

UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

Procedura di valutazione per la chiamata a professore di II fascia da ricoprire ai sensi dell'art. 24, comma 6, della Legge n. 240/2010 per il settore concorsuale 07/E1 - Chimica Agraria, Genetica Agraria e Pedologia, (settore scientifico-disciplinare AGR/07 - GENETICA AGRARIA) presso il Dipartimento di SCIENZE AGRARIE E AMBIENTALI - PRODUZIONE, TERRITORIO, AGROENERGIA, Codice concorso 3554

**[LAURA ROSSINI]
CURRICULUM VITAE**

INFORMAZIONI PERSONALI (NON INSERIRE INDIRIZZO PRIVATO E TELEFONO FISSO O CELLULARE)

COGNOME	ROSSINI
NOME	LAURA
DATA DI NASCITA	22/08/1968

EDUCAZIONE E QUALIFICAZIONE

ASN 2014	Abilitazione Scientifica Nazionale II Fascia, Settore concorsuale 07/E1, settore scientifico-disciplinare AGR/07 Genetica Agraria (validità dal 27/11/2014 al 27/11/2020)
Dottorato Nov 1996	Conseguimento del titolo di Dottore di Ricerca in Scienze Genetiche Università degli Studi di Milano
Esame di stato Nov 1993	Superamento dell'esame di stato per l' Abilitazione alla Professione di Biologo , Università degli Studi di Milano
Laurea Feb 1992	Laurea in Scienze Biologiche Università degli Studi di Milano Voto: 110/110 e lode

PERCORSO PROFESSIONALE

Posizione attuale Dal Mar 2000	Ricercatore universitario/professore aggregato in genetica agraria, AGR/07 Dipartimento di Scienze Agrarie e Ambientali Università degli Studi di Milano
Dal Nov 2008	Coordinamento delle attività di ricerca di genomica vegetale del Parco Tecnologico Padano (PTP, Lodi) nell'ambito di convenzioni di ricerca fra Università degli Studi di Milano e PTP. In questo duplice ruolo, coordina un gruppo operativo presso la sede del PTP a Lodi e attualmente comprendente 3 ricercatori post-doc e 1 dottorando.

Post-doc Lug 1996 - Mar 2000	Department of Plant Sciences, University of Oxford (UK) Progetto: <i>Analisi genetica e molecolare del differenziamento fotosintetico in specie monocotiledoni</i> . Laboratorio della Dott.ssa Jane Langdale. Per questo progetto le sono stati attribuiti: Contratto come <i>research assistant</i> della University of Oxford (Lug 1996 – Set 1997)
Post-doc (cont.)	Borsa di studio post-dottorato long-term della European Molecular Biology Organization (EMBO) (Ott 1997 – Giu 1999) Borsa di studio dell'Accademia Nazionale dei Lincei, fondazione "Valeria Vincenzo Landi" per il perfezionamento in genetica agraria presso laboratori stranieri (Giu 1999 – Mar 2000)
Mar 1996 - Giu 1996	Dipartimento di Genetica e Biologia dei Microrganismi Università degli Studi di Milano. Progetto: <i>Analisi genetica e molecolare della resistenza erbicidi in mais</i> . Laboratorio della Prof.ssa Mirella Sari Gorla.
Dottorato Nov 1992 - Ott 1995	Dipartimento di Genetica e di Biologia dei Microrganismi Università degli Studi di Milano VIII ciclo del Dottorato di Ricerca in Scienze Genetiche (borsa ministeriale) Progetto: <i>Base genetica dell'evoluzione delle resistenze a erbicidi nelle piante</i> Docente-guida Prof.ssa Mirella Sari Gorla
Mar 1995 - Set 1995	Sezione di Plant Biotechnology, Stazione di ricerca di Jealott's Hill, Zeneca, Bracknell (UK) Attività di ricerca in collaborazione con Dott. Ian Jepson nell'ambito del progetto di dottorato.
Tirocinio Mar – Ott 1992	Dipartimento di Genetica e di Biologia dei Microrganismi Università degli Studi di Milano Tirocinante per il superamento dell'esame di stato per l'Abilitazione alla Professione di Biologo, laboratorio della Prof.ssa Mirella Sari Gorla
Internato di tesi Feb 1990 - Feb 1992	Dipartimento di Genetica e di Biologia dei Microrganismi Università degli Studi di Milano Tesi sperimentale dal titolo: <i>Controllo genetico e basi biochimiche della tolleranza a erbicidi in mais</i> Relatore Prof.ssa Mirella Sari Gorla.

