

ALLEGATO A

UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

selezione pubblica per n. 1 posto di Ricercatore a tempo determinato con finanziamento esterno ai sensi dell'art.24, comma 3, lettera a) della Legge 240/2010 per il settore concorsuale 07/H3 - Malattie Infettive e Parassitarie degli Animali, settore scientifico-disciplinare VET/06 - Parassitologia e Malattie Parassitarie degli Animali presso il Dipartimento di Dipartimento di SCIENZE BIOMEDICHE E CLINICHE "L. SACCO",
(avviso bando pubblicato sulla G.U. n. 191 del 18.8.2006) Codice concorso 3728

Francesco Comandatore CURRICULUM VITAE

INFORMAZIONI PERSONALI	
COGNOME	COMANDATORE
NOME	FRANCESCO
DATA DI NASCITA	27 FEBBRAIO 1984

FORMAZIONE UNIVERSITARIA

- DOTTORATO

2011 - 2015

ISTITUTO: UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

CORSO: BIOLOGIA ANIMALE

TITOLO TESI: "COMPARATIVE GENOMICS GIVES NOVEL INSIGHTS ON THE ORIGIN AND EVOLUTION OF *WOLBACHIA*-HOST RELATIONSHIP"

VOTAZIONE: ECCELLENTE

- LAUREA SPECIALISTICA

2008 - 2011

ISTITUTO: UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

CORSO: GENOMICA FUNZIONALE E BIOINFORMATICA (8/5)

TITOLO TESI: "THE INTRAMITOCHONDRIAL BACTERIUM *MIDICHLORIA MITOCHONDRII*: GENOME SEQUENCING AND BIOINFORMATICS ANALYSIS"

VOTAZIONE: 110 E LODE

- LAUREA TRIENNALE

2003 - 2007

ISTITUTO: UNIVERSITÀ DI MILANO BICOCCA

CORSO: SCIENZE BIOLOGICHE

TITOLO TESI: "APPLICAZIONE DELLA TEORIA DELLE RETI ALLO STUDIO DELL'EVOLUZIONE DELLA PROTEINA ATP6"

VOTAZIONE: 106

ATTIVITÀ DIDATTICA

- CULTURE DELLA MATERIA

ANNI ACCADEMICI 2014/2015, 2015/2016, 2016/2017

CULTURE DELLA MATERIA, PRESSO L'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI PAVIA, PER I CORSI DI

- PARASSITOLOGIA BIOMEDICA (502304)
- PARASSITOLOGIA ED ASSOCIAZIONI SIMBIOTICHE (502295)
- MODULO DI "PARASSITOLOGIA" DEL CORSO INTEGRATO MICOLOGIA E PARASSITOLOGIA CON TECNICHE DI LABORATORIO (504456)

- TUTORAGGIO

ANNO ACCADEMICO 2017/2018

INCARICO UFFICIALE COME TUTOR DEL CORSO "EVOLUZIONE BIOLOGICA E STORIA DELLA BIOLOGIA" (TITOLARE PROF. CLAUDIO BANDI) NEL CORSO DI LAUREA TRIENNALE IN SCIENZE BIOLOGICHE PRESSO L'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO, PER UN TOTALE DI 24 ORE.

ANNO ACCADEMICO 2016/2017

INCARICO UFFICIALE COME TUTOR DEL CORSO "LABORATORI DI BIOINFORMATICA" (TITOLARE PROF. SILVIA BIONE) NEL CORSO DI LAUREA MAGISTRALE "MOLECULAR BIOLOGY AND GENETICS" (IN LINGUA INGLESE), PRESSO L'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI PAVIA. PER UN TOTALE DI 55 ORE.

- CORRELATORE DI TESI DI LAUREA

ANNO ACCADEMICO 2015/2016

CORRELATORE DI ANNA MARIA FLORIANO PER LA TESI DI LAUREA (IN LINGUA INGLESE) PER IL CORSO MAGISTRALE IN MOLECULAR BIOLOGY AND GENETICS (UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI PAVIA), DAL TITOLO: "CANDIDATUS FOIKINIA SOLITARIA", ENDOSYMBIONT OF PARAMECIUM SP. AND FIRST REPRESENTATIVE OF A NOVEL CLADE OF FAMILY "CANDIDATUS MIDICHLORIACEAE".

ANNO ACCADEMICO 2016/2017

CORRELATORE DI CAROLINA FERRARI PER LA TESI DI LAUREA PER IL CORSO MAGISTRALE IN BIOLOGIA SPERIMENTALE ED APPLICATA (UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI PAVIA), DAL TITOLO: "EPIDEMIOLOGIA GENOMICA DI KLEBSIELLA PNEUMONIAE ALL'INTERNO DELLA FONDAZIONE IRCCS POLICLINICO SAN MATTEO DI PAVIA NEL BIENNIO 2015-2016".

- LEZIONI FRONTALI

ANNO ACCADEMICO 2016/2017

NELL'AMBITO DEL TUTORAGGIO PER L'INSEGNAMENTO DI "LABORATORI DI BIOINFORMATICA" NEL CORSO DI LAUREA MAGISTRALE "MOLECULAR BIOLOGY AND GENETICS" PRESSO L'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI PAVIA (TITOLARE: PROF. SILVIA BIONE), HO TENUTO QUATTRO LABORATORI DI TRE ORE L'UNO (IN LINGUA INGLESE) PER L'INSEGNAMENTO DEL LINGUAGGIO DI PROGRAMMAZIONE R. INOLTRE, HO REDATTO E CORRETTO GLI ESAMI RELATIVI A QUESTA PARTE DEL CORSO.

