: una svolta nella diagnosi e nella prevenzione delle malattie ereditarie del cane e del gatto. <i>VETERINARIA</i> . 2014; 28 (3): 35-45. ISSN 0394- 3151. Metriche: Q4 ; C/D 0.132; I.F.: ND	Ideazione; Risorse (materiale, assegnista); Visualizzazione; Scrittura - preparazione del draft originale; Scrittura - revisione & editing.
27	Longeri M , Ferrari P, Knafelz P, Mezzelani A, Marabotti A, Milanese L, Pertica G, Polli M, Brambilla PG, Kittleson M, Lyons LA, Porciello F. Myosin-binding protein C DNA variants in domestic cats (A31P, A74T, R820W) and their association with hypertrophic cardiomyopathy. <i>J Vet Intern Med</i> . 2013 Mar-Apr;27(2):275-85. doi: 10.1111/jvim.12031. Epub 2013 Jan 17. PMID: 23323744; PMCID: PMC3602388. Metriche: Q1; C/D 1,519.	Primo nome e Corresponding author; Ideazione; Gestione dei dati; Acquisizione di fondi; Analisi formale; Indagine; Metodologia; gestione del progetto; Risorse (materiale, strumenti, campioni, dati); Supervisione; Validazione; Visualizzazione; Scrittura - preparazione del draft originale; Scrittura - revisione & editing.
28	Alhaddad H, Khan R, Grahn RA, Gandolfi B, Mullikin JC, Cole SA, Gruffydd-Jones TJ, Häggström J, Lohi H, Longeri M , Lyons LA. Extent of linkage disequilibrium in the domestic cat, <i>Felis silvestris catus</i> , and its breeds. <i>PLoS One</i> . 2013;8(1):e53537. doi: 10.1371/journal.pone.0053537. Epub 2013 Jan 7. PMID: 23308248; PMCID: PMC3538540. Metriche: Q1; C/D 4,034.	Risorse (campioni e dati), Collaborazione alle analisi; Scrittura - revisione & editing
29	Tremolada G, Longeri M , Polli M, Parma P, Acocella F. Persistent right aortic arch and associated axial skeletal malformations in cats. <i>J Feline Med Surg</i> . 2013 Feb;15(2):68-73. doi: 10.1177/1098612X12459736. Epub 2012 Sep 18. PMID: 22989559. Metriche: Q1; C/D 1,570 .	Ideazione; Indagine; Scrittura - revisione & editing.
30	Felius M, Koolmees PA, Theunissen B, European Cattle Genetic Diversity Consortium , Lenstra JA. On the Breeds of Cattle—Historic and Current Classifications. <i>Diversity</i> . 2011; 3(4):660-692. doi: 10.3390/d3040660 Metriche: Q1; C/D: 2,040.	Risorse e indagini (campioni, dati, collaborazione alle analisi); Scrittura - revisione & editing
31	Cavalchini G, Marelli SP, Strillacci MG, Cozzi MC, Polli M, Longeri M . Heterozygosity analysis of Bionda Piemontese and Bianca di Saluzzo chicken breeds by microsatellites markers: a preliminary study. <i>Italian Journal of Animal Science</i> . 2010; 6(1s): 63-65. doi: 10.4081/ijas.2007.1s.63. Metriche: Q3; C/D 0,244.	Ultimo nome; Indagine; Metodologia; Risorse (materiale, strumenti, assegnista); Supervisione; Scrittura - revisione & editing.
32	Pertica G, Riva J, Strillacci MG, Cozzi MC, Longeri M , Polli M. Prevalence of inherited junctional epidermolysis bullosa in German shorthaired pointers bred in Italy. <i>Vet Rec</i> . 2010 Nov 6;167(19):751-2. doi: 10.1136/vr.c5178. PMID: 21257512. Metriche: Q2; C/D 0,747.	Risorse (materiale, strumenti, assegnista); Scrittura - revisione & editing
33	Longeri M , Parma P, Polli M, Cozzi M C, Valiati P, De Lorenzi L, Molteni L. Genetic screening of the inherited Ichtyosis causative mutation in Chianina cattle. <i>Italian Journal of Animal Science</i> . 2009. 8(2s), 102-104. doi: 10.4081/ijas.2009.s2.102. Metriche: Q4; C/D 0,269.	Primo nome e Corresponding author; Ideazione; Analisi formale; acquisizione di fondi; Indagine; Metodologia; Gestione del progetto; Risorse (materiale, strumenti, campioni, dati); Supervisione; Visualizzazione; Scrittura - bozza originale; Scrittura - revisione & editing.
34	Zuccaro A., Bordonaro S, Longeri M , Cozzi MC, Guastella AM, Criscione A, D'Urso G, Marletta D, Mitochondrial DNA control region variation in Sanfratellano horse and two other Sicilian autochthonous breeds <i>Italian Journal of Animal Science</i> . 2009. 8(2s), 180 - 192. doi: 10.4081/ijas.2009.s2.180. Metriche: Q2; C/D 0,269.	Metodologia; Risorse (materiale, strumenti); Scrittura - revisione & editing.

35	Strillacci MG, Marelli SP., Cozzi MC, Colombo E, Polli M, Gualtieri M, Cristalli A, Pignattelli P, Longeri M , Cavalchini LG Italian autochthonous chicken breeds conservation: Evaluation of biodiversity in Valdarnese Bianca breed (Gallus gallus domesticus). 2009. Avian Biology Research 2(4):229-233. DOI: 10.3184/175815509X12574095832760. Metriche: Q3; C/D 0,276.	Metodologia; Risorse (materiale, strumenti, assegnista); Scrittura - revisione & editing.
36	Bonazzi M, Volta A, Gnudi G, Cozzi MC, Strillacci MG, Polli M, Longeri M , Manfredi S, Bertoni G. Comparison between ultrasound and genetic testing for the early diagnosis of polycystic kidney disease in Persian and Exotic Shorthair cats. J Feline Med Surg. 2009 Jun;11(6):430-4. doi: 10.1016/j.jfms.2008.10.003. Epub 2008 Nov 28. PMID: 19046910. Metriche: Q1; C/D 1,448.	Indagine; Metodologia; Risorse (materiale, strumenti, campioni, dati, assegnista); Validazione; Scrittura - preparazione del draft originale; Scrittura - revisione & editing.
37	Dardano S, Gandolfi B, Parma P, Polli M, Bighignoli B, Strillacci MG, Cozzi MC, Molteni L, Longeri M . Characterization of bovine TGM1 and exclusion as candidate gene for ichthyosis in Chianina. J Hered. 2008 Jan-Feb;99(1):81-3. doi: 10.1093/jhered/esm101. Epub 2007 Dec 28. PMID: 18165261. Metriche: Q2; C/D 2,977.	Ultimo nome e Corresponding author; Ideazione; Gestione dei dati; Analisi formale; Acquisizione di fondi; Indagine; Metodologia; Gestione del progetto; Risorse (materiale, strumenti, campioni, dati, assegnista); Supervisione; Visualizzazione; Scrittura - bozza originale; Scrittura - revisione & editing.
38	Charlier C, Coppieters W, Rollin F, Desmecht D, Agerholm JS, Cambisano N, Carta E, Dardano S, Dive M, Fasquelle C, Frennet JC, Hanset R, Hubin X, Jorgensen C, Karim L, Kent M, Harvey K, Pearce BR, Simon P, Tama N, Nie H, Vandeputte S, Lien S, Longeri M , Fredholm M, Harvey RJ, Georges M. Highly effective SNP-based association mapping and management of recessive defects in livestock. Nat Genet. 2008 Apr;40(4):449-54. doi: 10.1038/ng.96. Epub 2008 Mar 16. PMID: 18344998. Metriche: Q1; C/D 21,908	Acquisizione di fondi; Risorse (campioni, dati e dottorando - D.S.- che ha contribuito con analisi formali e indagini)
39	Lipinski MJ, Froenicke L, Baysac KC, Billings NC, Leutenegger CM, Levy AM, Longeri M , Niini T, Ozpinar H, Slater MR, Pedersen NC, Lyons LA. The ascent of cat breeds: genetic evaluations of breeds and worldwide random-bred populations. Genomics. 2008 Jan;91(1):12-21. doi: 10.1016/j.ygeno.2007.10.009. Epub 2007 Dec 3. PMID: 18060738; PMID: PMC2267438. Metriche: Q1; C/D 3,195.	Risorse (campioni e dati), Collaborazione alle analisi, Scrittura - revisione & editing.
40	Lipinski MJ, Amigues Y, Blasi M, Broad TE, Cherbonnel C, Cho GJ, Corley S, Daftari P, Delattre DR, Dileanis S, Flynn JM, Grattapaglia D, Guthrie A, Harper C, Karttunen PL, Kimura H, Lewis GM, Longeri M , Meriaux JC, Morita M, Morrin-O'donnell RC, Niini T, Pedersen NC, Perrotta G, Polli M, Rittler S, Schubbert R, Strillacci MG, Van Haeringen H, Van Haeringen W, Lyons LA. An international parentage and identification panel for the domestic cat (Felis catus). Anim Genet. 2007 Aug;38(4):371-7. doi: 10.1111/j.1365-2052.2007.01632.x. PMID: 17655554; PMID: PMC1974777. Metriche: Q1; C/D: 1,524.	Risorse (campioni, dati, assegnista, materiale, strumenti), Collaborazione alle analisi, Scrittura - revisione & editing.
41	Bighignoli B, Niini T, Grahn RA, Pedersen NC, Millon LV, Polli M, Longeri M , Lyons LA. Cytidine monophospho-N-acetylneuraminic acid hydroxylase (CMAH) mutations associated with the domestic cat AB blood group. BMC Genet. 2007 Jun 6;8:27. doi: 10.1186/1471-2156-8-27. PMID: 17553163; PMID: PMC1913925. Metriche: Q3; C/D: 1,743	Ideazione; Metodologia; Scrittura - revisione & editing.
42	Longeri M , Polli M, Strillacci MG, Samorè AB, Zanotti M. Short communication: quantitative trait loci affecting the somatic cell score on chromosomes 4 and 26 in Italian Holstein cattle. J Dairy Sci. 2006 Aug;89(8):3175-7. doi: 10.3168/jds.S0022-0302(06)72591-7. PMID: 16840634. Metriche: Q1; C/D 2,309.	Primo nome e Corresponding author; Analisi formale; Metodologia; Visualizzazione; Scrittura - bozza originale; Scrittura - revisione & editing.
43	Molteni L, Dardano S, Parma P, Polli M, De Giovanni AM, Sironi G, Longeri M . Ichthyosis in Chianina cattle. Vet Rec. 2006 Mar 25;158(12):412-4. doi: 10.1136/vr.158.12.412. PMID: 16565341. Metriche: Q1; C/D 0,440.	Ultimo nome e Corresponding author; Ideazione; Acquisizione di fondi; Indagine; Metodologia; Gestione del progetto; Risorse; Supervisione; Visualizzazione; Scrittura - bozza originale; Scrittura - revisione & editing.
44	Zanotti M, Strillacci MG, Taboni I, Longeri M . Histocompatibility genes and Somatic Cell Count (SCC) in Italian Holstein Friesian. Italian Journal of Animal Science. 2003; 2(1S). DOI: 10.4081/ijas.2003.s1.85 Metriche: Q3; C/D 0,552.	Ultimo nome e Corresponding author; Analisi formale; Indagine; Metodologia; Visualizzazione; Scrittura - bozza originale; Scrittura - revisione & editing.
45	Longeri M , Perrone T, Bongioni G, Bona M, Zanotti M, Galli A. Survival motor neuron (SMN) polymorphism in relation to congenital arthrogryposis in two Piedmont calves (piemontese). Genet Sel Evol. 2003;35 (Suppl 1):S167-75. doi: 10.1186/1297-9686-35-S1-S167. PMID: 12927089; PMID: PMC3231758. Metriche: Q1; C/D 1,774.	Primo nome e Corresponding author; Ideazione; Indagine; Metodologia; Visualizzazione; Scrittura - bozza originale; Scrittura - revisione & editing
46	Iannuzzi L, Di Meo GP, Perucatti A, Rullo R, Incarnato D, Longeri M , Bongioni G, Molteni L, Galli A, Zanotti M, Eggen A. Comparative FISH-mapping of the survival of motor neuron gene (SMN) in domestic bovinds. Cytogenet Genome Res. 2003;102(1-4):39-41. doi: 10.1159/000075722. PMID: 14970676. Metriche: Q3; C/D: 0,964.	Risorse (campioni e dati), collaborazione alle analisi; Scrittura - revisione & editing
47	Longeri M , Zanotti M, Damiani G. Recombinant DRB sequences produced by mismatch repair of heteroduplexes during cloning in Escherichia coli. Eur J Immunogenet. 2002 Dec;29(6):517-23. doi: 10.1046/j.1365-2370.2002.00356.x. PMID: 12437611. Metriche: Q; ND; C/D ND; I.F.: 1,355 (http://www.sciencegateway.org/impact/if02e.html).	Primo nome e Corresponding author; Ideazione, Gestione dei dati; Indagine; Metodologia; Visualizzazione; Scrittura - bozza originale; Scrittura - revisione & editing.
48	Del Bo L, Polli M, Longeri M , Ceriotti G, Looft C, Barre-Dirie A, Dolf G, Zanotti, M. Genetic diversity among some cattle breeds in the Alpine area. Journal of Animal	Metodologia; Indagine, Scrittura - revisione & editing.

	Breeding and Genetics. 2001; 118: 317-325. doi: 10.1046/j.1439-0388.2001.00306.x Metriche: Q3; C/D: 1,227.	
49	Longeri M , Del Bo L, Vercelloni L, Amadori M, Archetti IL, Zanotti M. BoLA DRB3 exon 2 polymorphism in tuberculosis infected cattle. Archiv Fur Tierzucht - Archives of Animal Breeding. 1999; 42: 100 -102. doi: 10.1046/j.1439-0388.2001.00306.x WOSUID: WOS:000084240400014. Metriche: Q4; C/D 0,355.	Primo nome e Corresponding author; Ideazione; Cura dei dati; Analisi formale; Indagine; Metodologia; Visualizzazione; Scrittura - bozza originale; Scrittura - revisione & editing.
50	Zanotti M, Del Bo L, Longeri M , Polli M, Ceriotti G, Kemp SJ. Two polymorphic microsatellite markers in sheep. Anim Genet. 1997 Feb;28(1):68-9. PMID: 9124720. Metriche: Q ND; I; C/D: ND; IF: ND	Ideazione, Metodologia, indagine; Scrittura - revisione & editing.
51	Zanotti M, Poli G, Ponti W, Polli M, Rocchi M, Bolzani E, Longeri M , Russo S, Lewin HA, van Eijk MJ. Association of BoLA class II haplotypes with subclinical progression of bovine leukaemia virus infection in Holstein-Friesian cattle. Anim Genet. 1996 Oct;27(5):337-41. PMID: 8930075. Metriche: Q ND; C/D: ND; IF: ND	Metodologia, Indagine; Scrittura - revisione & editing.
52	Kemp SJ, Hishida O, Wambugu J, Rink A, Longeri ML , Ma RZ, Da Y, Lewin HA, Barendse W, Teale AJ. A panel of polymorphic bovine, ovine and caprine microsatellite markers. Anim Genet. 1995 Oct;26(5):299-306. doi: 10.1111/j.1365-2052.1995.tb02663.x. PMID: 7486246. Metriche: Q ND; C/D: N.D.	Cura di parte dei dati; Indagine; Scrittura - revisione & editing.
53	Casati, M.Z., Longeri, M. , Polli, M., Ceriotti, G. and Poli, G. BoLA class II polymorphism and immune response to Mycobacterium bovis antigens in vitro. Journal of Animal Breeding and Genetics. 1995; 112: 391-400. https://doi.org/10.1111/j.1439-0388.1995.tb00578.x Metriche: Q ND; C/D: ND.	Ideazione; Analisi Formale; Indagine; Metodologia; Visualizzazione; Scrittura - preparazione del draft originale; Scrittura - revisione & editing.
54	Longeri M , Polli M, Ponti W, Zanotti M. BoLA class I polymorphism and in vitro immune response to M. bovis antigens. J Anim Breed Genet. 1993 Jan 12;110(1-6):335-45. doi: 10.1111/j.1439-0388.1993.tb00746.x. PMID: 21395732. Metriche: Q ND; C/D ND; I.F. ND	Primo nome; Ideazione; Analisi formale; Indagine; Metodologia; Gestione del progetto; Visualizzazione; Scrittura - bozza originale; Scrittura - revisione & editing.