ATTIVITA' DI RICERCA E PUBBLICAZIONI SCIENTIFICHE

SINOSSI DELL'ATTIVITA' DI RICERCA

(fra parentesi quadre sono citate le pubblicazioni secondo la numerazione dell'elenco completo pp. 5-14)

Laura Rossini ha una solida formazione biologica sia teorica che sperimentale derivante dagli studi universitari (Laurea in Scienze Biologiche con orientamento biologico-molecolare) e dal percorso di dottorato di ricerca in Scienze Genetiche. Già dalla tesi di laurea maturava un forte interesse per la genetica e la biologia delle piante, studiando le basi genetiche dei meccanismi di detossificazione di composti xenobiotici, attraverso la combinazione di genetica (valutazione di germoplasma), biochimica (dosaggi enzimatici, analisi FPLC, HPLC) e biologia molecolare (PCR, clonaggio e sequenziamento, analisi di espressione). In particolare, le TESI DI LAUREA E DOTTORATO vertevano sulla caratterizzazione della famiglia genica delle glutatione S-transferasi (GST) e la comprensione del loro ruolo nella variabilità naturale per la risposta a erbicidi in mais [15, 17, 36]. Nell'ambito del dottorato ha lavorato per 6 mesi presso la Plant Biotechnology Section della Zeneca (Bracknell, UK) dimostrando il ruolo preminente di GSTIV nella tolleranza ad alachlor in mais [16, 46]. Accanto alle competenze nell'analisi molecolare e funzionale di famiglie multigeniche, ha ampliato le conoscenze sulla genetica vegetale partecipando alla costituzione di diverse popolazioni segreganti di mais e all'analisi QTL della capacità di germinazione e crescita del polline [18]. Durante il percorso di dottorato, maturava un crescente interesse per la genetica dello sviluppo. Ha lavorato per quasi 4 anni come POST-DOC presso il Department of Plant Sciences dell'Università di Oxford (UK) sull'analisi genetica e molecolare del differenziamento fotosintetico in mais e riso, identificando per prima geni *G2-like* e ottenendo le prime evidenze funzionali del differente ruolo di questi fattori di trascrizione in piante C4 e C3 [14, 35]. L'esperienza nel gruppo della Dott.ssa Langdale –fra i primi a caratterizzare regolatori di geni *KNOX* nelle monocotiledoni- le ha consentito di formarsi una solida base di conoscenze sullo sviluppo della pianta e di ampliare le proprie competenze nell'analisi di famiglie geniche con approcci genetici, molecolari e di analisi funzionale fra i quali: analisi di mutanti, approcci transgenici, costruzione e screening di librerie, saggi one- e two-hybrid in lievito, saggi di localizzazione nucleare, ottenimento di proteine ricombinanti e anticorpi policlonali, Western blot, ibridazioni in situ, etc.