ANNI ACCADEMICI 2015/2016, 2016/2017, 2017/2018

LEZIONE DI QUATTRO ORE, IN LINGUA INGLESE, PER L'INSEGNAMENTO DI "FUNCTIONAL GENOMICS AND THE MOLECULAR BASES OF THE DIFFERENTIATION" (TITOLARE PROF. CHIARA BAZZOCCHI), DEL CORSO DI LAUREA MAGISTRALE DI SCIENZE BIOTECNOLOGICHE VETERINARIE PRESSO L'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

ANNO ACCADEMICO 2014-2015

HO TENUTO UNA LEZIONE DI TRE ORE NELL'INSEGNAMENTO DI "EVOLUZIONE DEL RAPPORTO OSPITE/PARASSITA" (TITOLARE PROF. CLAUDIO BANDI), NEL CORSO DI LAUREA SPECIALISTICA DI SCIENZE BIOTECNOLOGICHE VETERINARIE, PRESSO L'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

ATTIVITA' DI FORMAZIONE O RICERCA (NAZIONALE ED INTERNAZIONALE)

- ASSEGN

GENNAIO 2016 - OGGI

ASSEGNO DI RICERCA DI TIPO B PRESSO IL DIPARTIMENTO DI SCIENZE BIOMEDICHE E CLINICHE "L. SACCO" DELL'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO (TUTOR PROF. GIAN VINCENZO ZUCCOTTI), NELL'AMBITO DEL PROGETTO "SVILUPPO E APPLICAZIONE DI STRUMENTI INFORMATICI PER L'ANALISI GENOMICA COMPARATIVA SU PROCARIOTI E PER LA RICOSTRUZIONE DEI PATTERN DI DIFFUSIONE DI PATOGENI, SULLA BASE DI DATI NGS". L'ASSEGNO DI RICERCA È STATO POI RINNOVATO PER L'ANNO 2018.

NOVEMBRE 2014 - NOVEMBRE 2016

ASSEGNO DI RICERCA DI TIPO B PRESSO IL DIPARTIMENTO DI SCIENZE VETERINARIE E SANITÀ PUBBLICA DELL'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO (TUTOR PROF. SARA EPIS), NELL'AMBITO DEL PROGETTO "INIBIZIONE DELLE

POMPE DI EFFLUSSO MULTIDRUG-RESISTANCE COME NUOVA STRATEGIA PER IL CONTROLLO DEI VETTORI E DELLE MALATTIE A TRASMISSIONE VETTORIALE”.

- PERIODI DI FORMAZIONE IN LABORATORI INTERNAZIONALI

DICEMBRE 2016

PERIODO DI FORMAZIONE PRESSO IL LABORATORIO DEL DOTT. DAVIDE SASSERA NEL DIPARTIMENTO DI BIOLOGIA E BIOTECNOLOGIE DELL'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI PAVIA

GENNAIO - MARZO 2016

VISITING SCIENTIST PRESSO L'UNIVERSITÀ DI BATH (UK), NEL LABORATORIO DEL PROF. EDWARD FEIL

LUGLIO 2015

VISITING SCIENTIST PRESSO L'UNIVERSITÀ DI BATH (UK), NEL LABORATORIO DEL PROF. EDWARD FEIL.

APRILE 2011

VISITING SCIENTIST PRESSO L'UNIVERSITÀ DI EDIMBURGO (UK), NEL LABORATORIO DEL PROF. MARK BLAXTER.

PARTECIPAZIONE A GRUPPI DI RICERCA NAZIONALI O INTERNAZIONALI

- GRUPPI INTERNAZIONALI

2016 - Oggi

COLLABORAZIONE CON IL LABORATORIO DEL PROF. SYLVAIN BRISSE, PRESSO L'ISTITUTO PASTEUR DI PARIGI (FRANCIA), PER IL MANTENIMENTO DEL DATABASE DI GENI DI TIPIZZAZIONE E DI RESISTENZA ANTIBIOTICA DEL PATOGENO NOSOCOMIALE *KLEBSIELLA PNEUMONIAE*. NELLO SPECIFICO SONO UNO DEI DUE CURATORI DEL DATABASE DEI GENI UTILIZZATI PER LA TIPIZZAZIONE MLST (MULTI LOCUS SEQUENCE TYPING).

2016 - Oggi

PARTECIPAZIONE AL GRUPPO DI RICERCA INTERNAZIONALE INCARICATO DI REDIGERE, PER CONTO DELLA WORLD HEALTH ORGANIZZAZION (WHO), UN WHITE PAPER SULL'UTILIZZO DELLE TECNOLOGIE WGS NELL'AMBITO DELLA GESTIONE DELLA SICUREZZA NELLA FILIERA PRODUTTIVA DI ALIMENTI (IL TESTO È ATTUALMENTE ANCORA IN FASE DI SCRITTURA).

2016

PARTECIPAZIONE ALLE ATTIVITÀ SVOLTE DURANTE L'INCONTRO “TECHNICAL MEETING ON THE IMPACT OF WHOLE GENOME SEQUENCING (WGS) ON FOOD SAFETY MANAGEMENT” ORGANIZZATO DALLA FAO IN COLLABORAZIONE CON IL GLOBAL MICROBIAL IDENTIFIER (GMI) PRESSO LA SEDE FAO DI ROMA, 23-25 MAGGIO 2016.

2015 - Oggi

PARTECIPAZIONE ALLE ATTIVITÀ DI RICERCA DI UN GRUPPO DI RICERCA INTERNAZIONALE, COINVOLGENTE IL PROF. EDWARD FEIL (UNIVERSITÀ DI BATH, UK) IL PROF SYLVAIN BRISSE (ISTITUTO PASTEUR, PARIGI), IL DOTT. DAVIDE SASSERA (UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI PAVIA) E IL DOTT. PIERO MARONE (FONDAZIONE IRCCS POLICLINICO SAN MATTEO, PAVIA), PER LO STUDIO DELL'EPIDEMIOLOGIA DEL PATOGENO NOSOCOMIALE *KLEBSIELLA PNEUMONIAE* MEDIANTE L'UTILIZZO DI DATI NEXT GENERATION SEQUENCING (NGS). NELL'AMBITO DELLA COLLABORAZIONE HO TRASCORSO DUE PERIODI DI FORMAZIONE NEL LABORATORIO DEL PROF. FEIL (VEDI SEZIONE "ATTIVITÀ DI RICERCA O FORMAZIONE"), ABBIAMO REDATTO UN ARTICOLO SCIENTIFICO (SOTTOMESSO A PLOS GENETICS) ED UN'APPLICATION PER LA CALL MARIE SKŁODOWSKA-CURIE ACTIONS IF. L'IDEA ALLA BASE DELL'APPLICATION È STATA SUCCESSIVAMENTE SVILUPPATA E AMPLIATA IN UN ULTERIORE PROGETTO DI RICERCA, PRESENTATO ALLA CALL ERANET-JPIAMR 2015, PROGETTO CHE È STATO FINANZIATO ED È IN CORSO DI ESECUZIONE SOTTO IL COORDINAMENTO GENERALE DEL PROF. FEIL, E DEL DOTT. MARONE E IL DOTT. DAVIDE SASSERA PER QUANTO RIGUARDA L'UNITÀ DI RICERCA ITALIANA.