55 Richiesto inserimento a Scopus di: Edwards CJ, Ginja C, Kantanen J, Pérez Pardal L, Tresset A, Stock F, Collaborators Baumung R, Mommens G, Holm Le, Withen Kb, Pedersen Bv, Gravlund P, Moazami Goudarzi K, Gautier M, Laloë D, Oulmouden A, Levéziel H, Taberlet P, Simianer H, Täubert H, Erhardt G, Medugorac I, Eythorsdottir E, Marsan Pa, Negrini R, Lasagna E, Landi V, Panella F, Sarti Fm, **Longeri M**, Ceriotti G, Zanotti M, Marletta D, Criscione A, Valentini A, Savarese Mc, Pilla F, Grislis Z, Van Boxtel Dc, Cuppen E, Van Haeringen W, Van De Goor L, Felius M, Olsaker I, Ivanova Z, Popov R, Ammosov I, Kiselyova T, Ćinkulov M, Stojanovic S, Dunner S, Rodellar C, Azor Pj, Molina A, Rodero E, Goyache F, Götherström A, Dolf G, Williams JI, Wiener P. European Cattle Genetic Diversity Consortium, Gama LT, Penedo MC, Bradley DG, Lenstra JA, Nijman I.J. (2011). Dual origins of dairy cattle farming--evidence from a comprehensive survey of European Y-chromosomal variation. PLOS ONE, ISSN: 1932-6203. **Contributo:** Risorse (campioni e dati), collaborazione alle analisi; Scrittura - revisione & editing

Tabella 2 (T2) Altri articoli in rivista non indicizzati

N.	Dettagli della Pubblicazione
1	P. Ferrari, M. Longeri (2008). Cardiomiopatia Ipertrofica Felina (HCM): malattia cardiaca ereditaria emergente. Rassegna Medica Felina, vol. 12, p. 5-6, ISSN: 1724-8892.
2	M. Polli, B. Bighignoli, M.G. Strillacci, C. Gilardoni, C. Bonasegale, L. Guidobono Cavalchini, M.L. Longeri (2007). L'epidermolisi bollosa giunzionale ereditaria nel cane: diagnosi molecolare per l'identificazione dei portatori sani della malattia. Veterinaria, vol. 21, p. 21-25, ISSN: 0394-3151.
3	Zanotti M, Strillacci M.G, Del Bo L, Longeri M (2001). Association of NRAMP1 gene with bovine tuberculosis. In: Sisvet Annual Meeting Selected Abstracts, vol. 3, p. 135-136. Ed. F.Chiesa, G.Poli, C.Beretta, Riva del Garda (TN), 2000 (ISSN:null)
4	F. Valfrè, A. Bagnato, A. Caroli, G. Gandini, M. Longeri , M. Zanotti (1999). Le garanzie per la sanità animale: la sfida per il nuovo millennio. Bianco e Nero, vol. 38, p. 80-86, ISSN: 0394-008X.
5	Longeri M , Del Bo L., Lacci L., Vercelloni L., Zanotti M. (1999). PCR-RFLP: rapid method to type Major Histocompatibility Complex genes in bovine TB resistance analysis. In: Sisvet Annual Meeting Selected Abstracts, vol.1, p. 195, Ed. F.Chiesa, G.Poli, C.Beretta, Silvi Marina (TE), Italy, 1998 (ISSN:null)
6	Polli M., Del Bo L., Longeri M , Marelli S, Guidobono Cavalchini L. (1999). Parentage testing in dog using microsatellites. In: S.I.S.Vet Annual Meeting Selected Abstracts., vol.1, p. 194, F.Chiesa, G.Poli, C.Beretta (ISSN:null)
7	M. Zanotti, L. Montermini, E. Bolzani, M. Rocchi, M. Polli, W. Ponti, M. Longeri , S. Russo, A. Agresti, G. Poli (1994). Suscettibilità all'infezione prenatale e neonatale da BLV (Bovine Leukaemia Virus) in relazione ai polimorfismi BoLA. Atti Della Società Italiana Di Buiatria, vol. 26, p. 729-732, ISSN: 0393-1382 (ISSN:null)
8	W. Ponti, M. Rocchi, M. Longeri , C. Rivolta, P. Dall'Ara, M. Polli (1994). Valutazione dell'attività fagocitaria dei monociti di bovino nei confronti di Mycobacterium bovis mediante citofluorimetria su sangue intero. BML, vol. 14, p. 17-26, ISSN: 0394-9877
9	M.L. Longeri , M. Zanotti, S. Paltrinieri, E. Scanziani (1993). Valutazione nel bovino della sensibilizzazione con corpi uccisi di Mycobacterium bovis. Veterinaria Italiana, vol. 28, p. 8-16, ISSN: 0505-401X
10	M. Longeri , E. Bolzani, M. Polli, W. Ponti, M. Zanotti, G. Poli (1991). Analisi delle popolazioni linfocitarie e altri parametri immunologici del bovino in correlazione all'infezione da BLV e al BoLA-tipo. BML, vol. 11, p. 37-45, ISSN: 0394-9877
11	M. Longeri (1989). Sonde ad acidi nucleici in virologia. SUMMA, vol. 6, p. 192-200, ISSN: 1125-6745

Articoli a conferenze e convegni e abstract, nazionali e internazionali

12	Turba M.E., Ferrari P., Milanese R., Gentilini F., Longeri M. Allele drop-out cases in screening of HCM associated ALMS1 gene variant in Italian Sphynx cats. 12th International Conference on Canine and Feline Genetics and Genomics (ICCFGG). 2-5 Oct 2022 HudsonAlpha Institute for Biotechnology AL (accepted)
13	Maria Longeri , Luisa Zaniboni, Maria Cristina Cozzi, Raffaella Milanese, Alessandro Bagnato (2021). Animal Bio Arkivi: establishment of a phenotype and tissue repository for farm animals and pets at the University of Milan. 24th ASPA Congress, Padova in ITALIAN JOURNAL OF ANIMAL SCIENCE, vol. 20, p. 136, ISSN: 1594-4077

14	M.C. Cozzi, P. Valiati, M. Longeri (2020) Genetic variability of two native Sardinian horse populations analyzed by microsatellite markers. In Abstract Book of ISAG 2021 Virtual Conference, pg 98. 26-30 July 2021
15	F. Genova, Ettore Mosca, Noemi Di Nanni, F. Cupaioli, A. Mezzelani, M. Longeri (2019) Identification of feline miRNAs and evaluation of their differential expression in Abyssinian amyloidosis. In: Proceedings of the 10th International Conference on Canine and Feline Genetics and Genomics (ICCFGG), pg 77. 26-29 May 2019 Kursaar Bern (CH)
16	F. Genova, M. Longeri , M.C. Cozzi, A. Bagnato, M.G. Strillacci and 99Lives Consortium (2018). Genome-Wide CNV mapping in felis catus using NGS data. In: International Plant & Animal genome (PAG) XXVI, Jan 13-17, 2018 - San Diego, CA, USA
17	E. Gorta, M.C. Cozzi, V. Vevey, M. Longeri , F. Genova, S.I. Roman-Ponce, F. de Jesus Ruiz, M. Duran-Aguilar, A. Bagnato, M.G. Strillacci. Genome-wide scan of copy number variants (CNVs) in Valdostana red Pied and comparison with Italian Brown Swiss and Mexican Holstein. In: International Plant & Animal genome XXVI (PAG), Jan 13-17, 2018 - San Diego, CA, USA
18	Francesca Genova, Barbara Gandolfi, Erica K. Creighton, Anne Thomas, Leslie A. Lyons, Maria Longeri (2017). Genomic localization and genetic characterization of amyloidosis in Abyssinian and Siamese cats. In: Proceedings of the 9th International Conference on Canine and Feline Genetics and Genomics. University of Minnesota
19	Maria C. Cozzi, Maria G. Strillacci, Paolo Valiati, Maria Longeri , Alessandro Bagnato (2017). Genetic variability of AkhalTekè horse bred in Italy. In: Plant and Animal Genome XXV Conference. PAG 13-18 Jan San Diego, CA, USA
20	S. Mastrangelo, P. Ajmone Marsan, A. Bagnato, L. M. Battaglini, R. Bozzi, A. Carta, G. Catillo, M. Cassandro, S. Casu, R. Ciampolini, E. Ciani, P. Crepaldi, M. D'Andrea, R. D. Gerlando, L. Fontanesi, M. Longeri , N. P. P. Macciotta, R. Mantovani, D. Marletta, D. Matassino, M. Mele, G. Pagnacco, C. Pieramati, B. Portolano, F. M. Sarti, F. Pilla (2017). BOVITA: a first overview on genome-wide genetic diversity of Italian autochthonous cattle breeds. ITALIAN JOURNAL OF ANIMAL SCIENCE, vol. 16, p. 38-39, ISSN: 1828-051X
21	A. Cristalli, S. Marelli, P. Valiati, F. Genova, M. Longeri (2016). Around the tail of the Khmer Cat. In: Proceedings of the 35th International Conference on Animal Genetics. p. 96-97, ISAG, Salt Lake City, July 2016 doi: 10.2527/jas2016.94 supplement4162x
22	S.P. Marelli, G. Minozzi, M. Longeri , R. Rizzi, G. Gandini, M. Polli (2016). Study of the mutant MDR1 allele in four Collie breeds in Italy. In: Proceedings of the International Society for Animal Genetics Conference. p. 162, International Society for Animal Genetics, Salt Lake City, July 2016, doi: 10.2527/jas2016.94 supplement4162x
23	L. Nordio, F. Genova, V. Serra, C. Bazzocchi, M. Longeri , D. Stefanello, C. Giudice (2016). LTA4H expression in canine oral melanomas: preliminary results. In: 34thESVP 27th ECVP : abstract book. Università di Bologna, Bologna, 2016
24	M. E. Giorgi, F. Birettoni, P. Ferrari, P. Knafelz, M. Rishniw, D. Caivano, M. Longeri , F. Porciello (2016). Prevalence of hypertrophic cardiomyopathy (HCM) in feline population examined by the osservatorio italiano HCM felina. JOURNAL OF VETERINARY INTERNAL MEDICINE, vol. 30, p. 399, ISSN: 1939-1676
25	A. Cala, P. Ferrari, P. Knafelz, F. Birettoni, M. E. Giorgi, D. Caivano, F. Porciello, J. Riva, S.P. Marelli, M. Polli, M. Longeri (2015). Surveillance of feline inherited diseases in Italy. In: International Conference on "Advances in canine and feline genomics and inherited diseases" (ICCFGG). p. 82, University of Cambridge, Cambridge UK, June 22 - 26, 2015
26	Crescenti L., Gandolfi B., Creighton E.K., Lyons L.A., Thomas A., Albaric O., Sironi G., Tedeschi G., Paltrinieri S., Pagnacco G., Longeri M. (2015) Seeking to solve the insoluble feline amyloidosis riddle. Proceedings of the 8 th International Conference on "Advances in canine and feline genomics and inherited diseases" (ICCFGG) University of Cambridge, Cambridge UK, June 22 - 26, 2015
27	M. Longeri , A. Thomas, G. Sironi, G. Tedeschi, M. Polli, S.P. Marelli, L. Crescenti, E. Creighton, L. A. Lyons (2014). Feline Amyloidosis: new genomic and proteomic approaches for an old and current disorder. In: 34 th International Conference on Animal Genetics Eds. International Society of Animal Genetics (ISAG). p. 218-219, ISAG, Xi'an, China, 2014
28	Marelli SP, Riva J, Polli M, Longeri M (2012). The development of a feline Biobank to provide new insights into the control of genetic diseases and population genetic variability. In: Proceedings of the 6th International Conference on "Advances in canine and feline genomics and inherited diseases" (ICCFGG). Eds. Swedish University of Agricultural Sciences; Uppsala University, Visby, May 28 - June 1, 2012
29	Polli M, Marelli SP, Di Palma C, Gessi A, Mezzelani A, Riva J, Longeri M (2012). Investigating the genetic basis of a Canine Motor-Sensory Neuropathy by HD Canine 170000 SNPs Array. In: Proceedings of the 33rd International Conference on Animal Genetics. Eds. International Society of Animal Genetics (ISAG), Cairns, Australia, July 15-20th, 2012
30	Longeri M , Marelli SP, Valiati P, Mapelli A, Riva J, Polli M (2012). Pedigree of Abyssinian cats with Amyloidosis and polymorphism of SAA gene in several feline breeds. In: Proceedings of the 33rd International Conference on Animal Genetics. Eds. International Society of Animal Genetics (ISAG), Cairns, Australia, July 15-20th, 2012
31	M. Longeri , S. Boccaletti, A. Mezzelani, A. Marabotti, L. Milanese, J. Riva, S.P. Marelli, M.C. Cozzi, M. Polli (2011). Prevalence of MYBPC3 gene mutations and association with hypertrophic cardiomyopathy in several cat breeds. In: Proceedings 19 [°] ASPA Congress. ITALIAN JOURNAL OF ANIMAL SCIENCE, vol. 10, p. 130-131, ISSN: 1594-4077, 7-10 June, Cremona, 2011
32	M.C. Cozzi, M. Polli, P. Valiati, S. Boccaletti, S.P. Marelli, M. Longeri (2011). Genetic diversity of Akhal-Teke horse bred in Italy assessed by molecular markers. In: Proceedings 19 [°] ASPA Congress. ITALIAN JOURNAL OF ANIMAL SCIENCE, vol. 10, p. 134, ISSN: 1594-4077, 7-10 June Cremona, 2011
33	M. Polli, C. Di Palma, A. Mezzelani, A. Orro, L. Milanese, J. Riva, S. Boccaletti, M.C. Cozzi, S.P. Marelli, M. Longeri (2011). High density canine 170,000 SNPs array for recessive trait mapping in a canine pure breed. In: Proceedings 19 [°] ASPA Congress. ITALIAN JOURNAL OF ANIMAL SCIENCE, vol. 10, p. 130, ISSN: 1594-4077, 7-10 June Cremona, 2011
34	Longeri M , MC Cozzi, M. Zedda, R. Cocco, G. Pertica, P. Valiati, S.P. Marelli, M. Polli (2010). Mitochondrial DNA analysis of the autochthonous Sardinian dog breed "Cane Fonnesse". In: Proceedings of the 32nd International Conference on Animal Genetics (ISAG) Jul. 26-30, 2010 Edinburgh, Scotland, P3070. Edinburgh, Scotland, Jul. 26-30, 2010
35	M.C. Cozzi, P. Valiati, M.G. Strillacci, G. Pertica, B. Gandolfi, M. Polli, M. Longeri (2009). Diversità genetica del DNA mitocondriale dell'asino. In: Atti 11 [°] Convegno Nuove acquisizioni in materia di ippologia - New findings in equine practice. Torino: Fondazione Centro Internazionale del Cavallo "La Venaria Reale", Druento (TO), 2009
36	S.P. Marelli, M.C. Cozzi, M.G. Strillacci, G. Pertica, M. Polli, M. Longeri , L. Guidobono Cavalchini (2009). Population structure analysis in some Italian chicken breeds. Proceedings XVIII ASPA Congress. Palermo, 9-12 June 2009 in: Italian Journal of Animal Science, vol. 8, p. 817, ISSN: 1594-4077
37	F. Porciello, P. Ferrari, F. Birettoni, M. Rishniw, G. Pertica, M. Polli, M. Longeri (2009). Association of Hypertrophic Cardiomyopathy phenotype and genotype in Italian Maine Coon cats. In: Proceedings 2009 ACVIM Forum and Canadian Veterinary Medical Association Convention. p. 706-707, ACVIM, Montréal, Canada, 2009