Dal 2000 Laura Rossini è RICERCATORE in Genetica Agraria presso l'Università degli Studi di Milano e dal 2008 coordina attività di ricerca nel campo della genomica vegetale al Parco Tecnologico Padano (PTP) di Lodi nel quadro di convenzioni di ricerca fra Università e PTP. In questo ruolo coordina un gruppo di ricerca attualmente composto da 3 post-doc e 1 dottorando. In questi anni le ricerche sullo sviluppo della pianta si sono focalizzate sulle funzioni meristematiche attraverso l'analisi di una collezione di germoplasma di orzo comprendente migliaia di accessioni fra cui numerosi mutanti alterati negli organi fogliari [34], nell'architettura della pianta e dell'infiorescenza [08, 43], oltre a cultivar, landraces e linee selvatiche. L'acquisizione di nuovi strumenti genomici viene applicata per analisi di linkage e di genomica comparativa permettendo l'identificazione di geni candidati per numerosi mutanti [13, 21, 33, 40, 45]. Nell'ambito del progetto UE TriticaceaeGenome [29] ha diretto la clonazione posizionale e lo studio funzionale di un gene dell'accestimento in orzo, il primo membro della famiglia *BLADE-ON-PETIOLE* caratterizzato nelle monocotiledoni [04]. Tornando al suo interesse per i geni *KNOX*, è stata responsabile della caratterizzazione di fattori di trascrizione coinvolti nella regolazione di un gene *KNOX* di orzo, che ha permesso di stabilire un nuovo nesso fra il controllo dell'attività meristematica e il pathway dell'etilene [12] e interessanti analogie nei meccanismi di regolazione mediati dai fattori GRF in orzo e riso [23]. Interessi correlati riguardano i meccanismi di regolazione dell'espressione genica, il ruolo degli ormoni nel controllo dello sviluppo, l'evoluzione e l'analisi funzionale di famiglie di fattori trascrizionali, i processi di domesticazione [44]. Allo studio dei mutanti morfologici, si sono affiancati approcci di genetica di associazione per la dissezione della variabilità genetica in collezioni di germoplasma, che ha riguardato sia la produzione e l'epoca di fioritura [03] sia l'adattamento a stress ambientali come il freddo [32] e il deficit idrico [25]. Particolare interesse riveste un recente studio che ha dimostrato come lo sviluppo e le dimensioni delle foglie siano sotto il controllo di *Ppd-H1*, il gene maggiore della risposta fotoperiodica in orzo con un ruolo importante nel breeding [02]. Progetti attualmente in corso riguardano: la dissezione genetica di caratteri morfologici ai fini dell'adattamento ai cambiamenti climatici (progetto CLIMBAR); il risequenziamento dell'esoma di una collezione di oltre 400 accessioni coltivate e selvatiche come base di partenza per l'analisi della diversità allelica legata a caratteri agronomici (progetto WHEALBI); l'identificazione mediante approcci di genetica diretta e inversa di geni e alleli coinvolti nel controllo dell'accestimento e dell'angolo fogliare, come strumenti per migliorare la produzione di biomassa e granella di orzo in vista dello sviluppo di varietà "dual purpose" (per alimentazione e bioenergia) (progetto BARPLUS).

Nell'ultimo decennio, ha applicato le proprie competenze di genetica, genomica e biologia molecolare all'indagine di caratteri legati alla maturazione e alla qualità del frutto in pesco. In questo ambito, ha

coordinato la costruzione di mappe di linkage per diverse popolazioni segreganti mediante l'uso di marcatori molecolari e analisi QTL per caratteri agronomici e di qualità quali la data di maturazione, il peso del frutto e la resistenza a monilia, il contenuto di acidi e zuccheri, la tomentosità, e i composti volatili, portando all'identificazione di geni candidati e marcatori per alcuni loci di particolare interesse [05, 07, 09, 10, 11, 20, 24, 30]. Tali strumenti trovano applicazione in programmi di breeding anche a livello internazionale (ad esempio il marcatore IndelG per il carattere pesca/nettarina [07] è utilizzato nel programma RosBreed <https://www.rosbreed.org/breeding/dna-tests/peach/fruit-type>). Nel contesto del progetto Drupomics e dell'International Peach Genome Initiative per il sequenziamento del genoma del pesco, ha coordinato l'annotazione manuale e l'analisi filogenetica di geni coinvolti nel metabolismo di composti volatili [28] ed è stata coinvolta nel risequenziamento di diverse accessioni per la scoperta di varianti genomiche che sono state utilizzate per la costruzione di un nuovo SNP chip in collaborazione con partner a livello nazionale e internazionale. Ha inoltre partecipato alla costruzione di una mappa genetica ad alta densità per il perfezionamento della sequenza genomica: la nuova versione Peach v2.0 più contigua e completa offre uno strumento potente per l'analisi genetica e il miglioramento del pesco e delle Rosaceae [19]. A proposito delle indagini delle basi genetiche e molecolari dell'aroma, ha contribuito anche a studi comparativi fra diverse varietà attraverso analisi chimiche e trascrittomiche [27, 31]. Negli ultimi anni le analisi genetiche sul pesco si sono estese all'analisi di collezioni di germoplasma attraverso approcci di genetica di associazione [22, 37, 39]. Progetti attualmente coordinati da Laura Rossini riguardano studi di genetica di associazione sulla data di maturazione e uno studio sull'applicabilità di approcci di *genomic selection* per il miglioramento di caratteri complessi nel pesco.