2011 - 2015

PARTECIPAZIONE AL GRUPPO DI RICERCA INTERNAZIONALE COINVOLGENTE I PROFESSORI MARK L. BLAXTER DELL'UNIVERSITÀ DI EDIMBURGO (UK), BEN MAKEPEACE (LIVERPOOL SCHOOL OF TROPICAL MEDICINE) E CLAUDIO BANDI (UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO), PER L'ANALISI DEL GENOMA DI *WOLBACHIA PIPIENTIS* WDI, IL BATTERIO ENDOSIMBIONTE DEI NEMATODI FILARIDI. NELL'AMBITO DELLA COLLABORAZIONE HO TRASCORSO UN PERIODO DI FORMAZIONE PRESSO IL LABORATORIO DEL PROF. BLAXTER (VEDI SEZIONE "ATTIVITÀ DI RICERCA O FORMAZIONE") E HO PARTECIPATO ALLE ATTIVITÀ DI RICERCA CHE SI SONO CONCRETIZZATE IN TRE ARTICOLI SCIENTIFICI, PER DUE DEI QUALI SONO PRIMO AUTORE (VEDI SEZIONE "ARTICOLI SCIENTIFICI", NUMERI 8, 18 E 22).

- GRUPPI NAZIONALI

2015 - Oggi

PARTECIPAZIONE AL PROGETTO DI RICERCA (COD. MIS16CBAND_01) FINANZIATO DA MIS/RICERCA CORRENTE, PER LO STUDIO DELLA GENETICA DI DIVERSE SPECIE DI *CHLAMYDIA* IN ITALIA MEDIANTE L'UTILIZZO DI DATI NGS (COORDINATORE: DOTT. SIMONE MAGNINO, IZSLER BRESCIA, SEZIONE DI PAVIA).

2012 - Oggi

PARTECIPAZIONE ALLE ATTIVITÀ DI RICERCA NEL CAMPO DELL'EPIDEMIOLOGIA GENOMICA DEL GRUPPO DI RICERCA GUIDATO DAL DOTT. PIERO MARONE (DIRETTORE DELLA STRUTTURA COMPLESSA DI MEDICINA DI LAB/MICROBIOLOGIA E VIROLOGIA, PRESSO L'OSPEDALE FONDAZIONE IRCCS POLICLINICO SAN MATTEO DI PAVIA) E COMPREDENTE IL DOTT. DAVIDE SASSERA (UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI PAVIA). FINANZIAMENTO DA PARTE DI MIS/RICERCA CORRENTE.

CONGRESSI E WORKSHOP

- INTERNAZIONALI

COMUNICAZIONI ORALI

COMANDATORE F "Genomic epidemiology of *Klebsiella pneumoniae* in Italy provides novel insights into the origin of resistance to carbapenem antibiotics". 12TH MOLECULAR EPIDEMIOLOGY AND EVOLUTIONARY GENETICS OF INFECTIOUS DISEASE, A BANGKOK (THAILANDIA), 11-13 DICEMBRE 2014

COMANDATORE F, SASSERA D, MONTAGNA M, ET AL. "PHYLOGENOMICS AND ANALYSIS OF SHARED GENES SUGGEST A SINGLE TRANSITION TO MUTUALISM IN *WOLBACHIA* OF NEMATODES". 8TH INTERNATIONAL *WOLBACHIA* CONGRESS, IN Innsbruck (Austria), 6-11 GIUGNO 2014

PARTECIPAZIONE ALL' "INFORMAL MEETING ON WGS TRAINING COURSE" ORGANIZZATO DALL'ORGANIZZAZIONE MONDIALE DELLA SANITÀ (OMS) A MILANO IL 5-6 SETTEMBRE 2016, CON TEMA L'APPLICAZIONE DELLE METODOLOGIA WGS NELL'EPIDEMIOLOGIA DELLE INFEZIONI ALIMENTARI

POSTER

COMANDATORE F, CORBELLA M, FERRARI C, MARONE P, PONGOLINI S, SCALTRITI E, BANDI C, SASSERA D "COMPETITION BETWEEN TWO *KLEBSIELLA PNEUMONIAE* EPIDEMIC CLONES DURING A HOSPITAL OUTBREAK". EPIDEMICS 6, SIXTH INTERNATIONAL CONFERENCE ON INFECTIOUS DISEASE DYNAMICS, A BARCELONA 29 NOVEMBRE - 1 DICEMBRE 2017

BANDI C, COMANDATORE F, MONTAGNA M "FORCE AND ENERGY IN *MIDICHLORIA* SYMBIOSIS: INSIGHTS FROM THE GENOME" COST ACTION FA0701 - ARTHROPOD SIMBIOSES: FROM FUNDAMENTAL STUDIES PEST AND DISEASE MANAGEMENT, A MADEIRA ISLAND (PORTOGALLO), 20-23 GENNAIO 2010

POSTER IN CAMPO NON BIOLOGICO

FORNONI C, COMANDATORE F "THE RELATIONSHIP BETWEEN JOB INSTABILITY AND MENTAL HEALTH IN ITALY: A PRELIMINARY STUDY". XXXIVTH INTERNATIONAL CONGRESS ON LAW AND MENTAL HEALTH, IN VIENNA (AUSTRIA), 12-17 LUGLIO 2015

FORNONI C, COMANDATORE F "GENDER DIFFERENCES IN THE RELATIONSHIP BETWEEN JOB INSTABILITY AND DEPRESSION: A PRELIMINARY STUDY". THE EUROPEAN CONFERENCE ON PSYCHOLOGY AND THE BEHAVIORAL SCIENCES 2015, A BRIGHTON (UK), 6-8 LUGLIO 2015

- NAZIONALI

COMUNICAZIONI ORALI

COMANDATORE F, SASSERA D, CASIRAGHI M, BANDI C "'NOT ALL *WOLBACHIA* ARE CREATED EQUAL': PATTERN GENOMICI SPECIFICI CARATTERIZZANO I GRUPPI DI SIMBIONTI MUTUALISTI DEI NEMATODI FILARIDI". 1° CONGRESSO NAZIONALE CONGIUNTO SITE-UZI-SIB "BIODIVERSITY: CONCEPTS, NEW TOOLS AND FUTURE CHALLENGES", A MILANO (ITALIA), 30 AGOSTO - 2 SETTEMBRE 2016.