38	Bonazzi M, Volta A, Gnudi G, Longeri M , Manfredi S, Bertoni G (2008). Comparison between ultrasound and genetic testing for the early diagnosis of Polycystic Kidney Disease in persian and exotic shorthair cats. In: Proceedings of the 15th Annual conference of the European Association of Veterinary Diagnostic Imaging (EAVDI), August 6th - 9th, 2008 - Svolveer, Norway.
39	M. Longeri , G. Pertica, P. Ferrari, P.G. Brambilla, M.C. Cozzi, M.G. Strillacci, B. Gandolfi, P. Valiati, C. Scilini, M. Polli, L. Guidobono Cavalchini (2008). The Osservatorio Italiano HCM Felina: a Feline Inherited Diseases Network in Italy. In: Proceedings of the 31st International Conference on Animal Genetics (ISAG). Amsterdam (NL), Jul. 20-24, 2008
40	M.G. Strillacci, G. Pertica, S.P. Marelli, P. Valiati, B. Gandolfi, M.C. Cozzi, M. Polli, M. Longeri , L. Guidobono Cavalchini (2008). The genetic variability in Hunting dog breeds using microsatellite markers and mitochondrial DNA polymorphisms. In: Proceedings of the 31. International Conference on Animal Genetics. [S.l.]:null, Amsterdam, 2008
41	M.C. Cozzi, P. Valiati, R. Cherchi, M.G. Strillacci, A. Corona, G. Pertica, B. Gandolfi, M. Polli, M. Longeri , L. Guidobono Cavalchini (2008). Mitochondrial DNA variability and genetic relationships in four Italian donkey breeds (<i>Equus asinus</i>). In: Proceedings of the 31. International Conference on Animal Genetics. [S.l.]:[s.n.], Amsterdam, 2008
42	P. Valiati, R. Cherchi, M.G. Strillacci, A. Corona, G. Pertica, B. Gandolfi, M. Polli, Longeri M , L. Guidobono Cavalchini (2008). Mitochondrial DNA variability and genetic relationships in four Italian donkey breeds (<i>Equus asinus</i>). In: Proceedings of the 31st International Conference on Animal Genetics (ISAG). Amsterdam (NL), Jul. 20-24, 2008
43	M. Faustini, A. Riccardi, M. L. Torre, C. Colombani, S. Scocca, M. Lazzati, M. Marone, M Longeri , D. Vigo (2008). Characterization of the milk lipid globules in Varzese-Ottonese cow by laser scatter granulometry. In: Proceedings of the 25. Jubilee World Buiatrics Congress. p. 53, [S.l.]:[s.n.], Budapest, 2008
44	M.C. Cozzi, P. Valiati, R. Cherchi, M.G. Strillacci, A. Corona, G. Pertica, B. Gandolfi, M. Polli, M. Longeri , L. Guidobono Cavalchini (2008). Variabilità del DNA mitocondriale in 4 razze asinine italiane (<i>Equus asinus</i>). In: Atti 10° Convegno Nuove acquisizioni in materia di ippologia - New findings in equine practices. Centro Progettazione Grafica & Stampa dell'Università degli Studi del Molise, Druento (TO), 2008
45	S.P. Marelli, M.C. Cozzi, V. Ferrante, S. Lolli, M. Longeri , L.G. Cavalchini (2008). Growth, performance, reactivity and gene sequence analysis in three traditional Italian chicken breeds. In: Proceedings 23° World Poultry Congress. Brisbane Australia, 30 June - 4 July 2008, ISSN: 0043-9339.
46	R. Crooijmans, T. Baxter, S. Casu, K. Chen, A. Ducos, S. Genini, E. Giuffra, Y. T. Ju, H. P. Koelewijn, M. Longeri , E. Luetkemeier, R. Malhi, H. J. Megens, W. Muir, N. Okumura, M. Perez enciso, A. Roca, C. Roseman, G. Semiadi, L. Shackelford, M. Sodhi, Wirdateli, G. Larson, M. Groenen, L. Schook (2008). Towards a genomic platform for analysis of wild boar and suiforme diversity and evolution. In: Proceedings of the 7th International Symposium on Wild Boar (<i>Sus scrofa</i>) and on Sub-order Suiformes., University of Sopron (HUN), August 28-30th 2008
47	M.C. Cozzi, P. Valiati, M.G. Strillacci, B. Bighignoli, B. Gandolfi, M. Polli, M. Longeri , L. Guidobono Cavalchini (2007). Differenziazione genetica di alcune popolazioni equine allevate in Italia mediante marcatori genetici. Atti 9° Convegno Nuove acquisizioni in materia di ippologia: Perugia, 22 giugno 2007., Perugia, 2007
48	Guidobono Cavalchini, L, Marelli, S.P, Strillacci, M.G, Cozzi, M.C, Polli, M, Longeri M , (2007). Heterozygosity analysis of Bionda Piemontese and Bianca di Saluzzo chicken breeds by microsatellites markers: a preliminary study. In: Italian journal of animal science. In: Proceedings of the 17° ASPA Congress. Alghero, SS, p. 63-65
49	L. Lattuada, F. Quaglia, R. Bacchetta, B. Bighignoli, M. Longeri , M. Polli (2006). Phylogenetic relationships among wild boar (<i>Sus scrofa</i>) populations in Italy. In: Proceedings of the 30 th Conference of the International Society for Animal Genetics (ISAG) Porto Seguro (Brasil), Aug. 21-25, 2006, p. 32, null, ISBN: 85-85584-02-5, Porto Seguro, 2006
50	B. Bighignoli, N. C. Pedersen, M. Polli, R. A. Grahn, M. Longeri , L.A. Lyons (2006). The genetic characterization of the A and B blood type in the domestic cats. In: Proceedings of the 30 th International Conference on Animal Genetics (ISAG). Porto Seguro (Brasil), Aug. 21-25, 2006 ISBN: 8585584025
51	M.C. Cozzi, M. Longeri , P. Valiati, M.G. Strillacci, S. Dardano, M. Polli, A. Lancia, E. Battista, L. G. Cavalchini (2006). Genetic characterization of Esperia horse breed by genetic markers. In: Proceedings of the 30th International Conference of the International Society of Animal Genetics ISAG. Porto Seguro (Brasil), Aug. 21-25, 2006, p. 35, ISBN: 85-85584-02-5.
52	Rattegna G., Dardano S., Strillacci M.G., Cozzi B., Longeri M (2006). <i>Tursiops truncatus</i> genetic analysis by DNA markers. In: 34th Annual Symposium of European Association for Aquatic Mammals. Riccione. Riccione 17-20 March 2006
53	M.C. Cozzi, P. Valiati, M. Cancedda, M.G. Strillacci, M. Polli, M. Longeri , L. Guidobono Cavalchini (2006). Cavallino della Giara: vent'anni di studi genetici. In: Atti della Giornata di studio sulla biodiversità animale. p. 86-102, [S.l.]:[s.n.], Cagliari, 2005
54	S. Dardano, M.G. Strillacci, W. Coppeters, M. Georges, M. Longeri (2006). Ichthyosys disorder in Chianina cattle: candidate gene approach and preliminary genome-wide scan data. In: (a cura di): J. Gerardin;T. Dauvrin;J. Dommès;D. Rentier, Bioforum proceedings 2006. p. 82-130, UGL Interface, Liege, 2006
55	Longeri M , Valiati P, Frigo E, Cozzi M.C, Polli M, Strillacci M.G, Bighignoli B, Guidobono Cavalchini L (2006). Caratterizzazione e valorizzazione genetica della razza bovina autoctona Varzese. In: Atti del convegno "Stato della ricerca in lombardia-settore zootecnico". Facoltà di Agraria, Milano, 1° dicembre 2006
56	Dardano S., Longeri M , Gandolfi B., Polli M., Cozzi M.C., Strillacci M.G., Bighignoli B., Valiati P., Cavalchini L.G. (2005). Sequenziamento e organizzazione strutturale del gene TGM1, un candidato per l'ittiosi ereditaria bovina. In: Biofutura, primo congresso nazionale dei giovani biotecnologi (ANBI). Bologna, 8-10 aprile, 2005
57	Dardano S., Longeri M , Polli M., Molteni L., Georges M. (2005). Sequencing of TGM1 candidate gene and genome-wide scan for Ichthyosys disorder in Chianina cattle. In: Proceedings of III International Symposium on Genetics of Animal Health. Iowa State University, Ames (Iowa, USA), July 13-15, 2005.
58	S. Roperto, M. Longeri , G. Borzacchiello, M.G. Strillacci, V. Russo, M.C. Cozzi, M. Polli, F. Roperto, M. Zanotti (2005). MHC class II polymorphism and risk of papilloma-associated urinary bladder cancer in Podolica cattle. In: Proceedings of the III International Symposium on Genetics of Animal Health. Iowa State University, Ames (Iowa, USA), July 13-15, 2005.
59	G. Sironi, G. Manarolla, L. Molteni, S. Dardano, P. Parma, M. Longeri (2005). Ichthyosys in Chianina cattle. In: Proceedings of the 23rd Meeting of the European Society of Veterinary Pathology (ESVP); September 7-10, 2005, Napoli. ISBN: 88-7893-004-0
60	L. Lattuada, B. Bighignoli, F. Quaglia, R. Bacchetta, P. Mantecca, S. Dardano, M. Longeri , M. Polli. (2005). Identificazione di una popolazione di cinghiali della provincia di Bergamo mediante analisi del DNA mitocondriale. In: Atti del 66° Congresso Nazionale Unione Zoologica Italiana. Dip. Biologia, - Roma. 19-22 settembre 2005
61	M.C. Cozzi, M.G. Strillacci, M. Cancedda, P. Valiati, B. Bighignoli, S. Dardano, M. Polli, M. Longeri , L. Guidobono Cavalchini (2005). Variabilità genetica del DNA mitocondriale, nella regione di controllo del D-loop, nella razza Cavallino della Giara. In:

	Atti del 7° Convegno "Nuove acquisizioni in materia di Ippologia - New findings in equine practices". Centro progettazione grafica e stampa dell'Università degli Studi del Molise, Milano, 2005
62	M. Longeri , S. Dardano, L. Molteni, M. Polli, P. Parma, G. Sironi, M. Zanotti, G. Succi (2004). Ichthyosis disorder in Chianina cattle: identification of the inherited transmission by pedigree analysis and sequencing of TGM1 candidate gene. In: 29th Conference of the International Society of Animal Genetics (ISAG), p. 64, ISAG, ISBN: 4-9902072-1-1, Tokyo, 2004
63	M. Polli, B. Bighignoli, M. Zanotti, R. Bacchetta, P. Mantecca, M. Longeri , S. Dardano, L. Guidobono Cavalchini (2004). Analysis of mitochondrial DNA control region of a wild boar population in North Italy. In: 29th Conference of the International Society of Animal Genetics (ISAG), p. 94, ISAG, ISBN: 4-9902072-1-1, Tokyo, 2004
64	L. Molteni, S. Dardano, P. Parma, A. De Giovanni, L. De Lorenzi, M. Longeri (2004). Candidate gene approach in molecular analysis of ichthyosis defect in Chianina cattle. In: Proceedings of the XLVIII Annual Congress of the Italian Society of Agricultural Genetics: SIFV-SIGA Joint Meeting. p. 4.08, Lecce - 15 / 18 September 2004; ISBN: 88-900622-5-8.
65	Iannuzzi L., Di Meo G.P., Perucatti A., Rullo R., Incarnato D., Longeri M , Bongioni G., Molteni L., Galli A., Zanotti M., Eggen A. (2003). Comparative FISH-mapping of the survival of motor neuron gene (SMN) in domestic bovids. In: Fourth European Cytogenetics Conference. Bologna, 6 - 9 settembre 2003
66	Longeri M , Magnetti P., Marelli S.P., Taboni I., Bighignoli B., Strillacci M.G., Zanotti M., Cavalchini L.G. (2003). Phylogenetic relationships of 10 canine Italian breeds (Canis familiaris) and wild canids (Vulpes vulpes, Canis lupus italicus) by microsatellite and mitochondrial polymorphisms. In: 54th EAAP Conference. Rome 31 Aug. - 3 Sept. 2003, vol. 9, p. 37
67	M. Polli, M. Longeri , P. Magnetti, S.P. Marelli, I. Taboni, B. Bighignoli, M.G. Strillacci, M. Zanotti, L. Guidobono Cavalchini (2003). Phylogenetic relationships of 10 canine Italian breeds (Canis familiaris) and wild canids (Vulpes vulpes, Canis lupus italicus) by microsatellite and mitochondrial polymorphisms. In: (a cura di): Y. van der Honing, Book of Abstracts of the 54. Annual Meeting of the European Association for Animal Production. Wageningen: Wageningen Academic publisher, ISBN: 978-90-76998-20-6, Roma, 2003
68	M. Longeri , I. Taboni, M.G. Strillacci, A.B. Samore', M. Zanotti (2003). Physicochemical polymorphism in MHC class II peptide binding groove molecule and Somatic Cell Count (SCC) in Italian Holstein Friesian bulls. In: (a cura di): Y. van der Honing, Book of Abstracts of the 54. Annual Meeting of the European Association for Animal Production. Wageningen: Wageningen Academic publisher, ISBN: 978-90-76998-20-6, Roma, 2003
69	A. Galli, G. Bongioni, M. Bona, M. Zanotti, M. Longeri (2003). Study of arthrogyrosis in Piedmont cattle breed by microsatellite analysis. In: (a cura di): Y. van der Honing, Book of Abstracts of the 54. Annual Meeting of the European Association for Animal Production. Wageningen: Wageningen Academic publisher, ISBN: 978-90-76998-20-6, Roma, 2003
70	Magnetti P., Polli M., Longeri M , Marelli S., Zanotti M., Cavalchini L.G. (2002). Analisi della variabilità genetica e delle relazioni filogenetiche in alcune razze canine italiane, nel lupo d'abruzzo e nella volpe mediante lo studio dei marcatori microsatelliti. In: 63° Convegno dell'Unione Zoologica Italiana. Rende (CS), 22-26 settembre 2002, p. 107
71	Zanotti M., Scotti R., Strillacci M.G., Longeri M . (2002). Bovine NRAMP1 gene promoter sequence and polymorphism. In: Second International Symposium on Candidate Genes for Animal Health. Montpellier (FR) 16 - 18 August 2002, p. session 3
72	Longeri M. , Perrone T., Bongioni G., Bona M., Zanotti M., Galli A. (2002). Survival Motor Neuron (SMN) polymorphism in relation to congenital arthrogyrosis in Piedmont cattle. In: Second International Symposium on Candidate Genes for Animal Health. Montpellier (FR) 16 - 18 August 2002, p. session 4
73	Longeri M , Strillacci M.G., Leonarduzzi R., Pilla F., Rasero R., Fraghi A., Zanotti M. (2002). Genetic characterisation of Istrian sheep by microsatellites. In: Proceedings of the 28th Conference of the International Society of Animal Genetics (ISAG). August 11-15, 2002, Göttingen, (DE), p. 115 ISBN: 3-00-010597-2
74	M. Polli, P. Magnetti, M. Longeri , S. Marelli, M. Zanotti, L. Guidobono Cavalchini (2002). Genetic variation and phylogenetic relationships in some dog breeds, Italian wolf (Canis lupus italicus) and in red fox (Vulpes vulpes) based on microsatellite DNA polymorphisms. In: Proceedings of the 28th Conference of the International Society of Animal Genetics (ISAG). August 11-15, 2002, Göttingen, (DE), p. 125-126, ISBN: 3-00-010597-2
75	M.C. Cozzi, M.G. Strillacci, M. Longeri , M. Zanotti (2002). Study of mitochondrial d-loop DNA sequence variation in some Italian horses. In: Abstract of 28th International Conference on Animal Genetics. Göttingen: Institute of Animal Breeding and Genetics, Göttingen (GER), 2002
76	M. Zanotti, M.G. Strillacci, M. Polli, I. L. Archetti, M. Longeri (2002). NRAMP1 gene effect on bovine Tuberculosis by microsatellite markers analysis. In: Proceedings of the 7th World Congress on genetics Applied to Livestock Production. p. 775-778, International Committee for World Congress on genetics Applied to Livestock Production. From Institut national de la Recherche Agronomique (INRA) and Centre de Cooperation Internationale en Recherche Agronomique pour le Developpement (CIRAD), Montpellier, FR, 2002
77	G. Damiani, A. Caroli, P. Mariani, P. Bolla, M. Longeri , G. Pagnacco (2001). Incompatibilità e biodiversità. In: Opportunità di sviluppo sostenibile. Ed. Tecnomack, Bari, Bari, 2001
78	R. Finocchiaro, G. Damiani, E. Budelli, M. Longeri , P. Bolla, L. Montalbano (2001). The hairless (hr) gene in ovine species. In: Proceedings of the ASPA XIV Congress. Firenze, 12-15 June 2001, p. 85-87
79	M. Longeri , G. Damiani, L. Del Bo, M. Zanotti (2000). BoLA DR peptide binding groove charge residue polymorphisms and immune response to <i>M. bovis</i> antigens. In: Proceedings of the 27th International Conference on Animal Genetics (ISAG), Minneapolis - MN, USA. 22-26 July 2000 p. 71
80	A. Galli, M. Zanotti, G. Bongioni, L. Del Bo, M. Bona, R. Aleandri, M. Longeri (2000). Arthrogyrosis in Piedmontese cattle breed: a genetic analysis. In: Proceedings of the 27th International Conference on Animal Genetics (ISAG), Minneapolis - MN, USA. 22-26 July 2000 p. 87
81	Zanotti M., Strillacci M.G., Del Bo L., Longeri M (2000). Studio del gene NRAMP1 in relazione alla tubercolosi bovina. In: Atti LVII Convegno Nazionale della Società Italiana delle Scienze Veterinarie, Riva del Garda, TN, Italy, vol. LVII, p. 423-424
82	M. Zanotti, G. Bongioni, A. Galli, M. Longeri , L. Del Bo, M. Bona, R. Aleandri (1999). Basi genetiche dell'artrogriposi nel bovino Piemontese. In: (a cura di): G.F. Greppi; G. Enne, Strumenti innovativi per la ricerca avanzata nelle produzioni animali : 34. simposio di zootecnia. p. 367-375, Milano: Massimo Valdina CHA per GM scientific pub.s, Milano, 1999
83	M. Polli, L. Del Bo, G. Ceriotti, M. Longeri , M. Zanotti (1998). Genetic distances of seven cattle breeds of the Italian Alpine area by microsatellites. In: Proceedings of the 26th International Conference on Animal Genetics, 9-14 aug 1998 Auckland (NZ). Animal Genetics, 1998 vol. 29(suppl.1), p. 9, Auckland, 1998, ISSN: 0268-9146