POSTER

COMANDATORE F, GAIARSA S, BANDI C, SASSERA D "ORTHOCLIQUE: A CUSTOMIZABLE GENE SELECTION AND CLUSTERING SOFTWARE FOR PHYLOGENOMICS AND DUPLICATION/RECOMBINATION ANALYSES". BIOINFORMATICS ITALIAN SOCIETY (BITS) ANNUAL MEETING 2014, A ROMA (ITALIA), 26-28 FEBBRAIO 2014

A CAFISO, V SERRA, C BAZZOCCHI, S EPIS, F COMANDATORE ANTIBIOTIC TREATMENT OF THE TICK VECTOR Ixodes ricinus: EFFECTS ON MIDICHLORIA MITOCHONDRII - CONGRESSO NAZIONALE SOIPA, A ROMA (ITALIA), 24-27 GIUGNO 2014

SASSERA D, COMANDATORE F, GAIBANI P, D'AURIA G, MARICONTI M, LANDINI MP, SAMBRI V, MARONE P "GENOMICA COMPARATIVA TRA CEPPI DI *KLEBSIELLA PNEUMONIAE* PER LA RICERCA DI GENI COINVOLTI NELLA RESISTENZA ALLA COLISTINA". XLIII AMCLI (ITALIAN CLINICAL MICROBIOLOGIST SOCIETY) CONGRESS, A RIMINI (ITALIA), 4-7 NOVEMBRE 2013

PAJORO M, EPIS S, COMANDATORE F, MONTAGNA M, VICARI N, FABBI M, PISTONE D, MARONE P, BANDI C "COINFECTION OF TICKS WITH BORRELIA BURGDORFERI SENSU LATO AND RICKETTSIA SPP. IN DENSELY POPULATED AREAS OF THE PO RIVER VALLEY". CONGRESS OF EUROPEAN SOCIETY OF CLINICAL MICROBIOLOGY AND INFECTION DISEASE (ESCMID), A MILANO (ITALIA), 7-10 MAGGIO 2011

CASIRAGHI M, MORETTI C, DOSE A, COMANDATORE F, FERRI E. "AN APPLICATION OF NETWORK THEORY TO THE STUDY OF SIMBIOSIS". 3TH CONGRESS OF ITALIAN SOCIETY OF EVOLUTION BIOLOGY, AD ALGHERO (ITALIA), 2-5 OTTOBRE 2008

PREMI E RICONOSCIMENTI

- ARTICOLI

2015

SELEZIONE DELL'ARTICOLO GAIARSA, S., MARCO, L.D., COMANDATORE, F., MARONE, P., BANDI, C., SASSERA, D. BACTERIAL GENOMIC EPIDEMIOLOGY, FROM LOCAL OUTBREAK CHARACTERIZATION TO SPECIES-HISTORY RECONSTRUCTION (2015) PATHOGENS AND GLOBAL HEALTH, 109 (7), PP. 319-327. PER LA COPERTINA DELLO STESSO NUMERO DELLA RIVISTA

2011

Selezione dell'articolo SASSERA, D., LO, N., EPIS, S., D'AURIA, G., MONTAGNA, M., COMANDATORE, F., HORNER, D., PERETÓ, J., LUCIANO, A.M., FRANCIOSI, F., FERRI, E., CROTTI, E., BAZZOCCHI, C., DAFFONCHIO, D., SACCHI, L., MOYA, A., LATORRE, A., BANDI, C. PHYLOGENOMIC EVIDENCE FOR THE PRESENCE OF A FLAGELLUM AND CBB 3 OXIDASE IN THE FREE-LIVING MITOCHONDRIAL ANCESTOR (2011) MOLECULAR BIOLOGY AND EVOLUTION, 28 (12), PP. 3285-3296. TRA GLI ARTICOLI RACCOMANDATI (SEZIONE "ARTICLE RECOMANDATIONS") DELLA RIVISTA Faculty of 1000

- CONGRESSI

2017

PREMIO COME MIGLIOR POSTER NELL'AMBITO DEL 4TH EUROPEAN MEETING ON ANIMAL CHLAMYDIOSIS (13-15 SETTEMBRE 2017 A ZAGABRIA IN CROAZIA). POSTER: RIGAMONTI S, FLORIANO AM, SCALTRITI E, VECCHIO NEPITA E, COMANDATORE F, CASADEI G, DONATI M, VICARI N, MAGNINO S "WHOLE GENOME SEQUENCING OF C. AVIUM AND C. PECORUM ISOLATES FROM ITALY"

- CONCORSI PER TUTORATO

ANNO ACCADEMICO 2016 - 2017

VINCITORE DEL CONCORSO PER LA SELEZIONE DEL TUTOR PER IL CORSO "EVOLUZIONE BIOLOGICA E STORIA DELLA BIOLOGIA" (TITOLARE PROF. CLAUDIO BANDI), PRESSO L'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

ANNO ACCADEMICO 2015 - 2016

VINCITORE DEL CONCORSO PER LA SELEZIONE DEL TUTOR PER IL CORSO "LABORATORI DI BIOINFORMATICA" (TITOLARE PROF. SIVIA BIONE), PRESSO L'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI PAVIA

- CONCORSI PER ASSEGNI E BORSE DI STUDIO

ANNO ACCADEMICO 2016 - 2017

VINCITORE DI ASSEGNO DI RICERCA DI TIPO B PRESSO IL DIPARTIMENTO DI SCIENZE BIOMEDICHE E CLINICHE "L. SACCO" DELL' L'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO (TUTOR PROF. GIAN VINCENZO ZUCCOTTI), NELL'AMBITO DEL PROGETTO "SVILUPPO E APPLICAZIONE DI STRUMENTI INFORMATICI PER L'ANALISI GENOMICA COMPARATIVA SU PROCARIOTI E PER LA RICOSTRUZIONE DEI PATTERN DI DIFFUSIONE DI PATOGENI, SULLA BASE DI DATI NGS". L'ASSEGNO DI RICERCA È STATO POI RINNOVATO PER L'ANNO 2018.