84	A. Galli, N. Valente, G. Bongioni, A. Pozzi, M. Zanotti, M. Longeri , C. Previtali, R. Aleandri (1998). Identity test (comparison between DNA blood and semen) in twin bulls. In: Proceedings of the 26th International Conference on Animal Genetics. 9-14 aug 1998 Auckland (NZ). Animal Genetics, 1998 vol. 29(suppl.1), p. 12, ISSN: 0268-9146 doi: 10.1046/j.1365-2052.1998.00252.x
85	M. Polli, L. Del Bo, M. Longeri , S. Marelli, L. Guidobono Cavalchini (1998). Controllo genetico della parentela nel cane mediante microsatelliti. Atti LII Convegno Nazionale della Società Italiana delle Scienze Veterinarie. vol. LII, p. 483-484, 17 - 19 settembre 1998 Silvi Marina (TE), ISSN: 1721-1980.
86	Longeri M. , Del BO L., Lacci L., Vercelloni L., Zanotti M. (1998). PCR-RFLP: metodo rapido di tipizzazione del Complesso Maggiore di Istocompatibilità per lo studio della resistenza alla Tuberculosis bovina. In: Atti LII Convegno Nazionale della Società Italiana delle Scienze Veterinarie. vol. LII, p. 489-490) 17 - 19 settembre 1998 Silvi Marina (TE), ISSN: 1721-1980.
87	M. Zanotti, M. Polli, M. Longeri , L. Del Bo, G. Ceriotti (1997). Cromosomi 1 e 9 come sede di QTL: Correlazione tra marcatori microsatelliti ed indici genetici latte in tori di razza Frisona Italiana. In: Atti Congresso Nazionale della Associazione Scientifica di Produzione Animale (A.S.P.A). p. 79-80, 23-26 giugno Pisa, Italy, 1997
88	M. Polli, G. Ceriotti, L. Del Bo, M. Longeri , M. Zanotti (1997). Variabilità genetica di alcune popolazioni bovine dell'arco alpino indagata mediante microsatelliti. In: Atti XII Congresso Nazionale della Associazione Scientifica di Produzione Animale A.S.P.A. p. 75-76, 23-26 giugno Pisa, Italy, 1997
89	F. Ravanelli, M. Polli, M. Longeri , L. Del bo, M. Zanotti (1996). Influence of class II (DRB3) histocompatibility antigens in Italian Holstein Friesian bulls on milk production. In: Atti del convegno AAA BIOTEC - Advanced Biotechnologies for Agriculture, Nutrition and Environment. p. 160-161, Ferrara Fiere, Ferrara, Italy, 1996
90	M. Zanotti, L. Del Bo, M. Longeri , M. Polli, G. Ceriotti, S. J. Kemp (1996). Two polymorphic microsatellite markers in sheep. Animal Genetics, vol. 27, p. 41-42, Blackwell Scientific Publications, ISSN: 0268-9146, doi: 10.1111/j.1365-2052.1996.tb01585.x. Proceedings of the 25th Conference of the International Society on Animal Genetics (ISAG) Tour (FR), 21-25 July 1996
91	G. Poli, M. J. T. Van Eijk, M. Rocchi, M. Polli, W. Ponti, E. Bolzani, M. Longeri , S. Russo, M. Zanotti, H. A. Lewin (1995). Association of BoLA class II haplotypes with vertical transmission and sub clinical progression of Bovine Leukaemia Virus infection in Holstein Friesian cattle. In: Proceedings of the 4th International Veterinary Immunology Symposium of the International Union of Immunological Societies. p. 11, Gershwin, Lunney and Schore, University of California, Davis, CA, USA, 16-21 July 1995
92	Zanotti M., Longeri M. , Polli M., Ravanelli F. (1995). Mappa del genoma bovino: passo essenziale verso la selezione assistita da marcatore. In: Atti del XXXIX Convegno Annuale della Società Italiana di Genetica Agraria. vol. XXXIX, p. 36-37, Società Italiana di Genetica Agraria, Vasto Marina (CH), Italy, 1995.
93	M. Zanotti, M. Longeri , M. Polli (1995). Identificazione e mappa genetica di cinque nuovi microsatelliti nel bovino. In: Atti XI Congresso nazionale A.S.P.A. p. 177-178, Associazione Scientifica di Produzione Animale, Grado (GO), Italy, 1995
94	M. Polli, M. Longeri , F. Ravanelli, L. Del Bo, M. Zanotti (1995). Microsatelliti bovini come marcatori per l'analisi genetica nella pecora. In: Atti XLIX Convegno Nazionale della Società Italiana delle Scienze Veterinarie. vol. XLIX, p. 913-914, Salsomaggiore, PR 26-29 settembre 1995, ISSN: 1721-1980
95	Zanotti M., Longeri M. , Polli M., Ceriotti G. (1995). Mapping the bovine genome: microsatellite identification. Proceedings XXX International Symposium of Società Italiana per il progresso della Zootecnia, Milano 13 maggio 1995 Atti della Società Italiana per il progresso della Zootecnia, Milano 11-13 Sett. 1995. 65-75, Vol. Reproduction and animal breeding. Advances and strategies, ISBN 2-906077-70-4.
96	M. Polli, M. Longeri , C. Rivolta, M. Zanotti (1994). 5 nuovi microsatelliti polimorfici identificati nel bovino. In: Atti XLVIII Convegno Nazionale della Società Italiana delle Scienze Veterinarie. vol. XLVIII, p. 1721-1725, Salsomaggiore, PR 26-29 settembre 1995, ISSN: 1721-1980
97	Polli M., Rivolta C., Longeri M. , Ceriotti G., Zanotti M. (1994). RFLP analysis of MHC in Italian river Buffalo (Bubalus bubalis). ANIMAL GENETICS, vol. 25 (suppl. 2), Proceedings of the 24th Conference of the International Society of Animal Genetics (ISAG) Prague 23-29 July 1994, ISSN: 0268-9146
98	Zanotti M., Polli M., Rivolta C., Longeri M. (1994). Identification of 5 new polymorphic bovine microsatellites. ANIMAL GENETICS, vol. 25 (suppl. 2), p. 50-51, Proceedings of the 24th Conference of the International Society of Animal Genetics (ISAG) Prague 23-29 July 1994, ISSN: 0268-9146
99	Ponti W., Montermini L., Bolzani E., Rocchi M., Polli M., Zanotti M., Longeri M. , Russo S., Agresti A., Poli G. (1994). Susceptibility to BLV (Bovine Leukaemia Virus) prenatal and neonatal infection in relation to BoLA polymorphisms. In: XXIX International Symposium of Società Italiana per il progresso della Zootecnia. Milano, 13 maggio 1994, p. 208-213
100	W. Ponti, M. Zanotti, E. Bolzani, M. Rocchi, M. Polli, G. Ceriotti, M. Longeri , S. Russo, G. Poli (1994). Sensibilità all'infezione perinatale da BLV (Bovine Leukaemia Virus) in relazione ai polimorfismi BoLA. In: Atti del XLVIII Convegno Nazionale della Società Italiana delle Scienze Veterinarie. vol. XLVIII p. 1055-1059, Giardini Naxos (CT), 30 sett - 1 ott 1994, ISSN: 1721-1980
101	Zanotti M., Ceriotti G., Polli M., Rivolta C., Longeri M. (1994). Correlazione tra antigeni di istocompatibilità (BoLA-A) e produzione di latte nella razza F.I. In: Congresso "Un alimento antico in viaggio verso il futuro". Torino, 3-4 Novembre 1994
102	Zanotti M., Longeri M. , Polli M., Rivolta C., Ceriotti G. (1994). Class I and class II polymorphism effects on immune response to killed M. bovis. In: International Conference on Comparative Gene Mapping in Terrestrial and Aquatic Vertebrates. Oslo, 7-11 February 1994
103	Zanotti M., Montermini L., Bolzani E., Rocchi M., Polli M., Ponti W., Longeri M. , Russo S., Agresti A., Poli G. (1994). Suscettibilità all'infezione prenatale e neonatale da BLV (Bovine Leukaemia Virus) in relazione ai polimorfismi BoLA. In: XVIII World Buiatrics Congress. Bologna, August 29 - September 2 1994, p. 729-732
104	M. Polli, S. Ciccarese, C. Rivolta, M. Longeri , G. Ceriotti (1993). RFLPs per l'analisi del polimorfismo del recettore dei linfociti T (gamma/delta) nel bovino. In: Atti del XLVII Convegno Nazionale della Società Italiana delle Scienze Veterinarie. vol. XLVII, Riccione, 29 settembre - 2 ottobre 1993 ISSN: 1721-1980
105	C. Rivolta, M. Polli, G. Ceriotti, M. Longeri , P. Mariani, M. Zanotti (1993). Study on bovine MHC region by RFLPs methods: evidence of high polymorphism. In: IV Congress on University and Biotechnology innovation. p. 37-40, Interuniversity Consortium for Biotechnologies, Firenze, Italy, 1993
106	M. Zanotti, M. Polli, G. Ceriotti, M. Longeri , C. Rivolta, P. Mariani (1993). The variability of MHC in cattle: the polymorphism in DQ and DR regions. In: Atti Associazione Genetica Italiana. p. 2007-2008, Associazione Genetica Italiana, Senigallia, 1993

107	M. Longeri , M. Polli, C. Rivolta, G. Ceriotti, M. Zanotti (1992). BoLA class I polymorphism and in vitro immune response to M. bovis antigens: 1. Lymphocyte stimulation. ANIMAL GENETICS, vol. 23, p. 44, Proceedings ISAG Congress Interlaken Switzerland ISSN: 0268-9146
108	M. Longeri , W. Ponti, M. Rocchi, P. Mariani, M. Zanotti (1992). BoLA class I polymorphism and in vitro immune response to M. bovis antigens: 2. Phagocytic activity and class II expression. ANIMAL GENETICS, vol. 23, p. 45, Proceedings ISAG Congress Interlaken Switzerland ISSN: 0268-9146
109	M. Polli, C. Rivolta, G. Ceriotti, P. Mariani, M. Longeri (1992). Studi preliminari nel bovino sulle relazioni tra antigeni di classe I definiti sierologicamente e di classe II identificati mediante RFLPs. In: Atti del XLVI Convegno Nazionale della Società Italiana delle Scienze Veterinarie. vol. XLVI, p. 1659-1663, Venezia 30/09-. 03/10/1992 ISSN: 1721-1980
110	M. Longeri , G. Ceriotti, M. Zanotti (1992). Valutazione col metodo ELISA della risposta umorale al M. bovis ucciso nel bovino in relazione al polimorfismo MHC di classe I. In: Atti del XLVI Convegno Nazionale della Società Italiana delle Scienze Veterinarie. vol. XLVI, p. 1647-1651, Venezia 30/09-. 03/10/1992 ISSN: 1721-1980
111	M. Longeri , M. Polli, G. Ceriotti, M. Zanotti (1991). Criteri e metodi di valutazione della sensibilità al Mycobacterium bovis ucciso nel bovino, con particolare riferimento all'attività T helper. In: Atti del XLV Convegno Nazionale della Società Italiana delle Scienze Veterinarie. vol. XLV, p. 853-857, Palermo 25-28 Sett. 1991. ISSN: 1721-1980
112	G. Ceriotti, C. Rivolta, M. Longeri , P. Mariani (1991). Frequenza degli antigeni di istocompatibilità di classe I in una popolazione di vacche e di tori nella razza Frisona Italiana. In. Atti del XLV Convegno Nazionale della Società Italiana delle Scienze Veterinarie. vol. XLV, p. 1647-1651, Palermo 25-28 Sett. 1991. ISSN: 1721-1980
113	M. Zanotti Casati, P. Mariani, M. Polli, M. Longeri (1991). Impiego di sonde omologhe per lo studio della regione BoLA-D. In: Il Convegno su Università ed innovazione biotecnologica, Roma 28 giugno 1991. Università degli studi La Sapienza
114	M. Longeri , M. Zanotti Casati, G. Ceriotti, M. Polli, T. M. Gliozzi (1991). Initial investigation on association between BoLA and TB infection. In: (a cura di): J.B. Owen;R.F.E. Axford, Breeding for diseases resistance in farm animals. p. 483-484, C.A.B. International, ISBN: 0851987109
115	M. Zanotti Casati, G. Ceriotti, M. Longeri , M. Polli, T. M. Gliozzi (1990). Histocompatibility and production performances in Italian Holstein Friesian bulls. In: Proceedings of the 4th World congress on genetics applied to livestock production, XVI Poultry, Fish and Horse Genetics and Breeding, Growth and Reproduction, Immune Response and Disease Resistance. p. 189-192, Organising Committee, 4th World congress on genetics applied to livestock production, ISBN: 0-951-60333-7, Edinburgh, UK, 1990
116	Zanotti Casati M., Ceriotti G., Polli M., Longeri M. , Gliozzi T.M. (1990). Association of BoLA antigens with milk production traits in Holstein Friesian cows. Proceedings XXII International Conference on Animal Genetics (ISAG). East Lansing Michigan, USA. Animal Genetics, vol. 22 (suppl. 1), ISSN: 0268-9146
117	M. Longeri , M. Polli, G. Ceriotti, T. M. Gliozzi, M. Zanotti (1990). Prime osservazioni sulle relazioni tra antigeni di istocompatibilità e tubercolosi bovina. In: Atti del XLIV Convegno Nazionale della Società Italiana delle Scienze Veterinarie. vol. XLIV, p. 899-902, Stresa 27-29 settembre 1990, ISSN: 1721-1980
118	G. Ceriotti, M. Polli, M. Zanotti, M. Longeri , T. M. Gliozzi (1990). Studi preliminari sull'associazione tra antigeni di istocompatibilità di classe I e caratteristiche produttive in un campione di vacche Frisone italiane. In: Atti del XLIV Convegno Nazionale della Società Italiana delle Scienze Veterinarie. vol. XLIV, p. 1723-1727, Stresa 27-29 settembre 1990 ISSN: 1721-1980
119	E. Bolzani, T. M. Gliozzi, M. Longeri , M. Zanotti, L. Bonizzi (1989). Parametri immunitari ed infezione da BLV in bovine da latte tipizzate per gli antigeni di istocompatibilità (BoLA) di classe I. In: Atti del XLIII Convegno Nazionale della Società Italiana delle Scienze Veterinarie. vol. XLIII, p. 1043-1048, 5-7 ottobre 1989, Pisa 1989, ISSN: 1721-1980,
120	M. Zanotti C, M. Longeri , G. Ceriotti, A. Stancanelli, A. Ceccarelli, G. Gentile (1989). Parametri immunitari in una popolazione di bovini da carne in funzione degli antigeni di istocompatibilità (BoLA) di classe I. In: Atti del XLIII Convegno Nazionale della Società Italiana delle Scienze Veterinarie. vol. XLIII, p. 1807-1813, 5-7 ottobre 1989, Pisa ISSN: 1721-1980