ANNO ACCADEMICO 2014 -2015

VINCITORE DI ASSEGNO DI RICERCA DI TIPO B PRESSO IL DIPARTIMENTO DI SCIENZE VETERINARIE E SANITÀ PUBBLICHE DELL' L'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO (TUTOR PROF. SARA EPIS), NELL'AMBITO DEL PROGETTO "INIBIZIONE DELLE POMPE DI EFFLUSSO MULTIDRUG-RESISTANCE COME NUOVA STRATEGIA PER IL CONTROLLO DEI VETTORI E DELLE MALATTIE A TRASMISSIONE VETTORIALE". L'ASSEGNO DI RICERCA È STATO POI RINNOVATO A NOVEMBRE 2015.

ANNO ACCADEMIC 2011 - 2012

VINCITORE DELLA BORSA DI STUDIO NEL CORSO DI DOTTORATO IN BIOLOGIA ANIMALE PRESSO L'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

2009 - 2010

VINCITORE DI BORSA DI STUDIO PER STUDENTI DELL'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

ARTICOLI SCIENTIFICI

- SU RIVISTE INTERNAZIONALI PEER REVIEWED

1. PANELLI, S., CAPELLI, E., COMANDATORE, F., LANDINEZ-TORRES, A., GRANATA, M.U., TOSI, S., PICCO, A.M.
A METAGENOMIC-BASED, CROSS-SEASONAL PICTURE OF FUNGAL CONSORTIA ASSOCIATED WITH ITALIAN SOILS
SUBJECTED TO DIFFERENT AGRICULTURAL MANAGERMENTS
(2017) FUNGAL ECOLOGY, 30, PP. 1-9. DOI: 10.1016/J.FUNECO.2017.07.005. ISSN: 17545048
(CIT. SCOPUS: 0; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 0)

2. COMANDATORE, F., CORBELLA, M., ANDREOLI, G., SCALTRITI, E., AGUZZI, M., GAIARSA, S., MARIANI, B.,
MORGANTI, M., BANDI, C., FABBI, M., MARONE, P., PONGOLINI, S., SASSERA, D.
GENOMIC CHARACTERIZATION HELPS DISSECTING AN OUTBREAK OF LISTERIOSIS IN NORTHERN ITALY
(2017) PLoS Current Outbreaks. 9. pii:
ecurrents.outbreaks.633fd8994e9f06f31b3494567c7e504c. doi:
10.1371/currents.outbreaks.633fd8994e9f06f31b3494567c7e504c
(CIT. SCOPUS: 0; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 1)

3. BOCCAZZI, I.V., OTTOBONI, M., MARTIN, E., COMANDATORE, F., VALLONE, L., SPRANGHERS, T., EECKHOUT,
M., MEREGHETTI, V., PINOTTI, L., EPIS, S.
A SURVEY OF THE MYCOBIOTA ASSOCIATED WITH LARVAE OF THE BLACK SOLDIER FLY (HERMETIA ILLUCENS)
REARED FOR FEED PRODUCTION
(2017) PLoS ONE, 12 (8), ART. NO. E0182533, . DOI: 10.1371/JOURNAL.PONE.0182533. ISSN:
19326203
(CIT. SCOPUS: 0; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 0)

4. CORBELLA, M., MARIANI, B., FERRARI, C., COMANDATORE, F., SCALTRITI, E., MARONE, P., CAMBIERI, P.
THREE CASES OF MCR-1-POSITIVE COLISTIN-RESISTANT ESCHERICHIA COLI BLOODSTREAM INFECTIONS IN ITALY,
AUGUST 2016 TO JANUARY 2017
(2017) EUROSURVEILLANCE, 22 (16), 4 P. DOI: 10.2807/1560-7917.ES.2017.22.16.30517. ISSN:
1025496X
(CIT. SCOPUS: 4; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 5)

5. DE MARCO, L., EPIS, S., COMANDATORE, F., PORRETTA, D., CAFARCHIA, C., MASTRANTONIO, V., DANTAS-
TORRES, F., OTRANTO, D., URBANELLI, S., BANDI, C., SASSERA, D.
TRANSCRIPTOME OF LARVAE REPRESENTING THE RHIPICEPHALUS SANGUINEUS COMPLEX
(2017) MOLECULAR AND CELLULAR PROBES, 31, PP. 85-90. DOI: 10.1016/J.MCP.2016.02.006. ISSN:
08908508
(CIT. SCOPUS: 2; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 2)

6. DE MARCO, L., SASSERA, D., EPIS, S., MASTRANTONIO, V., FERRARI, M., RICCI, I., COMANDATORE, F.,
BANDI, C., PORRETTA, D., URBANELLI, S.
THE CHOREOGRAPHY OF THE CHEMICAL DEFENSOME RESPONSE TO INSECTICIDE STRESS: INSIGHTS INTO THE
ANOPHELES STEPHENSI TRANSCRIPTOME USING RNA-SEQ
(2017) SCIENTIFIC REPORTS, 7, ART. NO. 41312, . DOI: 10.1038/SREP41312. ISSN: 20452322
(CIT. SCOPUS: 1; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 2)

7. PORRETTA, D., MASTRANTONIO, V., CRASTA, G., BELLINI, R., COMANDATORE, F., ROSSI, P., FAVIA, G., BANDI, C., URBANELLI, S.

INTRA-INSTAR LARVAL CANNIBALISM IN ANOPHELES GAMBIAE (S.S.) AND ANOPHELES STEPHENSI (DIPTERA: CULICIDAE)

(2016) PARASITES AND VECTORS, 9 (1), PP. 1-9. DOI: 10.1186/s13071-016-1850-5. ISSN: 17563305

(CIT. SCOPUS: 0; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 0)

8. COMANDATORE, F., CORDAUX, R., BANDI, C., BLAXTER, M., DARBY, A., MAKEPEACE, B.L., MONTAGNA, M., SASSERA, D.

SUPERGROUP C WOLBACHIA, MUTUALIST SYMBIONTS OF FILARIAL NEMATODES, HAVE A DISTINCT GENOME STRUCTURE

(2015) OPEN BIOLOGY, 5 (12), ART. NO. 150099, . DOI: 10.1098/rsob.150099. ISSN: 20462441

(CIT. SCOPUS: 4; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 6)

9. GAIARSA, S., MARCO, L.D., COMANDATORE, F., MARONE, P., BANDI, C., SASSERA, D.

BACTERIAL GENOMIC EPIDEMIOLOGY, FROM LOCAL OUTBREAK CHARACTERIZATION TO SPECIES-HISTORY RECONSTRUCTION

(2015) PATHOGENS AND GLOBAL HEALTH, 109 (7), PP. 319-327. DOI: 10.1080/20477724.2015.1103503. ISSN: 20477724

(CIT. SCOPUS: 0; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 0)

10. ONORI, R., GAIARSA, S., COMANDATORE, F., PONGOLINI, S., BRISSE, S., COLOMBO, A., CASSANI, G., MARONE, P., GROSSI, P., MINOJA, G., BANDI, C., SASSERA, D., TONIOLO, A.