Contributi in volume

121	M. Longeri redazione delle schede n.67, 68 e 69 sulle principali malattie ereditarie dei gatti in: G.Pagnacco "Genetica Animale, applicazioni zootecniche e veterinarie", III edizione, Casa Editrice Ambrosiana Rozzano (MI) 2020; SBN 978880852017
122	J. Riva, K. L. Overall, C. Careni, M. Verga, E. Sforzini, V. Redaelli, F. Luzi, S.P. Marelli, M.C. Cozzi, M. Polli, S. Boccaletti, M. Longeri (2011). Animali d'affezione: nuove frontiere nella ricerca su problemi comportamentali, neurofisiologia e genetica, Ed. Fondazione Iniziative Zooprofilattiche e Zootecniche di Brescia, ISBN: 9788890441677
123	M. Polli, S. Boccaletti, M. Longeri (2011). Genetica, prevenzione e diagnosi molecolare delle principali malattie ereditarie del cane e del gatto. In: (a cura di): J. Riva;C. Careni;M. Verga, Animali d'affezione : nuove frontiere nella ricerca su problemi comportamentali, neurofisiologia e genetica. p. 83-107, Ed. Fondazione Iniziative Zooprofilattiche e Zootecniche di Brescia, ISBN: 9788890441677
124	M. Longeri , S. Boccaletti, M. Polli (2011). Genetica, prevenzione e diagnosi molecolare delle principali malattie ereditarie del gatto. In: (a cura di): J. Riva;C. Careni;M. Verga, Animali d'affezione: nuove frontiere nella ricerca su problemi comportamentali, neurofisiologia e genetica. p. 71-82, Ed. Fondazione Iniziative Zooprofilattiche e Zootecniche di Brescia, ISBN: 9788890441677
125	M.C. Cozzi, M. Longeri , P. Valiati, M.G. Strillacci, S. Dardano, M. Polli, A. Lancia, E. Battista, L. Guidobono Cavalchini (2009). Caratterizzazione genetica della razza Pony di Esperia mediante marcatori genetici. In: E. Battista. (a cura di): E. Battista, Il Pony di Esperia. p. 118-125, [S.l.]:Ciociariaturismo
126	M. Longeri (2008). DNA diagnostic tests for inherited diseases in pets in "Reproduction in companion exotic and laboratory animals. In: (a cura di): C. LUVONI, III Course - Recent avances in reproduction. European School for Advanced Veterinary Studies - European Veterinary Society for Small Animal Reproduction. p. 117-122, MILANO:Ed. School of Veterinary Medicine Milan
127	M. Zanotti, M. Longeri , L. Del bo (2000). Identificazione di geni maggiori d'interesse economico (ETL) per la resistenza alle malattie. In: Identificazione ed utilizzazione di geni che influenzano la variabilità delle caratteristiche di interesse economico negli animali domestici. p. 99-121. Arsia - Agenzia Regionale Per Lo Sviluppo e l'innovazione nel settore Agricolo Forestale, 6 giugno 2000, Università di Pisa, Pisa.
128	M. Longeri , M. Polli, C. Rivolta, G. Ceriotti, M. Zanotti (1995). Geni di istocompatibilità di classe II ed effetto nella risposta immunitaria nei confronti di M.bovis. In: Atti della II Conferenza Nazionale su Stato dell'arte delle ricerche Italiane nel settore delle biotecnologie innovative applicate alle scienze veterinarie e zootecniche. p. 77-83, Ed. Fondazione Iniziative Zooprofilattiche e Zootecniche di Brescia, ISBN: 9788890441677

129	W. Ponti, L. Montermini, E. Bolzani, Rocchi, M. Polli, M. Zanotti, M. Longeri , S. Russo, A. Agresti, G. Poli (1995). Influenza del polimorfismo BoLA sull'infezione prenatale e neonatale da BLV (Bovine Leukemia Virus). In: Atti della II Conferenza Nazionale su: Stato dell'arte delle ricerche italiane nel settore delle biotecnologie innovative applicate alle scienze veterinarie e zootecniche. p. 117-123, Ed. Fondazione Iniziative Zooprofilattiche e Zootecniche di Brescia, ISBN: 9788890441677
130	M. Zanotti, M. Longeri , M. Polli, G. Ceriotti (1995). Mapping the bovine genome: microsatellite identification. In: Reproduction and animal breeding. Advances and strategies. p. 65-75, Enne G, Greppi GF, Lauria A., ISBN: 2-906077-70-4
131	Longeri M. , Polli M., Rivolta C., Ceriotti G., Zanotti M. (1994). Geni di istocompatibilità di classe II ed effetto nella risposta immunitaria nei confronti di M.bovis. In: AAVV. Stato dell'arte delle ricerche italiane nel settore delle biotecnologie innovative applicate alle scienze veterinarie e zootecniche. p. 77-83, Ed. Fondazione Iniziative Zooprofilattiche e Zootecniche di Brescia, ISBN: 9788890441677
132	W. Ponti, L. Montermini, E. Bolzani, M. Rocchi, M. Polli, M. Zanotti, M. Longeri , S. Russo, A. Agresti, G. Poli (1994). Susceptibility to BLV (Bovine Leukaemia Virus) prenatal and neonatal infection in relation to BoLA polymorphisms. In: (a cura di): G.F. Greppi;G. Enne, Animal production & biotechnology : this issue consists of the proceedings of the 29. International symposium of Società italiana per il progresso della zootecnica held in Milan, May-13, 1994. p. 207-213, AMSTERDAM:Elsevier, ISBN: 2906077674
133	M. Zanotti, G. Ceriotti, M. Longeri , P. Mariani, M. Polli, C. Rivolta (1993). Antigeni del complesso maggiore di istocompatibilità e correlazioni con caratteri di interesse zootecnico. In: Stato dell'arte delle ricerche Italiane nel settore delle biotecnologie innovative applicate alle scienze veterinarie e zootecniche. p. 169-178, Ed. Fondazione Iniziative Zooprofilattiche e Zootecniche di Brescia, ISBN: 9788890441677

Curatela

134	S. Bonati, M.G. Falcone, M. Vanni, L. Busani, R. Masella, P Calistri, R. Condoleo, M. Marinovic, B. Tiozzo, S. Crovato "Valutazione e Comunicazione del Rischio in Sicurezza Alimentare (definizioni, normativa, formazione - in Italia e nel contesto dell'Unione europea)", a cura di M. Longeri , Eds. Milano University Press, 2022, in stampa
-----	---

Tabella 3 (T3) Progetti per finanziamenti competitivi

n.	Anno	Tipo e titolo del programma / progetto	Gruppo di Ricerca / Collaborazioni	Ruolo di M.L.E. Longeri	Finanziato
1	2022	PRIN. Programmi di ricerca scientifica di rilevante interesse nazionale. Titolo del progetto "Disentangling the genetic architecture of resilience and fitness: GENotype by Environment interaction in Rendena local cattle breed".	Coordinatore: C. Sartori (UNIPD) Resp. Unità: M.G. Strillacci (UNIMI)	Partecipante unità di ricerca	In valutazione
2	2022	Piano Strategico di Ateneo per il sostegno alla ricerca, Linea2 Azione A. Titolo delle Ricerche: "Caratterizzazione della biodiversità nel patrimonio zootecnico italiano"	SSD Agr/17, Agr/20 Responsabile: S.P. Marelli	Partecipante al programma di ricerca	SI
3	2021-2022	Accordo di collaborazione per la realizzazione di seminari di studio tra la direzione generale degli organi collegiali per la tutela della salute del ministero della salute e l'Università Statale degli Studi di Milano	Referente Direzione generale degli organi collegiali per la tutela della salute del Ministero della salute uff3 e Focal point italiano di EFSA: S. Bonati. Referente UNIMI: M.Longeri	Referente	SI
4	2021	Pac Bio - SMRT Grant Program. Titolo del Progetto: "Transcriptome analyses for cat genome reference annotation and biomedical model discovery"	Coordinatore: L.Lyons (Un.Missouri-Columbia - USA) Resp. Unità: RJTodhunter (Cornell Un.), R.Malik (Un. Sydney), A.Ohlsson (SLU), W.Murphy (TAMU), M.Longeri (UNIMI)	Responsabile Scientifico dell'Unità di ricerca	NO
5	2020	Horizon 2020 Framework Programme. Call: H2020-SFS-2020-2. Proposal: 101000358. Titolo del Progetto: EPI-genome enabled breeding in RUMinant species (EPIRUM)	Coordinatore: Alessandro Bagnato Consortio formato da 18 partners Europei	Partecipante all'unità del coordinatore	NO
6	2020	PRIN. Programmi di ricerca scientifica di rilevante interesse nazionale. Titolo del Progetto: Application of genomics and machine learning approaches for "One Health" perspectives on coronavirus potential infections in livestock and companion animals (Animal-Co-Genomics) Prot. 2020XZWZ78, Settore ERC LS9	Coordinatore: L.Fontanesi (UNIBO); Resp. Unità: M.Longeri (UNIMI), T. Sanavia (UNIMI)	Responsabile Scientifico dell'Unità di ricerca	NO
7	2020	Piano Strategico di Ateneo per il sostegno alla ricerca, Linea2 Azione A. Titolo delle Ricerche: "Variabilità genetica intra- e interrazza del coniglio" (VARABBIT)	SSD Agr/17, Agr/20 Responsabile: M.Longeri	Principal Investigator	SI
8	2019	Fondo Europeo Agricolo per lo sviluppo rurale, Regione Lombardia. Misura 16 - "Cooperazione"; Sottomisura 16.1 - "Sostegno per la costituzione e la gestione dei Gruppi Operativi del PEI in materia di produttività e sostenibilità dell'agricoltura", Operazione 16.1.01 - "Gruppi Operativi PEI". Titolo del progetto: "Sviluppo di uno strumento GENomico per la gestione della Riproduzione nei bovini da latte e per il controllo della consanguineità" (GENORIP).	Coordinatore: A.Bagnato (UNIMI), Collaboratori: Associazione Regionale Allevatori Lombardia (ARAL), INSEME s.p.a. (Industria Riproduzione), Aziende zootecniche.	Partecipante all'unità del coordinatore	SI

9	2019	Piano Strategico di Ateneo per il sostegno alla ricerca, Linea2 Azione A. Titolo delle Ricerca: "Repository of Animal Biospecimens - RepAB"	SSD Agr/17, Agr/20 Responsabile: A.Bagnato	Partecipante al programma di ricerca	SI
10	2018	Winn Feline Foundation. Titolo della ricerca: "Feline Amyloidosis in Siamese/Oriental Cats and in Abyssinian/Somali". Bando competitivo.	P.I.: M.Longeri (UNIMI), L.Lyons (Un.Missouri-Columbia - USA); Co-I.: S.Nonnis (UNIMI), F.Genova (UNIMI), A.Mezzelani (CNR-ITB)	Principal investigator	SI
11	2018	Piano di Sostegno alla Ricerca LINEA 2: Dotazione annuale per attività istituzionali. Titolo della ricerca: "Genomic profiling with a high-throughput target sequence panel in cat" (TARGET)	SSD Vet/06, Agr/17, Vet/03, Vet/08 Responsabile: C.Bazzocchi	Partecipante al programma di ricerca	SI
12	2018	Prin 2017 Prot. 201785MCLE Titolo del progetto: Genomic bases of complex diseases in domestic animals - GenDis	Coordinatore: A.Bagnato (UNIMI) Resp.Unità: P.Carnier (UNIPD), A.Mezzelani (CNR-ITB), S.Dall'Olio (UNIBO)	Partecipante all'unità del coordinatore	NO
13	2017	Piano "Sviluppo UNIMI" 2017- Fondi di ricerca del Dipartimento di Medicina Veterinaria. Bando Linea 2_Azione A. Titolo della ricerca: "Characterization of different forms of feline amyloid materials by proteomic and genomic approaches".	SSD Bio/10, Agr/17 Responsabile: S.Nonnis	Partecipante al programma di ricerca	NO
14	2016	Horizon 2020, Call: H2020-SFS-2016-2 Type of action: Research and Innovation action; Topic: Sustainable Food Security-15-2016-2017 - Resilient and resource-efficient value chains., Proposal ID: 727242-2 (int.ref SEP-210358929). Titolo del Progetto: "Omic Tools to improve Resilience and Efficiency in cattle populations" (OTRE)	Coordinatore: A.Bagnato (UNIMI), Unità: Consorzio formato da 14 partners Europei	Partecipante all'unità del coordinatore	NO
15	2016	Winn Feline Foundation. Titolo della ricerca: Seeking genetic markers of abyssinian/somali hereditary amyloidosis. Bando competitive	P.I. M.Longeri (UNIMI) Co-I: L.Lyons (University of Missouri - Columbia), G.Sironi (UNIMI)	Principal investigator	SI
16	2015	Min.Affari esteri e cooperazione internazionale. Grande Rilevanza, USA, Life Sciences, limited to: Brain Studies and Rare Diseases (PGR03602). Titolo: "Amiloidosi ereditaria: ricerca dei meccanismi molecolari e di biomarkers tramite analisi genomica e proteomica nei Felini"	Ente Proponente Italiano: UNIMI Responsabile scientifico: M.Longeri; Ente Proponente Straniero: University of Missouri - Columbia Responsabile scientifico: L.Lyons	Responsabile scientifico	NO
17	2015	Winn Feline Foundation, Miller Trust Grant. Titolo della ricerca: "99 Lives Cat Genome sequencing - Siamese / Oriental Amyloidosis"	P.I.: M.Longeri (UNIMI), L.Lyons (Un.Missouri-Columbia - USA); Co-I.: G.Sironi (UNIMI)	Principal investigator	NO
18	2015	PRIN 2015 - Programmi di ricerca scientifica di rilevante interesse nazionale Prot. 2015NXBRLP_002.	Coordinatore. D.Piantedosi (UNINA) Responsabile Unità: M.Longeri (UNIMI)	Responsabile scientifico di unità di ricerca	NO
19	2014	2014 Grant Proposal for the Winn Feline Foundation. Titolo: "Genome wide analysis to catch a molecular answer to the feline amyloidosis question.	P.I.: M.Longeri (UNIMI) Co-I: L.Lyons (Un.Missouri-Columbia - USA), G.Sironi (UNIMI), A.Thomas (Antagene - FR)	Principal investigator	NO
20	2013	2013 Grant Proposal for the Winn Feline Foundation. Titolo: "Unlock FFPE archives to reveal feline amyloidosis DNA secrets".	P.I.: M.Longeri (UNIMI) Co-I: L.Lyons (Un.California -Davis (USA), G.Sironi (UNIMI)	Principal investigator	NO
21	2012	MIUR Bando FIRB - Programma "Futuro in Ricerca", Prot. RBFR12W6Y5_004. Titolo del progetto: "Approccio metabolico-nutrizionale-genomico comparato alla cardiomiopatia ipertrofica felina e umana".	Coordinatore: MG Cappai (UNISS) Responsabili di Unità: J.Riva (UNIMI), V.Foglia Manzillo (UNINA), F.Birettoni (UNIPG)	Partecipante Unità di ricerca	NO
22	2011	Università degli Studi di Milano-UNIMITT e Regione Lombardia, Programma Ue-Fondo Sociale europeo. Bando Dote ricerca applicata. Titolo: "Analisi ad alta densità del genoma felino e produzione di un chip diagnostico per le cardiomiopatie feline" (Cat-chip).	Referente UNIMI: M.Longeri Partnership: Vetogene, Spinn off di UNIMI	Responsabile	SI
23	2009	NHI, Dept. Health and human services, Public health services, USA. Consortium agreement. Title of proposal: "Genetic Resources for Common mammalian Diseases-NCRR ARRA Supplement-Translational".	Co-PI: L.Lyons (University of California-Davis, USA), M.Longeri (UNIMI)	Co-Principal Investigator	NO
24	2009	PUR 90%. Titolo "Correlazione tra polimorfismi genici, aspetti clinici e reattività nell'insorgenza e nello sviluppo di cardiomiopatia ipertrofica (HCM) felina in diverse razze pure"	Responsabile: M.Longeri Collaboratore: G.Pertica (UNIMI)	Responsabile della ricerca	SI