TRACKING NOSOCOMIAL KLEBSIELLA PNEUMONIAE INFECTIONS AND OUTBREAKS BY WHOLE-GENOME ANALYSIS: SMALL-SCALE ITALIAN SCENARIO WITHIN A SINGLE HOSPITAL

(2015) JOURNAL OF CLINICAL MICROBIOLOGY, 53 (9), PP. 2861-2868. DOI: 10.1128/JCM.00545-15. ISSN: 00951137

(CIT. SCOPUS: 15; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 18)

11. GAIBANI, P., SCALTRITI, E., FOSCHI, C., BAGGIO, E., TAMBURINI, M.V., CRETI, R., PASCUCCI, M.G., FAGIONI, M., AMBRETTI, S., COMANDATORE, F., PONGOLINI, S., LANDINI, M.P.

MATRIX-ASSISTED LASER DESORPTION IONIZATION-TIME OF FLIGHT AND COMPARATIVE GENOMIC ANALYSIS OF M-18 GROUP A STREPTOCOCCUS STRAINS ASSOCIATED WITH AN ACUTE RHEUMATIC FEVER OUTBREAK IN NORTHEAST ITALY IN 2012 AND 2013

(2015) JOURNAL OF CLINICAL MICROBIOLOGY, 53 (5), PP. 1562-1572. DOI: 10.1128/JCM.03465-14. ISSN: 00951137

(CIT. SCOPUS: 2; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 3)

12. GAIARSA*, S., COMANDATORE*, F., GAIBANI, P., CORBELLA, M., VALLE, C.D., EPIS, S., SCALTRITI, E., CARRETTO, E., FARINA, C., LABONIA, M., LANDINI, M.P., PONGOLINI, S., SAMBRI, V., BANDI, C., MARONE, P., SASSERAC, D.

GENOMIC EPIDEMIOLOGY OF KLEBSIELLA PNEUMONIAE IN ITALY AND NOVEL INSIGHTS INTO THE ORIGIN AND GLOBAL EVOLUTION OF ITS RESISTANCE TO CARBAPENEM ANTIBIOTICS

(2015) ANTIMICROBIAL AGENTS AND CHEMOTHERAPY, 59 (1), PP. 389-396. DOI: 10.1128/AAC.04224-14. ISSN: 00664804

(CIT. SCOPUS: 17; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 24)

* GLI AUTORI HANNO DATO UN CONTRIBUTO EQUIVALENTE

13. SCALTRITI, E., SASSERA, D., COMANDATORE, F., MORGANTI, C.M., MANDALARI, C., GAIARSA, S., BANDI, C., ZEHENDER, G., BOLZONI, L., CASADEI, G., PONGOLINIA, S.

DIFFERENTIAL SINGLE NUCLEOTIDE POLYMORPHISM-BASED ANALYSIS OF AN OUTBREAK CAUSED BY SALMONELLA ENTERICA SEROVAR MANHATTAN REVEALS EPIDEMIOLOGICAL DETAILS MISSED BY STANDARD PULSED-FIELD GEL ELECTROPHORESIS

(2015) JOURNAL OF CLINICAL MICROBIOLOGY, 53 (4), PP. 1227-1238. DOI: 10.1128/JCM.02930-14. ISSN: 00951137

(CIT. SCOPUS: 4; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 4)

14. EPIS, S., PORRETTA, D., MASTRANTONIO, V., COMANDATORE, F., SASSERA, D., ROSSI, P., CAFARCHIA, C., OTRANTO, D., FAVIA, G., GENCHI, C., BANDI, C., URBANELLI, S.

ABC TRANSPORTERS ARE INVOLVED IN DEFENSE AGAINST PERMETHRIN INSECTICIDE IN THE MALARIA VECTOR ANOPHELES STEPHENSII

(2014) PARASITES AND VECTORS, 7 (1), ART. NO. 349, . DOI: 10.1186/1756-3305-7-349. ISSN: 17563305

(CIT. SCOPUS: 15; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 20)

15. ESPOSTI, M.D., CHOUAIA, B., COMANDATORE, F., CROTTI, E., SASSERA, D., LIEVENS, P.M.-J., DAFFONCHIO, D., BANDI, C.

EVOLUTION OF MITOCHONDRIA RECONSTRUCTED FROM THE ENERGY METABOLISM OF LIVING BACTERIA

(2014) PLOS ONE, 9 (5), ART. NO. E96566, . DOI: 10.1371/JOURNAL.PONE.0096566. ISSN: 19326203

(CIT. SCOPUS: 21; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 28)

16. SASSERA, D., COMANDATORE, F., GAIBANI, P., D'AURIA, G., MARICONTI, M., LANDINI, M.P., SAMBRI, V., MARONE, P.

COMPARATIVE GENOMICS OF CLOSELY RELATED STRAINS OF KLEBSIELLA PNEUMONIAE REVEALS GENES POSSIBLY INVOLVED IN COLISTIN RESISTANCE

(2014) ANNALS OF MICROBIOLOGY, 64 (2), PP. 887-890. DOI: 10.1007/s13213-013-0727-5. ISSN: 15904261

(CIT. SCOPUS: 3; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 4)

17. CHOUAIA, B., GAIARSA, S., CROTTI, E., COMANDATORE, F., ESPOSTI, M.D., RICCI, I., ALMA, A., FAVIA, G., BANDI, C., DAFFONCHIO, D.

ACETIC ACID BACTERIA GENOMES REVEAL FUNCTIONAL TRAITS FOR ADAPTATION TO LIFE IN INSECT GUTS

(2014) GENOME BIOLOGY AND EVOLUTION, 6 (4), PP. 912-920. DOI: 10.1093/GBE/EVU062. ISSN: 17596653

(CIT. SCOPUS: 26; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 33)

18. COMANDATORE, F., SASSERA, D., MONTAGNA, M., KUMAR, S., KOUTSOVOULOS, G., THOMAS, G., REPTON, C., BABAYAN, S.A., GRAY, N., CORDAUX, R., DARBY, A., MAKEPEACE, B., BLAXTER, M.