25	2009	PRIN 2009 - Programmi di ricerca scientifica di rilevante interesse nazionale. Prot. 2009BJF3NP004, Area 07 Titolo: "Identificazione di geni e mutazione causative di patologie mono-oligogeniche ereditarie con omologo umano in cani e gatti di razza tramite genome wide analysis e high- density genotyping: Hereditary Motor and Sensory Neuropathy - Charcot-Marie-Tooth-like (CMT-I) e Cardiomiopatia Ipertrofica (HCM)".	Coordinatore: L.Gallo (UNIPD); Resp. Unità: M.Longeri (UNIMI), C.Renieri (UNICAM), R.Ciampolini (UNIFI), A.Mezzelani (CNR-ITB)	Responsabile Scientifico dell'Unità di ricerca	NO
26	2008	PUR Programma dell'Università per la Ricerca. Titolo: "Ittiosi ereditaria di tipo grave nei bovini di razza Chianina: messa a punto di un test rapido, identificazione dei carriers e piano di selezione per l'eradicazione della malattia".	Responsabile: M.Longeri Collaboratore: G.Pertica (UNIMI)	Responsabile della ricerca	SI
27	2008	MAF Grant ID - D08FE-151. Title of proposal: Linkage Disequilibrium (LD) Mapping in Cats: Case Study-Hypertrophic Cardiomyopathy. Due anni	PI: M.Longeri (UNIMI) Co I: P.Brambilla (UNIMI)	Principal Investigator	NO
28	2007-2008	Regione Lombardia. Programma regionale di ricerca in campo agricolo 2007-2009. Piano per la ricerca e lo sviluppo 2007. Titolo del programma: Valorizzazione della razza bovina "Varzese" n.1053	Responsabile: M.Longeri (UNIMI) Partners: Associazioni Provinciali Allevatori di Pavia, Piacenza, Alessandria, Provincia di Milano - Settore Agricoltura, Università di Brescia	Responsabile di progetto	NO
29	2007	FIRST. Fondo Interno Ricerca Scientifica e Tecnologica UNIMI. Titolo: "Caratterizzazione e valorizzazione genetica della razza bovina Varzese per la riqualificazione delle produzioni e del territorio d'allevamento".	Responsabile: M.Longeri Collaboratori: B. Gandolfi B, A. Harouna (UNIMI)	Responsabile della ricerca	SI
30	2007	Bandi Fondazione Cariplo Bando Pre-proposal "Promuovere la ricerca scientifica e tecnologica in tema di salute e scienze della vita". Tema: "Genomica e proteomica per la prevenzione, la diagnosi precoce e la cura delle malattie"; Titolo: "Caratterizzazione di alterazioni del processo di determinazione e differenziazione sessuale in animali di interesse zoeconomico e da compagnia quale modello per i fenomeni di intersessualità nella specie umana"	Responsabile: F. Cremonesi UNIMI (VET/10). Partecipanti UNIMI: M.Longeri, P.Parma, L.Molteni (AGR/17), S.Arrighi (VET/01), G.Greppi (MAT/06), A.Pecile (VET/10).	Responsabile di unità di Dipartimento	NO
31	2006	FIRST. Fondo Interno Ricerca Scientifica e Tecnologica UNIMI. Titolo "Predisposizione genetica al tumore della vescica nell'infezione da papillomavirus nel bovino: effetto del polimorfismo al locus MHC-DRB3.2 e variabilità mitocondriale"	Responsabile: M.Longeri Collaboratori: M. Polli M, S.Dardano S, MG Strillacci (UNIMI)	Responsabile della ricerca	SI
32	2006	PRIN 2006 - Programmi di ricerca scientifica di rilevante interesse nazionale. Prot. 2006078044_004, Area 07, 09/02/2007 - 23/03/2009. "Oncogenesi virale in grossi e piccoli ruminanti: ruolo dei papillomavirus e considerazioni in materia di sicurezza alimentare".Titolo: "Mutazioni della regione D-Loop del DNA mitocondriale e carcinoma della vescica urinaria in bovini con infezione da papillomavirus".	Coordinatore: G.Borzacchiello (UNINA) Responsabile unità: M.Longeri (UNIMI), F.Bonadies (UNI ROMA "La Sapienza"), L.Della Salda (UNITE)	Responsabile Scientifico dell'Unità di ricerca	SI
33	2005	Convenzione di Collaborazione Scientifica per la tipizzazione genetica di soggetti di Razza Varzese - Ottonese - Tortonese, a tutela e salvaguardia della razza	Responsabile: M.Lazzati (per Associazioni Provinciali Allevatori di Pavia, Piacenza, Alessandria, Provincia di Milano - Settore Agricoltura) Responsabile: L.G.Cavalchini (per UNIMI)	Partecipante al programma di ricerca	SI
34	2005	FIRST 2005. Fondo Interno Ricerca Scientifica e Tecnologica UNIMI. Titolo: "Predisposizione genetica al tumore della vescica nell'infezione da papillomavirus nel bovino: effetto del polimorfismo al locus MHC-DRB3.2".	Responsabile: M.Longeri Collaboratori: M. Polli M, S.Dardano S, MG Strillacci (UNIMI)	Responsabile della ricerca	SI
35	2005	PRIN 2005. Programmi di ricerca scientifica di rilevante interesse nazionale. prot. 2005071102_001. Titolo del programma: Localizzazione e analisi molecolare di geni candidati e marcatori SNPs per l'ittiosi ereditaria bovina nella razza Chianina	Coordinatore: G.Succi (UNIMI), Responsabile unità: A. Belloli (UNIMI)	Partecipante all'unità del coordinatore	NO
36	2004	FIRST 2004 Fondo Interno Ricerca Scientifica e Tecnologica UNIMI, area 09. Titolo "Analisi genetica dell'ittiosi congenita nella razza Chianina" (continuazione)	Responsabile: M.Longeri (UNIMI) Collaboratori: M.Zanotti, S. Dardano, B.Bighignoli, MG.Strillacci, MC Cozzi (UNIMI)	Responsabile della ricerca	SI

37	2004	Bandi Fondazione Cariplo. Tema: "Genomica e proteomica per la prevenzione e la diagnosi precoce delle malattie"; Titolo: "Biomarker genetici e proteici per la salvaguardia della salute dell'uomo e degli animali"	Responsabile unità: M.Zanotti (UNIMI), Partecipanti. M.Longeri (Agr/17); S.Paltrinieri (Vet/03)	Partecipante al programma di ricerca	NO
38	2003	FIRST 2003 Fondo Interno Ricerca Scientifica e Tecnologica UNIMI, area 09. Titolo "Analisi genetica dell'ittiosi congenita nella razza Chianina"	Responsabile: M.Longeri (UNIMI) Collaboratori: M.Zanotti, S. Dardano, B.Bighignoli, MG.Strillacci, MC Cozzi (UNIMI)	Responsabile della ricerca	SI
39	2003	PRIN. Programmi di ricerca scientifica di rilevante interesse nazionale. Prot. 2003071587_002, 004 Area 07, 20/11/2003 - 07/12/2005. Titolo: "Polimorfismo genetico del Complesso Maggiore di Istocompatibilità (MHC) nell'infezione da papillomavirus nel bovino (BPV)".	Coordinatore: P.Galati (UNINA); Responsabile Unità: M.Zanotti, poi M.Longeri dal 29/09/2004	Responsabile Scientifico dell'Unità di ricerca	SI
40	2002	FIRST 2002. Fondo Interno Ricerca Scientifica e Tecnologica UNIMI, area 09. Titolo: "Analisi genetica dell'alterazione artrogrifosi nella razza Piemontese"	Responsabile: M.Longeri (UNIMI) Collaboratori: M.Zanotti, M. Polli MG. Strillacci, MC.Cozzi (UNIMI)	Responsabile della ricerca	SI
41	2001	PRIN - Programmi di ricerca scientifica di rilevante interesse nazionale. Prot. 2001078783_004 Area 07, 12/12/2001 - 15/01/04. Titolo: Variabilità genetica del Complesso Maggiore di Istocompatibilità (MHC) in relazione al contenuto di cellule somatiche nel latte.	Coordinatore: V.Russo (UNIBO); Responsabile Unità: M.Zanotti	Partecipante al programma di ricerca	SI
42	2000	FIRST 2000 Fondo Interno Ricerca Scientifica e Tecnologica UNIMI, area 09. Titolo: "Analisi molecolare per lo studio della diversità genetica di razze ovine italiane ad attitudine lattifera" (continuazione)	Responsabile: M.Longeri (UNIMI) Collaboratori: M.Zanotti, L. DelBo, G.Ceriotti, M. Polli, MG. Strillacci, (UNIMI)	Responsabile della ricerca	SI
43	2000	PRIN - Programmi di Rilevanza Nazionale. Prot MM07247883_005, Area07, 20/12/2000- 14/01/2003. Titolo: "Effetto dell'aplotipo caseinico su parametri associati a caratteristiche qualitative del latte".	Coordinatore: P.Secchiari (UNIPI) Responsabile Unità: G.Pagnacco (UNIMI)	Partecipante al programma di ricerca	SI
44	1999	FIRST Fondo Interno Ricerca Scientifica e Tecnologica UNIMI, area 09. Titolo: "Analisi molecolare per lo studio della diversità genetica di razze ovine italiane ad attitudine lattifera"	Responsabile: M.Longeri (UNIMI) Collaboratori: M.Zanotti, L. DelBo, G.Ceriotti, M. Polli (UNIMI)	Responsabile della ricerca	SI
45	1999	PRIN - Programmi di Rilevanza Nazionale. Prot. 9907383281_004, Area07, 16/11/1999 19/12/2001. Titolo: "Marcatori genetici di resistenza alla Tuberculosis bovina: Sistema Maggiore di Istocompatibilità (MHC) e gene NRAMP1 (proteina associata alla resistenza naturale dei Macrofagi)".	Coordinatore: P.Masina (UNINA); Responsabile Unità: M.Zanotti (UNIMI)	Partecipante al programma di ricerca	SI
46	1997	PRIN - Programmi di Rilevanza Nazionale. Prot.9707247552_012, Area 07, 15/02/1998 - 14/06/2000. Titolo: "Identificazione di geni maggiori per la resistenza alle malattie con particolare riferimento alla Tuberculosis bovina".	Coordinatore: D.Cianci (UNIPI); Responsabile Unità: M.Zanotti (UNIMI)	Partecipante al programma di ricerca	SI
47	1993	UE Bovine Genome Mapping Project, BOVMAP. Titolo: "Development of genetic and physical marker maps of the bovine genome" 1993 - 1995	Molti laboratori di numerosi Paesi UE e, in partnership, extra UE Resp. Unità: M.Zanotti (UNIMI)	Partecipante al progr. di ricerca	SI

7.2 ORGANIZZAZIONE, DIREZIONE E COORDINAMENTO DI CENTRI O GRUPPI DI RICERCA NAZIONALI E INTERNAZIONALI O PARTECIPAZIONE AGLI STESSI

[I numeri tra parentesi fanno riferimento o alle Tabelle T1, T2 e T3 (relative rispettivamente ai lavori indicizzati, non indicizzati e ai Progetti per Finanziamenti competitivi) del paragrafo 7.1 del presente CV, o ad altri Paragrafi numerati del presente CV (CVP)].

7.2.1 Periodo 1989 - 2003

Ha **partecipato**, per diversi anni come unico ricercatore, a tutte le attività di ricerca del gruppo della Prof.ssa M.Zanotti, responsabile del Laboratorio di Immunogenetica Zootecnica dell'Istituto di Zootecnica della Facoltà di Medicina Veterinaria dell'Università degli Studi di Milano.

1. Nel periodo ha dato seguito agli suoi studi di dottorato, durante i quali aveva **originalmente** proposto (anche a livello internazionale, durante il suo periodo di visiting student all'ILRAD di Nairobi-Kenia nel 1990 - **CVP2**) lo studio delle micobatteriosi (in particolare quella da *Mycobacterium bovis* - agente della tubercolosi bovina) come modello di ricerca per la predisposizione genetica all'immunità, soprattutto quella guidata dal Complesso Maggiore di Istocompatibilità (MHC) del bovino (BoLA). In questo ambito:

-Ha **PARTECIPATO** al gruppo di ricerca progetto PRIN (**T3/46**) coordinato dall'Università Pisa, sull'identificazione di geni maggiori per la resistenza alle malattie, in particolare alla **Tubercolosi bovina** (**T1/53-54**). Su tale argomento ha inoltre **COORDINATO** piccoli gruppi di ricerca costituiti da colleghi dei SSD Agr/17 e Vet05 di UNIMI, del CNR-IDVGA e dell'IZS Lombardia ed Emilia-Romagna (**T1/49; T2/8-9-79-86-102-107-108-110-111-114-117-128-131**).

-Ha **PARTECIPATO** alle attività del gruppo di ricerca sulla relazione tra variabilità BoLa e resistenza alla **Leucosi Virale bovina** (BLV) nel bovino, con colleghi dei SSD Agr/17 e Vet/05 della Facoltà di M.Veterinaria di UNIMI (T2/7-10-99-100-103-119-129-132); e ha anche **COORDINATO** una collaborazione con ricercatori dell'Università dell'Illinois-Urbana (USA) (T1/51; T2/91).

- Ha **COORDINATO** un gruppo di ricerca dell'istituto di Zootechnica della Facoltà di M,Veterinaria di Milano in studi sulla struttura molecolare ed i siti di ricombinazione del complesso MHC, in collaborazione con un ricercatore del CNR-Germoplasma (T1/47), e sulle tecniche di analisi molecolare della regione ipervariabile del locus DRB3.2 di BoLA (T2/5-105-106-109-113).

-Ha **PARTECIPATO** al gruppo di ricerca progetto PRIN, coordinato dall'Università di Bologna (T3/41), col ruolo di studiare la variabilità BoLa ed il suo effetto sulla variazione delle **cellule somatiche del latte** (T1/42-44; T2/68). Ha inoltre **PARTECIPATO** alle attività di un gruppo di ricerca progetto PRIN (T3/43) dell'istituto di Zootechnica della Facoltà di M,Veterinaria di Milano, coordinato dal Prof.G.Pagnacco, sulle varianti aplotipiche delle caseine ed il loro effetto sulla qualità del latte.

-ha **PARTECIPATO** al gruppo di ricerca sulla variabilità genetica del locus BoLA nel bovino e nel bufalo, composto dai colleghi dell'Istituto di Zootechnica Veterinaria di UNIMI e del CNR-IDVGA (T2/77-97) e sulla variabilità del T-cell receptor nel bovino (T2/104), in collaborazione con una collega dell'Università di Bari.

2. Ha **PARTECIPATO**, e col suo lavoro ha consentito la partecipazione dell'Istituto di Zootechnica Veterinaria di UNIMI, al primo progetto pubblico di costruzione della mappa genetica della specie bovina **Bovine Genome project - Bovmap** (T3/47), identificando personalmente nuovi marcatori molecolari a DNA della specie bovina (microsatelliti), e validandone il polimorfismo inter razza, per essere utilizzati nel Programma; questo anche grazie al lavoro svolto e alle collaborazioni instaurate in un periodo di visiting scientist all'ILRAD di Nairobi-Kenia nel 1993, in particolare con **S.J.Kemp e A.J.Teale (CVP2)**. Ha inoltre avuto il ruolo di coordinamento delle attività del personale dell'Istituto di Zootechnica Veterinaria nell'allestimento del nuovo laboratorio di Genetica Molecolare in via Trentacoste a Milano nel 1994, effettuando una forte attività di trasferimento tecnologico che ha permesso in breve tempo al Laboratorio di essere operativo nella tecnologia dell'ingegnerizzazione del DNA tramite cloning in plasmidi e nell'allora emergente analisi dei frammenti (microsatelliti) e sequenziamento nucleotidico Sanger automatizzato a fluorescenza. E' stata poi responsabile del lavoro di genotipizzazione delle Reference Families del Programma BovMap per l'unità dell'Università di Milano con i microsatelliti identificati, valutandone anche l'utilizzo negli ovicapri (T1/50-52; T2/90-92-93-94-95-96-98-130).

Nel periodo indicato, le competenze scientifico tecniche sui marcatori microsatelliti e sul sequenziamento hanno consentito a M.Longeri di essere responsabile/proponente e di collaborare a diversi progetti di ricerca su studi di filogenesi, biodiversità, caratterizzazione individuale, variabilità genica nucleare e mitocondriale in relazione a patologie ereditarie o caratteri morfo funzionali di interesse zootecnico, in collaborazione con i colleghi dell'Istituto di Zootechnica Veterinaria e con altri gruppi di ricerca, prevalentemente nazionali. In particolare:

-E' stata **RESPONSABILE** e ha **COORDINATO** i lavori del gruppo di ricerca, (ricercatori dell'Istituto Lazzaro Spallanzani di Rivolta d'Adda (CR) e del CNR di Napoli, e colleghi dell'Istituto di Zootechnica Veterinaria UNIMI), sulle basi genetiche dell'Artrorifosi nella razza Piemontese (T1/45-46; T2/65-69-72-80-82; T3/40).

-E' stata **RESPONSABILE** per l'Istituto di Zootechnica Veterinaria UNIMI ed in **COLLABORAZIONE** con colleghi delle Università di Udine, Molise, Torino, Campobasso e l'Ist. Zootecnico Caserio per la Sardegna di Sassari, del gruppo di ricerca sulla diversità genetica a livello molecolare, delle razze ovine ad attitudine lattifera (T2/72; T3/42-44).

-Ha **PARTECIPATO** al gruppo di ricerca con colleghi del CNR-IDVGA sulla caratterizzazione del gene hairless nella pecora (T2/78).

-Ha **PARTECIPATO** al gruppo di ricerca del progetto PRIN (T3/45) coordinato dall'Università di Napoli, colleghi dell'Istituto di Zootechnica Veterinaria UNIMI e anche in collaborazione con l'IZS della Lombardia ed Emilia-Romagna col ruolo di sviluppo degli studi sull'effetto del polimorfismo del gene candidato NRAMP1 sulla suscettibilità alla Tuberculosis bovina (T2/3-71-76-81).

-Ha **PARTECIPATO** ad un gruppo di ricerca per lo studio della filogenesi di razze equine tramite sequenziamento del DNA mitocondriale, con i colleghi del SSD Agr/17 dell'Istituto di Zootechnica Veterinaria di UNIMI (T2/75).

-Ha **PARTECIPATO** al gruppo di ricerca per studi sulla filogenesi con approccio molecolare dei canidi domestici e selvatici in collaborazione con colleghi dei SSD Agr/17 e Agr/20 dell'Istituto di Zootechnica Veterinaria UNIMI e colleghi della Facoltà di Scienze Biologiche di UNIMI (T2/66-67-70-74).