PHYLOGENOMICS AND ANALYSIS OF SHARED GENES SUGGEST A SINGLE TRANSITION TO MUTUALISM IN WOLBACHIA OF NEMATODES

(2013) GENOME BIOLOGY AND EVOLUTION, 5 (9), PP. 1668-1674. DOI: 10.1093/GBE/EVT125. ISSN: 17596653

(CIT. SCOPUS: 22; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 40)

19. COMANDATORE, F., GAIBANI, P., AMBRETTI, S., LANDINI, M.P., DAFFONCHIO, D., MARONE, P., SAMBRI, V., BANDI, C., SASSERA, D.

DRAFT GENOME OF KLEBSIELLA PNEUMONIAE SEQUENCE TYPE 512, A MULTIDRUG-RESISTANT STRAIN ISOLATED DURING A RECENT KPC OUTBREAK IN ITALY

(2013) GENOME ANNOUNCEMENTS, 1 (1), ART. NO. E00035-12, . DOI: 10.1128/GENOMEA.00035-12. ISSN: 21698287

(CIT. SCOPUS: 5; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 5)

20. COMANDATORE, F., SASSERA, D., AMBRETTI, S., LANDINI, M.P., DAFFONCHIO, D., MARONE, P., SAMBRI, V., BANDI, C., GAIBANI, P.

DRAFT GENOME SEQUENCES OF TWO MULTIDRUG RESISTANT KLEBSIELLA PNEUMONIAE ST258 ISOLATES RESISTANT TO COLISTIN

(2013) GENOME ANNOUNCEMENTS, 1 (1), ART. NO. E00113-12, . DOI: 10.1128/GENOMEA.00113-12. ISSN: 21698287

(CIT. SCOPUS: 7; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 11)

21. SASSERA, D., LEARDINI, I., VILLA, L., COMANDATORE, F., CARTA, C., ALMEIDA, A., SOUSA, M.C., GAIARSA, S., MARONE, P., POZIO, E., CACCIÒ, S.M.

DRAFT GENOME SEQUENCE OF STENOTROPHOMONAS MALTOPHILIA STRAIN EPM1, FOUND IN ASSOCIATION WITH A CULTURE OF THE HUMAN PARASITE GIARDIA DUODENALIS

(2013) GENOME ANNOUNCEMENTS, 1 (2), ART. NO. E00182-13, . DOI: 10.1128/GENOMEA.00182-13. ISSN: 21698287

(CIT. SCOPUS: 4; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 5)

22. GODEL, C., KUMAR, S., KOUTSOVOULOS, G., LUDIN, P., NILSSON, D., COMANDATORE, F., WROBEL, N., THOMPSON, M., SCHMID, C.D., GOTO, S., BRINGAUD, F., WOLSTENHOLME, A., BANDI, C., EPE, C., KAMINSKY, R., BLAXTER, M., MASER, P.

THE GENOME OF THE HEARTWORM, DIROFILARIA IMMITIS, REVEALS DRUG AND VACCINE TARGETS

(2012) FASEB JOURNAL, 26 (11), PP. 4650-4661. DOI: 10.1096/fj.12-205096. ISSN: 15306860

(CIT. SCOPUS: 69; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 93)

23. EPIS, S., MONTAGNA, M., COMANDATORE, F., DAMIANI, C., DIABATÉ, A., DAFFONCHIO, D., ... & FAVIA, G. MOLECULAR TYPING OF BACTERIA OF THE GENUS ASAIA IN MALARIA VECTOR ANOPHELES ARABIENSIS PATTON, 1905

(2012) JOURNAL OF ENTOMOLOGICAL AND ACAROLOGICAL RESEARCH, 44(2), 7. DOI: 10.4081/jea.2012.e7.

(CIT. SCOPUS: NON INDICIZZATO; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 1)

24. SASSERA, D., LO, N., EPIS, S., D'AURIA, G., MONTAGNA, M., COMANDATORE, F., HORNER, D., PERETÓ, J., LUCIANO, A.M., FRANCIOSI, F., FERRI, E., CROTTI, E., BAZZOCCHI, C., DAFFONCHIO, D., SACCHI, L., MOYA, A., LATORRE, A., BANDI, C.

PHYLOGENOMIC EVIDENCE FOR THE PRESENCE OF A FLAGELLUM AND CBB 3 OXIDASE IN THE FREE-LIVING MITOCHONDRIAL ANCESTOR

(2011) MOLECULAR BIOLOGY AND EVOLUTION, 28 (12), PP. 3285-3296. DOI: 10.1093/molbev/msr159. ISSN: 07374038

(CIT. SCOPUS: 46; CIT. GOOGLE SCHOLAR: 71)

- SU RIVISTE NAZIONALI

1. COMANDATORE F, SASSERA D, BANDI C. "QUANDO I MITOCONDRI AVEVANO LA CODA". SISTEMA UNIVERSITÀ - UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

2. MARICONTI M, EPIS S, SACCHI L, CLEMENTI E, BIGGIOGERA M, SASSERA D, GENCHI M, ALBERTI E, MONTAGNA M, BANDI C, COMANDATORE F, BAZZOCCHI C. MIDICHLORIA MITOCHONDRII: THE FIRST RICKETTSIALES WITH A FLAGELLAR STRUCTURE. IN MAPPE PARASSITOLOGICHE 2012, VOL. 18, ISBN:

9788889132579.