-Ha **PARTECIPATO** al gruppo di ricerca su studi di marcatori molecolari microsatelliti per il tracciamento d'identità del cane domestico (con colleghi dell'Istituto di Zootechnica Veterinaria UNIMI) (T2/6-85) e del bovino (T2/84), quest'ultimo anche in collaborazione con ricercatori dell'Istituto Lazzaro Spallanzani di Rivolta d'Adda (CR)

-Ha **PARTECIPATO** al gruppo di ricerca su studi di marcatori molecolari microsatelliti per la valutazione della biodiversità tra razze bovine dell'arco alpino con colleghi dell'Istituto di Zootechnica Veterinaria UNIMI (T2/83-88) e in collaborazione con ricercatori della School of Veterinary Medicine di Hannover, Ist. Animal Breeding and Husbandry di Kiel e dell'Università di Berna (T1/48)

-Ha **PARTECIPATO**, all'interno del gruppo di ricerca dell'Istituto di Zootechnica Veterinaria, a studi sulla variabilità BoLA e microsatellite in relazione ai caratteri produttivi (T2/133) in particolare latte (T2/87-89-101-112-115-116-118) e carne (T2/120) nel bovino

7.2.2 Periodo 2004 - 20016

Nel periodo ha **COORDINATO** le attività ed il personale del Laboratorio di Genetica Molecolare Animale (ex Laboratorio di immunogenetica Zootechnica) dell'istituto di Zootechnica, (poi Dip. Scienze Animali, poi Dip. Di Medicina Veterinaria e Sanità pubblica) dell'Università degli Studi di Milano. Nel periodo il gruppo è stato costituito mediamente ogni anno da 5-6 persone (un ulteriore prof. associato, un ricercatore universitario, 1-2 assegnisti di ricerca, e 2 tecnici) oltre a 1-2 dottorandi e diversi tesisti e tirocinanti.

Ha stretto nuove collaborazioni con gruppi internazionali (principalmente Università del Missouri -USA, Liegi - Belgio e con l'international Society of Animal Genetics) e nazionali (principalmente Università di Napoli, Perugia e CNR-ITB), oltre a collaborare con colleghi di altri dipartimenti UNIMI dell'Ateneo di Milano, continuando a occuparsi di specie zootecniche (soprattutto la specie bovina), ed ampliando significativamente gli studi agli animali d'affezione, principalmente il gatto.

1) Negli studi sull'eredità patologica e sulla salvaguardia nel bovino:

-E' stata **RESPONSABILE** ed ha **COORDINATO** una unità di ricerca in due programmi PRIN (T3/32-39), coordinati dall'Università di Napoli, ed è stata responsabile di due FIRST (T3/31-34) sulla resistenza/predisposizione genetica, in particolare del polimorfismo BoLA, alla papillomatosi virale (T1/3; T2/58)

-Ha **COORDINATO** un gruppo di ricerca italiano per lo studio sull'Ittiosi ereditaria del bovino di razza Chianina, composto da ricercatori della Facoltà di Agraria dell'Università di Milano, da una dottoranda (Dardano S.) e un'assegnista di ricerca (Strillacci MG), entrambe sotto la sua **RESPONSABILITA'**, un collega del SSD Vet/03 della Facoltà di Medicina Veterinaria UNIMI e il supporto della Associazione Nazionale Allevatori bovini Italiani da Carne, partecipando anche a diversi bandi per richieste di finanziamento (PRIN T3/35-partecipante; FIRST T3/36-responsabile, Fondazione Cariplo T3/37-partecipante, FIRST T3/38 responsabile, PUR T3/26-responsabile).

I risultati iniziali (T1/37-43; T2/56-59-62-64) hanno portato alla collaborazione (dal 2005 al 2007) con il gruppo del Prof. M. Georges dell'Università di Liegi (T2/54-57) e alla **PARTECIPAZIONE** della messa a punto e validazione del primo gDNA microarray bovino per gli studi di associazione Genome-Wide. Il lavoro sul modello ittiosi è stato riconosciuto fondamentale per dimostrare l'efficacia del chip al fine del mapping di caratteri monogenici e ha consentito l'identificazione della mutazione causativa di ittiosi fetale nel bovino di razza Chianina (T1/38). Tale mutazione è stata ed è utilizzata nella selezione della razza (T1/33) ed è entrata a far parte di molti pannelli di screening genomico del bovino.

Ha **COORDINATO** le attività del personale dello spin-off Vetogene e dell'Università di Liegi per lo sviluppo di un brevetto in partnership riguardante i metodi identificativi della mutazione causativa di Ittiosi nella Chianina (CVP9/B1)

Ha successivamente **PARTECIPATO** e **COORDINATO** a un gruppo di ricerca con colleghi australiani per lo studio dell'Ittiosi bovina nelle razze Polled Hereford e Shorthorn (T1/18).

-Ha **COORDINATO** un gruppo di ricerca, composto da colleghi della Facoltà di Medicina Veterinaria UNIMI, della Provincia di Milano e dell'APA di Pavia, per un progetto di salvaguardia e recupero della razza bovina autoctona Varzese-Ottone, all'epoca numericamente ridottissima, attraverso l'identificazione, il prelievo e la caratterizzazione molecolare dei pochi soggetti e del materiale seminale storico residuo (T2/55).

Ha **COORDINATO** ed è stata **RESPONSABILE** del gruppo di ricerca anche nella partecipazione a bandi di finanziamento per il sostegno degli studi sulla razza Varzese-Ottone (T3/28-29-33). I risultati del lavoro hanno agevolato il piano di accoppiamento, favorito la ripresa della numerosità della razza e il bilanciamento maschi/femmine.

Ha **PARTECIPATO** ad un ampio gruppo di ricerca nazionale per uno studio, nel 2018, delle relazioni storiche tra le razze bovine Italiane, cui ha fornito campioni e dati di Varzese provenienti dal suddetto lavoro di salvaguardia della razza (T1/15; T2/20)

Ha infine **PARTECIPATO** con il gruppo di ricerca di Fisiologia Veterinaria di UNIMI e con l'APA di Pavia ad uno studio sulla caratterizzazione con granulometria a laser del latte di razza Varzese-ottone (T2/43)

-Ha **PARTECIPATO** con campioni, dati e collaborazione alle analisi a ricerche dell'European Cattle Genetic Diversity Consortium (T1/30-55)

2) In studi su altre specie zootecniche ha PARTECIPATO ai seguenti gruppi di ricerca:

- con colleghi del SSD Agr/17 e Agr/20 della Facoltà di M. Veterinaria di UNIMI e, tra altri, dell'Università di Palermo, a studi sulla variabilità genetica di razza (microsatellite e mitocondriale) nel cavallo (T1/34; T2/32-47-51-53-61-125), nell'asino (T2/35-41-42-44) e nel cane (T2/40) anche con ruolo di **RESPONSABILE** (T2/34)

- con colleghi dei SSD Agr/17 e Agr20 della Facoltà di M.Veterinaria e colleghi del Dipartimento di biologia di UNIMI a studi sulla variabilità genetica dei suidi domestici, selvatici (cinghiale) e ibridi (T2/49-60-63) e con folto gruppo di colleghi di vari paesi per la valutazione di una piattaforma genomica per l'analisi dei suidi soprattutto selvatici (T2/46)
 - con colleghi del SSD Agr/17 e Agr/20 della Facoltà di M.Veterinaria di UNIMI a studi sulla variabilità genetica microsatellite (T1/35; T2/36), anche in qualità di **RESPONSABILE** (T1/31; T2/48), e sulla variabilità genica in relazione alle performances produttive (T2/45) su razze avicole autoctone. Parte di questi studino stati completati e pubblicati nell'ultimo periodo (T1/19)
- 3) Ha **ORGANIZZATO** e **COORDINATO** i colleghi del SSD Agr/17, veterinari ASL e dell'Acquario di Genova, e dei delfinari di Rimini e Fasano in uno studio di valutazione della variabilità genetica, dei rapporti parentali e della consanguineità di tutti i delfini (della specie *Tursiops truncatus*) all'epoca presenti in cattività in Italia, per la valutazione degli accoppiamenti (T2/52)
- 4) Ha **COORDINATO** ed è stata **RESPONSABILE** del Duty Lab incaricato dell'organizzazione del **Cat Comparison Test 2014-2016 dell'International Society of Animal Genetics (CVP12.1)**
- 5) Ha **COORDINATO** ed è stata **RESPONSABILE** per UNIMI del progetto UNIMI Trasferimento Tecnologico - Regione Lombardia- Spin-off Vetogene dal titolo "CAT_CHIP", per la creazione di un chip diagnostico a DNA per le cardiopatie feline (T3/22)
- 6) Ha **COORDINATO** ed è stata **RESPONSABILE** di un progetto PUR 90% sulle relazioni tra variabilità genetica e insorgenza clinica di HCM nel gatto (T3/24)
- 7) E' stata **RESPONSABILE** e **COORDINATORE** scientifico dell'unità di ricerca UNIMI a un progetto PRIN coordinato dal prof.Gallo L. dell'Università di Padova, in collaborazione con le Università di Camerino, Pisa e il CNR-ITB Milano, sull'identificazione di mutazioni causative di malattie del cane e del gatto con omologo umano (T3/25)
- 8) Ha **PARTECIPATO**, insieme con la propria dottoranda Dardano S. e colleghi del SSD Agr/17 della Facoltà di M.Veterinaria di UNIMI, allo studio dell'epidermolisi bollosa (T2/2) e allo sviluppo di un brevetto dal titolo "Metodo per la determinazione dell' epidermolisi bollosa giunzionale nel cane" (CVP9/B2)
- 9) Ha **PARTECIPATO** con colleghi del SSD Agr/17 della Facoltà di M.Veterinaria di UNIMI e dello spin-off Vetogene a studi sulla frequenza di mutazioni causative nel cane e del gatto (T1/26-32; T2/22), e all'applicazione del primo HD DNA Chip del cane, anche come **RESPONSABILE** (T2/29-31-33)
- 10) Come Socio e Consigliere d'Amministrazione dello spin-off Vetogene dell'Università degli Studi di Milano (CVP12.3), all'interno del Laboratorio di Genetica Molecolare Animale della Facoltà di Medicina Veterinaria dell'Università di Milano ha dato vita, è stata **RESPONSABILE**, ha sviluppato e **COORDINATO** le attività di studio, servizio e genetic consulting per la specie felina e da queste ha ideato ed iniziato la costituzione di una Bio Banca Genetica di specie (T2/28). Ha inoltre svolto una certa attività pubblicistica sull'argomento allora emergente dei test diagnostici e della genetica molecolare in veterinaria (T2/11-121-122-123-124-126) e zootecnica (T2/2-4-127)
- 11) Dal 2007 al presente, ha **SVILUPPATO** una nuova linea di ricerca relativa allo studio della genetica e genomica felina presso la Facoltà di Medicina Veterinaria di Milano e ha **PARTECIPATO** alla costituzione **dell'Osservatorio Veterinario Italiano Cardiopatie (ex Osservatorio HCM felina)** in cui è ancora membro del gruppo di studio sulle cardiopatie del cane e del gatto di cui è ancora **RESPONSABILE scientifico** per gli aspetti genetici: Commissione scientifica <https://www.osservatorioveterinariocardiopatie.com/it/veterinari-qualificati-in-cardiopatie-piccoli-animali/> (CVP12.3). Ha **ORGANIZZATO** la partnership tra il Laboratorio di Genetica Molecolare Animale della Facoltà di Medicina Veterinaria dell'Università di Milano e il Dipartimento di Patologia e Clinica Veterinaria della Facoltà di Medicina Veterinaria dell'Università degli Studi di Perugia (Proff.F.Porciello, M.Silvestrelli, E.Lepri) e con la collaborazione dello Spin-off Vetogene. Con l'Osservatorio ha **COORDINATO** ed è stata **RESPONSABILE** di lavori del gruppo di ricerca sulla genetica della cardiomiopatia ipertrofica felina, in collaborazione anche con ricercatori dell'Università della California -Davis e del ITB-CNR e dei SSD Vet/08 e AGR/17 della Facoltà di Medicina Veterinaria dell'Università di Milano (T1/27; T2/1-24-25-37-39)
- 12) Ha **PARTECIPATO** ad un bando MIUR-FIRB per uno studio integrato metabolico nutrizionale genomico comparato (felino-uomo) su HCM. Il gruppo di ricerca, coordinato dall'Università di Sassari, è stato composto da unità delle università di Perugia, Napoli e Milano (T3/21)
- 13) Ha **PARTECIPATO**, con colleghi dei SSD Vet/09 dell'Università di Parma e Agr/17 della Facoltà di M.Veterinaria, di Milano, ad uno studio sulla diagnostica genetica e clinica del rene policistico del gatto (T1/36; T2/38).
- 14) Ha **PARTECIPATO**, con i colleghi dei SSD Vet/09, Agr/17 delle Facoltà di M.Veterinaria e Agraria di UNIMI, ad uno studio sulle basi genetiche di una malformazione cardiaca nel gatto (T1/29).

15) Ha **ORGANIZZATO** e **COORDINATO** colleghi del SSD Agr/17 della Facoltà di M.Veterinaria UNIMI e un collega allevatore in uno studio sulla caratterizzazione genetica del fenotipo tailless in una varietà di gatti detta Khmer di recente introduzione in Italia (T2/21).

16) Dal 2004 al presente ha **PARTECIPATO** anche con **FUNZIONE di COORDINAMENTO** e **RESPONSABILITÀ** (ove dettagliato) a un ampio gruppo di ricerca internazionale sulla **genetica e genomica felina** coordinato dalla Prof.ssa L.A.Lyons dell'Università della California - Davis, poi dell'Università del Missouri - Columbia.

In particolare:

- Ha **PARTECIPATO** ed è stata **RESPONSABILE** delle attività del gruppo di ricerca che ha sviluppato uno studio di validazione di una mutazione causativa di Mucopolisaccaridosi VI ereditaria (T1/23).

-Ha **PARTECIPATO** ai lavori del gruppo di ricerca che hanno portato all'identificazione delle mutazioni causative nel gatto della Miopatia ereditaria della razza Sphynx (T1/25) e della variante b di gruppo sanguigno (T1/41; T2/50), varianti attualmente inserite in tutti i pannelli di screening genetico/diagnostico di specie.

-Ha **PARTECIPATO** al primo studio sul linkage disequilibrium nel genoma felino che ha visto la collaborazione di gruppi di ricerca USA: Università della California-Davis, Texas Biomedical Research Institute, NHI e delle Università di Bristol (UK), Uppsala (SV), Helsinki (Fin), (T1/28)

-Ha **PARTECIPATO** al gruppo di ricerca per lo studio genomico sull'origine delle razze feline che ha visto la collaborazione di colleghi delle Università della California-Davis, Texas A&M University (USA), di Yeditepe, Kayisdagi-Istanbul (Turchia), del Weizmann Institute of Science (Israele) e del Oy Triniini Company di Helsinki (Fin), (T1/39)

-Ha **PARTECIPATO** al gruppo di ricerca per l'identificazione del pannello di marcatori microsatelliti per la profilazione genetica del gatto domestico. Il gruppo è stato costituito da colleghi delle Università di California Davis (USA), Queensland (AU), Pretoria (Sud Africa), Catholic University of Brasilia (Brasile), UNIMI, e da ricercatori di Laboratori di servizio: Labogena, INRA (FR), Antagene (F), Genindexe (F), L.G.S. (I), VGL (CA, USA), Weatherbys DNA Laboratory (Irlanda), Lab. Hereditas (Brasile), Oy Triniini Company (Fin), Agro Business Park-Wageningen (NL), Maebashi Institute of Animal Science, Livestock Improvement Association (Giappone), Eurofins Medigenomix (GE), (T1/40)

-Ha **PARTECIPATO**, come **PRINCIPAL INVESTIGATOR**, in collaborazione con L.A.Lyons dell'Università della California-Davis a una richiesta di finanziamento MAF Grant per lo studio del linkage disequilibrium nella cardiomiopatia ipertrofica felina (T3/27)

-Dal 2009 al presente **COORDINA** il gruppo di ricerca sulle basi genetiche dell'**Amiloidosi felina** nelle razze Abissino/Somalo e Siamese/Orientale, tutt'ora attivo, che prevede la partecipazione dell'Università del Missouri, di colleghi dei SSD Vet/03 e Bio/10 della Facoltà di Medicina Veterinaria dell'Università di Milano e di colleghi di altre istituzioni pubbliche e private (T1/24; T2/26-27-30).

E' stata su questo progetto **PRINCIPAL INVESTIGATOR** di cinque domande a bandi competitivi (T3/15-16-17-19-20), di cui due finanziate.

-Dal 2013 al presente è **PARTNER** del "**99Lives Consortium**", gruppo di ricerca internazionale per il sequenziamento genomico e l'identificazione di varianti causative di tratti morfologici e patologici ereditari in *Felis catus*. La partecipazione al consorzio prevede la condivisione di sequenze e informazioni agli autori (T1/7-8-9-10-20-21-22; T3/23)

7.2.3 Periodo 2016-presente

1) Nel periodo indicato ha proseguito nell'attività di ricerca sui marcatori e tools molecolari da utilizzare per la ricerca genomica e la diagnostica in campo felino.

In particolare:

-Ha **PARTECIPATO** al gruppo di ricerca volto a dimostrare l'applicabilità e l'efficacia in studi di mapping del primo DNA microarray a 63K del felino (T1/16). Del gruppo hanno fatto parte Università Statunitensi (Missouri - Columbia, California - Davis, S.Diego e Riverside, San Francisco, North Carolina State, Pennsylvania, Tufts), Britanniche (Bristol, Surrey), Svedesi (Uppsala), Finlandesi (Helsinki), Australiane (Sydney), Pakistane (Lahore) e centri di servizi (VGL, CA-Davis; NIH Intramural Sequencing Center).

-Dal 2014 al 2021 è stato Membro dell'**Applied Genetics Standing Committee of Companion Animals dell'International Society of Animal Genetics** (ISAG) (CVP12.1). In questo ruolo ha **PARTECIPATO** ai lavori del gruppo di ricerca per l'identificazione del pannello di marcatori SNP per la profilazione genetica del gatto domestico (T1/6). Del gruppo hanno fatto parte diverse Università: California-Davis, Missouri-Columbia (USA), Ljubljana (SI), e laboratori di servizio: VHLGenetics e MolGen (NL), Wisdom Health e Aveyron Labo (FR), Laboklin (DE); VGL e Neogen Genomics (USA), Orivet Genetic Pet Care (AU).

-Ha ideato un progetto e poi **ORGANIZZATO** e **COORDINATO** nel 2017 un gruppo di ricerca per la messa a punto di un metodo, all'epoca innovativo negli animali, di genotyping genome wide con approccio next generation targeted

sequencing per la profilazione genetica del gatto domestico, includente un numero sufficiente di loci SNPs non informativi per l'identificazione del soggetto e tutte le mutazioni causative pubblicate sia per tratti patologici che per tratti morfo-funzionali della specie (T1/11; T3/11). Del gruppo hanno fatto parte colleghi di alcuni dipartimenti dell'Università di Milano e Pavia, dei centri "Romeo ed Enrica Invernizzi" ed "EpiSoMI" dell'università di Milano, dell'Università del Missouri-Columbia e del laboratorio di servizio Orivet Genetic Pet Care -AU.

2) Ha continuato l'attività di studio sulle cardiomiopatie feline:

-Ha **PARTECIPATO** al gruppo di ricerca, coordinato dal prof. b.Broeckx dell'Università di Ghent (BE), per uno studio di validazione di una variante di HCM del gatto (T1/1). Del gruppo hanno fatto parte colleghi delle Università di Uppsala (SE), Cornell, California -Davis, Missouri-Columbia (USA), oltre a Cornell Veterinary Biobank e Osservatorio Veterinario Italiano Cardiopatie.

- Ha **ORGANIZZATO E COORDINATO** un gruppo di ricerca con l'Osservatorio Veterinario Italiano Cardiopatie e il Laboratorio di servizio Genefast sulla validazione di una variante di HCM nella razza Sphynx (T2/12).

2) Ha contuato a **COORDINARE** il progetto sull'Amiloidosi felina **ORGANIZZANDO** ed essendo **RESPONSABILE** di un gruppo di ricerca costituito da ricercatori del CNR-ITB e del SSD Bio/10 di UNIMI in uno studio di tipo -omico nell'Abissino (T1/4; T2/15-18). E' stato **PRINCIPAL INVESTIGATOR** di progetti per finanziamenti competitivi su questo progetto (T3/10-13).

4) Ha continuato e ampliato il progetto della BioBanca genetica felina organizzando nel nuovo centro di Lodi un **Bio-Repository (Animal Bio Arkivi)** di cui è ideatore, **ORGANIZZATORE** e **RESPONSABILE**. Il repository è progettato per includere tutte le specie di interesse veterinario e zootecnico, e conta attualmente circa 30 000 campioni depositati, molti con dati fenotipici, tra cui quelli dell'Osservatorio Italiano Cardiopatie del cane e del gatto (T2/13; T3/9).

5) Negli anni 2020 e 2021 - **HA FATTO PARTE** del gruppo di ricerca del Dipartimento di Medicina Veterinaria dell'Università degli Studi di Milano (SSD VET/03, VET/06, VET/08 E AGR/17) che si è occupato dello studio delle basi genetiche del melanoma orale del cane (T1/5; T2/23).

-Ha **PARTECIPATO** e spesso **COORDINATO** le ricerche di un gruppo di lavoro Agr/17 sulla genetica equina, con cui aveva lavorato già nel periodo precedente, talora in collaborazione con altri enti (Università di Oporto -PT e Dipartimento per l'Incremento Ippico della Sardegna) per ulteriori studi su Lusitano, Akalteke, cavalli autoctoni sardi e asini (T1/2-12-17; T2/14-19)

-E' **COORDINATRICE** e **RESPONSABILE** di un progetto in itinere Linea 2 di Ateneo sulla variabilità genetica nel coniglio -Progetto VaRabbit (T3/7)

6) Fa attualmente parte del gruppo di ricerca di Genetica e Genomica Molecolare Animale del Dipartimento di Medicina Veterinaria e Scienze Animali dell'Università degli Studi di Milano, coordinato dal Prof.A.Bagnato. In questo contesto collaborativo di ricerca col gruppo di ricerca:

-Ha **PARTECIPATO** a studi di genomica strutturale nel bovino (T1/14; T2/17) e gatto (T1/13; T2/16), con particolare riferimento a Copy number variations. Per la specie felina ha **COLLABORATO** col Consorzio 99Lives di sequenziamento genomico, di cui è membro (T3/23).

- Ha **PARTECIPATO** al gruppo di ricerca progetto PRIN sulle basi genomiche delle malattie complesse degli animali, coordinato da UNIMI, e con unità dell'Università di Padova, Bologna e del CNR-ITB (T3/12)

- Ha **PARTECIPATO** a Progetti nazionali e internazionali sulla biodiversità bovina in relazione a territorio, ambiente, sostenibilità (T3/1-2-5-8-14) e problematiche emergenti relative al rischio biologico (T3/6).
Riguardo il rischio dal "campo alla tavola", nel contesto delle normative Europee, ha Coordinato un gruppo di lavoro costituito da colleghi del Ministero della Salute e Istituti Zooprofilattici Sperimentali Italiani che ha portato, oltre all'organizzazione di una giornata scientifica sull'argomento (CVP6.1, T3/3) alla curatela di un volume attualmente in stampa (T2/134)

7.2.4 Referente e docente guida di Assegnisti di Ricerca:

- 06/2011 - 06/2013 **Assegno di Ricerca** Università degli Studi di Milano-UNIMITT e Regione Lombardia, Programma Ue-Fondo Sociale europeo. Bando Dote ricerca applicata. Università degli Studi di Milano, Dipartimento Scienze Animali e Vetogene spin - off Università di Milano. Titolo: "Analisi ad alta densità del genoma felino e produzione di un chip diagnostico per le cardiomiopatie feline" (Cat-chip).

- 1/11/2005 - 31/10/2007 e Rinnovo: 1/11/2007 - 31/10/2009 **Assegno di collaborazione alla ricerca Tipo A** (Art 51, Legge 27/12/1997, n.449 e art 48 Regolamento di Ateneo). Università degli Studi di Milano, Dipartimento Scienze Animali. Titolo. "Malattie genetiche emergenti negli animali domestici: il modello ittiosi congenita nella razza Chianina".

- 17/05/2004 - 30/04/2005 **Assegno di collaborazione alla ricerca Tipo B.** Università degli Studi di Milano, dip. Scienze Animali. Titolo: "Polimorfismo genetico del Complesso Maggiore di Istocompatibilità (MHC) nell'infezione da papillomavirus nel bovino (BPV)".

8. ATTIVITÀ QUALI LA DIREZIONE O LA PARTECIPAZIONE A COMITATI EDITORIALI DI RIVISTE SCIENTIFICHE

- 06/2022 - presente Membro del Board Editoriale di "Livestock Genomics", Specialty section della rivista "Frontiers in Genetics", ISSN1664-8021.
- 06/2021 - presente Membro del Board Editoriale della rivista "Genes", MDPI, ISSN 2073-4425
- Ha svolto e svolge attività di revisore per diverse riviste peer reviewed indicizzate tra cui Animal Genetics, BMC Genetics, Livestock Science, Scientific Report e altre.

9. TITOLARITÀ DI BREVETTI

- **B1.** Autori: M. Longeri; M. Polli; C. Charlier; L. Molteni; P. Parma. Titolo: "Mutazione causativa e procedimento in vitro di identificazione dell'ittiosi ereditaria di tipo grave (ittiosi fetalis) nei bovini". Anno di deposito 2009. Numero del brevetto: TO2007A000954. Proprietà: Università degli Studi di Milano, Universite de Liege, Vetogene s.r.l.
- **B2.** M. Polli; M. Longeri; S. Dardano; L. Guidobono Cavalchini. Titolo: "Metodo per la determinazione dell'epidermolisi bollosa giunzionale nel cane". Anno di deposito 2008. Numero del brevetto MI2007A000036. Proprietà Vetogene srl

10. PREMI E RICONOSCIMENTI NAZIONALI E INTERNAZIONALI PER ATTIVITÀ DI RICERCA

- 20/06/2010 Socio onorario per meriti scientifici in campo genetico e di tutela della razza dell'associazione felina "Maine Coon Club Italia"
- 11/05/2014 Socio onorario per meriti scientifici in campo genetico e di tutela della razza dell'associazione felina "Club Italiano gatti Abissini e Somali"

11. PARTECIPAZIONE IN QUALITÀ DI RELATORE SU INVITO A CONGRESSI E CONVEGNI DI INTERESSE INTERNAZIONALE e ORGANIZZAZIONE

- Organizzatore su incarico dell'International Society of Animal Genetics (ISAG) del VII Cat Comparison Test ISAG come "Duty Lab" 2014-2016.
- Relatore su invito. Titolo "Cat CT Duty Lab Report". 35th International Society of Animal Genetics Conference (ISAG), Salt Lake City USA 23 - 27/07/2022 "Applied Genetics of Companion Animals Workshop", 26/07/2016.
- Relatore su invito. Titolo: "Around the tail of the Khmer cat". 35th International Society of Animal Genetics Conference, Salt Lake City USA 23 - 27/07/2016. "Companion Animals Genetic and Genomics Workshop", 25/07/2016.
- Relatore su invito. Titolo "Pedigree of Abyssinian cats with Amyloidosis and polymorphism of SAA gene in several feline breeds". 33rd International Society of Animal Genetics Conference (ISAG), Cairns, Australia 15 - 20/07/2012. "Dog and Cat Genetics and Genomics Workshop", 19/07/2012.
- Relatore su invito. Titolo: "Sequencing of TGM1 candidate gene and genome-wide scan for ichthyosis in Chianina cattle". Third International Symposium on Genetics of Animal Health, Iowa state University, USA 13- 15/07/2005.
- Relatore su invito. Titolo: "BoLA DRB3 exon2 polymorphism in Tuberculosis infected cattle". First International Symposium on Candidate Genes for Animal Health, Dummerdorf Rostock, DE, 27/08/1999

12. INCARICHI DI GESTIONE E AD IMPEGNI ASSUNTI IN ORGANI COLLEGIALI E COMMISSIONI, PRESSO RILEVANTI ENTI PUBBLICI E PRIVATI E ORGANIZZAZIONI SCIENTIFICHE E CULTURALI, OVVERO PRESSO L'ATENEO O ALTRI ATENEI

12.1 INCARICHI INTERNAZIONALI

- 2014 - 2021 **Membro dell'Applied Genetics Standing Committee of Companion Animals** dell'International Society of Animal Genetics (ISAG).
- 2014 - 2016 **Organizzatore e coordinatore del VII Cat Comparison Test** su incarico dell'International Society of Animal Genetics (ISAG) per la standardizzazione del test di profilo genetico e paternità per tutti i laboratory del mondo aderenti all'ISAG e **Referente del "Duty Lab" di Milano.**

12.2 INCARICHI NAZIONALI

- 2021-presente **Componente della Commissione Tecnica Centrale** dell'Associazione Nazionale Felina Italiana (ANFI-FiFe) per il triennio 2021-2023, in qualità di esperto in zootecnia (MIPAAF - DISR 07 - Prot. Interno N.0090401 del 24/02/2021). Scadenza 2023.
- 2019-presente **Esperto art.36 dell'European Food Safety Authority (EFSA)** ai sensi del RE(CE)n. 178/2002.

12.3 INCARICHI PRESSO ENTI

- 2008- presente **Co-fondatore dell'Osservatorio Italiano HCM felina** (ora Osservatorio Veterinario Italiano Cardiopatie) e Responsabile scientifico
- 29/07/2003 - 21/09/2016 **Membro del Consiglio di Amministrazione** di Vetogene, Spin-off dell'Università degli Studi di Milano.
- 2003 - 2016 **Socio Fondatore** di Vetogene, Spin-off dell'Università degli Studi di Milano

2003 - 2016 **Fondatore e responsabile** del settore Genetica felina di Vetogene, Spin-off dell'Università degli Studi di Milano.

12.4 INCARICHI PRESSO UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

Membro del Collegio dei Docenti di Scuole di Dottorato

2016 - presente "Veterinary and Animal Science".

2000 - 2015 "Biotecnologie applicate alle scienze veterinarie e zootecniche,

1999 "Scienze Zootecniche", Università degli Studi di Milano

Componente del Consiglio Scientifico di Scuole di Specializzazione:

2006 - presente "Scienza e Medicina degli Animali da Laboratorio"

Anni 1994 e 1999 "Miglioramento genetico degli animali domestici e delle produzioni zootecniche"

Membro del Collegio dei Docenti di Corsi di Laurea e di Dipartimento

- Scienze delle Produzioni Animali (Classe L-38) : A.A. 2021-2022; 2020-2021, 2019-2020; 2018-2019; 2017-2018; 2016-2017; 2015-2016.
- Produzioni Animali, Alimenti e Salute (Classe L-38): A.A. 2013-2014; 2012-2013; 2011-2012; 2010-2011; 2009-2010
- Tecnologie delle Produzioni Animali e Qualità dei Prodotti (Classe L-38): A.A. 2008-2009; 2007-2008; 2004-2005; 2003-2004; 2002-2003; 2002-2001
- Allevamento e Benessere: A.A. 2002-2003
- Scienze e Tecnologie delle Produzioni Animali (Classe 79/S): A.A. 2009-2010; 2008-2009; 2004-2005; 2003-2004
- Scienze Biotecnologiche Veterinarie (Classe LM-9): A.A. 2021-2022; 2020-2021, 2019-2020; 2018-2019; 2017-2018; 2016-2017; 2015-2016; 2014-2015; 2013-2014; 2012-2013; 2011-2012; 2010-2011; 2009-2010; 2008-2009; 2007-2008
- Medicina Veterinaria a Ciclo Unico (Classe LM-42): A.A. 2018-2019; 2011-2012 (un semestre)
- Biotecnologia (Classe L-2): A.A. 2021-2022; 2020-2021, 2019-2020; 2018-2019; 2017-2018; 2016 -2017
- Biotecnologie Veterinarie (Classe L-2): A.A. 2015-2016; 2014-2015; 2013-2014; 2012-2013; 2011-2012; 2010-2011; 2009-2010
- Diploma Universitario in produzioni animali: A.A 2001-2000; 1999-2000
- E' attualmente membro del Consiglio di Dipartimento di Medicina Veterinaria e Scienze Animali.

Responsabile di attività didattica e di ricerca in laboratorio:

03/2021 - presente RADRL. Polo di Lodi, via dell'Università 6, Ubicazione: Edificio 2, Laboratori Piano Secondo, Locali: # 2061, 2062, 2063, 2067.

02/2017 - 03/2021 RAOR. Milano, via Celoria 10, Ubicazione: 22010, Laboratori Piano Seminterrato, Locali # S048, S022, S023, S024, S026, S038, S037, S036, S035, S034, S033, S031.

Membro di Commissioni:

CdL. Sc. delle Produzioni Animali	2022 - presente	Comm. Didattica e Revisione del Regolamento
	2018 - presente	Comm. Didattica e trasferimenti.
	2006 - 2018	Comm. Trasferimenti
C.d.l. Sc. Biotecnologiche veterinarie	2021 - presente	Comm. Riordino
	2020 - presente	Comm. Biotech week
	2017 - presente	Comm. Didattica
	2022	Comm. Selezione Studenti Erasmus
Dottorato Veterinary and Animal Sc.	2022	Comm. Reclutamento per l'identificazione delle linee guida e criteri di ammissione delle domande.
	2016	Giunta del Collegio.
Dipartimento DiMeVet (poi DiVAS)	2018 - presente	Commissione Terza Missione
Esami di Stato per l'abilitazione alla professione di Medico Veterinario, anni 2017 e 2020 (Commissione Zootecnia).		

13. AFFILIAZIONI a società scientifiche di riconosciuto prestigio

2000 - presente Socio dell'International Society of Animal Genetics (ISAG)

2008 - presente Socio dell'Associazione Scientifica di Produzione Animale (ASPA)