ALTRI TITOLI

CAPACITA' ANALITICHE

- INFORMATICA

UTILIZZO DEL SISTEMA OPERATIVO LINUX, IN PARTICOLARE LE DISTRIBUZIONI UBUNTU, FEDORA E CENTOS

PROGRAMMAZIONE NEI LINGUAGGI R, PERL, BASH E PYTHON

- BIOINFORMATICA

- UTILIZZO DEI PRINCIPALI SOFTWARE PER L'ANALISI GENOMICA E FILOGENETICA, QUALI AD ESEMPIO

ASSEMBLATORI: VELVET, MIRA E SPADES

ALLINEATORI: PROGRESSIVEMAUVE, MUMMER, CLUSTALW E MUSCLE

ESTRAZIONE DI SNPs: GATK TOOLKIT, SAMTOOLS E VCF TOOLS

FILOGENESI: PHYML, RAXML, FASTTREE, BEAST, SPLITREE

- SVILUPPO DI PIPELINE E SOFTWARE BIOINFORMATICI

- STATISTICA

CAPACITÀ DI ESEGUIRE ANALISI STATISTICHE NEL LINGUAGGIO DI PROGRAMMAZIONE R, TRA CUI WILCOXON TEST, T TEST, MANTEL TEST, PCA, PCOA, ANALISI DI CLUSTERING (GERARCHICO E NON)

PRINCIPALI SOFTWARE SVILUPPATI

- PURPLE

PIPELINE PER L'ALLINEAMENTO DI MIGLIAIA DI GENOMI BATTERICI, L'ESTRAZIONE DEGLI SNPs, L'ANNOTAZIONE DEGLI SNPs ESTRATTI, E PER L'ANALISI FILOGENETICA. LA PIPELINE È STATA UTILIZZATA NEGLI ARTICOLI SCIENTIFICI 10, 11, 12 E 13 DELLA LISTA DELLE PUBBLICAZIONI (VEDI SOPRA).

- SKYNET OUTBREAK

PIPELINE PER L'IDENTIFICAZIONE DI GENI DI RESISTENZA, DETERMINAZIONE DEL PROFILO MLST, L'ESTRAZIONE DI SNPs, L'ANALISI FILOGENETICA E LA PRODUZIONE DI HEATMAP A PARTIRE DA SEQUENZE OTTENUTE MEDIANTE

TECNOLOGIE NEXT GENERATION SEQUENCING. LA PIPELINE PERMETTE LA RICOSTRUZIONE DI OUTBREAK OSPEDALIERI IN MENO DI UN'ORA SENZA LA NECESSITÀ DI ASSEMBLARE I GENOMI BATTERICI.

- ORTHOCLIQUE

SOFTWARE PER L'IDENTIFICAZIONE DI GENI ORTOLOGI A PARTIRE DA ASSEMBLAGGI GENOMICI, PER LO SVILUPPO AUTOMATICO DI ANALISI FILOGENOMICHE E DI PRESENZA/ASSENZA GENICA. IL SOFTWARE È STATO PUBBLICATO IN UN POSTER (VEDI SEZIONE POSTER NAZIONALI).

LINGUA STRANIERA

- INGLESE

ORALE: BUONO

SCRITTO: BUONO

COMPRENSIONE: BUONO

INDICI DI CITAZIONE

- GOOGLE SCHOLAR

TOTALE CITAZIONI: 376

TOTALE ARTICOLI SCIENTIFICI INDICIZZATI: 24

CITAZIONI MEDIE PER PUBBLICAZIONE: 15,67

H-INDEX: 9

- SCOPUS

TOTALE CITAZIONI: 268

TOTALE ARTICOLI SCIENTIFICI INDICIZZATI: 22

CITAZIONI MEDIE PER PUBBLICAZIONE: 12,18

H-INDEX: 8

REVISORE DI ARTICOLI SCIENTIFICI

SONO STATO REVISORE DI ARTICOLI SCIENTIFICI PER LE SEGUENTI RIVISTE INTERNAZIONALI: BMC GENOMICS (1 ARTICOLO), ECOLOGY AND EVOLUTION (1 ARTICOLO), FRONTIERS IN MICROBIOLOGY (1 ARTICOLO), NATURE SCIENTIFIC REPORTS (1 ARTICOLO) E INFECTION, GENETICS AND EVOLUTION (1 ARTICOLO).

BREVE DESCRIZIONE DELL'ATTIVITÀ DI RICERCA SVOLTA E CONTRIBUTO ALLE PUBBLICAZIONI

A PARTIRE DAL 2009, ANNO DI INIZIO DEL TIROCINIO FORMATIVO PARTE DEL CORSO DI LAUREA MAGISTRALE, HO PARTECIPATO A DIVERSI PROGETTI DI RICERCA SVILUPPANDO ALGORITMI ORIGINALI E SOFTWARE PER L'ANALISI DI DATI NEXT GENERATION SEQUENCING. AD ESEMPIO HO SCRITTO UN SOFTWARE CHE, APPLICANDO LE TRASFORMATE DI FOURIER ALLA COMPOSIZIONE NUCLEOTIDICA DELLE ESTREMITÀ DEI CONTIGS DELL'ASSEMBLAGGIO PRELIMINARE DEL GENOMA DI *MIDICHLORIA MITOCHONDRII*, HA PERMESSO DI RIDURRE IL NUMERO DI ESPERIMENTI DI PCR NECESSARI ALLA CHIUSURA DEL GENOMA (VEDI SASSERA ET AL., 2011). NEGLI ANNI SUCCESSIVI HO AVUTO UN RUOLO IMPORTANTE IN DIVERSI PROGETTI DI RICERCA, SVILUPPANDO MOLTI DEI SOFTWARE BIOINFORMATICI CHE SONO STATI UTILIZZATI E SVOLGENDO MOLTE DELLE ANALISI STESSE. AD ESEMPIO HO SCRITTO IL SOFTWARE (DENOMINATO PURPLE) CHE CI HA PERMESSO DI INDIVIDUARE, ANNOTARE ED ANALIZZARE LE VARIANTI NUCLEOTIDICHE (SINGLE NUCLEOTIDE POLYMORPHISMS O SNPs) DI UN NUMERO NOTEVOLE (FINO A CENTINAIA) DI GENOMI BATTERICI CONTEMPORANEMENTE (VEDI ONORI ET AL., 2015; GAIBANI ET AL., 2015; GAIARSA ET AL., 2015 E SCALTRITI ET AL., 2015).

IN MOLTE PUBBLICAZIONI SCIENTIFICHE DI CUI SONO COAUTORE IL MIO RUOLO NON SI È LIMITATO A QUELLO DI ESECUTORE DI ANALISI MA HO PARTECIPATO AL DISEGNO SPERIMENTALE E ALL'INTERPRETAZIONE DEI RISULTATI, IN PARTICOLARE PER QUANTO RIGUARDA LE APPLICAZIONI E LE ANALISI BIOINFORMATICHE E STATISTICHE.

Data

29 Dicembre 2017

Luogo

Milano