Ulteriori progetti in cui è stata coinvolta comprendono: la costruzione di una mappa genetica per l'analisi QTL della risposta a Fusarium [01] e la caratterizzazione di un gene coinvolto nella risposta a Diabrotica in mais [06]; lo studio della diversità genetica e dei profili di composti volatili in Citrus (progetto PON IT-Citrus). Attualmente è Principal Investigator del partenariato Italiano del progetto Biosorg (bando CERES Fondazioni Cariplo – Agropolis) in cui è responsabile della caratterizzazione di geni candidati per la qualità della biomassa per fini energetici, attraverso analisi di espressione e di diversità allelica in una collezione di germoplasma di sorgo.

In sintesi, l'attività scientifica di Laura Rossini ha riguardato l'analisi genetica di processi fondamentali della biologia delle piante, soprattutto in riferimento allo sviluppo della pianta e del frutto. Attraverso lo sviluppo e l'applicazione di moderni strumenti genomici e molecolari ha contribuito all'analisi e alla valorizzazione della diversità genetica per caratteri legati alla qualità, produttività e sostenibilità di cereali e piante da frutto.

Nella posizione attuale, con l'obiettivo di ampliare le conoscenze e competenze del gruppo di ricerca e di mettersi in rete con iniziative a livello nazionale e internazionale, ha sviluppato molteplici collaborazioni come testimoniato dai progetti finanziati e dalle numerose pubblicazioni congiunte - di seguito sono elencate le più significative con riferimento alle pubblicazioni prodotte:

- Dr. P. Arus, IRTA Barcelona (SP) – genetica e genomica del pesco [22, 30]
- Prof. D. Bassi, Università degli Studi di Milano – dissezione genetica di caratteri agronomici e di qualità del frutto in pesco [05, 07, 09, 10, 11, 19, 20, 22, 24, 31, 37, 38, 39]
- Dr. L. Cattivelli, CREA Fiorenzuola d'Arda – approcci di genetica di associazione in orzo [02, 03, 32]
- Dr. E. Guiderdoni, CIRAD Montpellier (FR) – approcci transgenici per la caratterizzazione di regolatori di geni KNOX in riso [12, 23]
- Prof. D.S. Horner, Università degli Studi di Milano – analisi comparative di famiglie multigeniche [12, 28]
- Prof. A. Marocco, Università Cattolica, Piacenza – genetica della tolleranza a Fusarium in mais [01, 06]
- Prof. G.J. Muehlbauer, University of Minnesota (USA) – caratterizzazione e clonazione di mutanti dell'accestimento in orzo [04, 08, 43]
- Prof. P. Ouwerkerk, University of Leiden (NL) – caratterizzazione funzionale di regolatori di geni KNOX in orzo e riso [12, 23]
- Prof. C. Pozzi, Parco Tecnologico Padano, Università degli Studi di Milano – dissezione genetica dello sviluppo in orzo [12, 13, 21, 33, 34, 40, 44, 45]; genomica del pesco [10, 11, 27, 30]
- Prof. F. Salamini, Università degli Studi di Milano, MPIZ (DE), Parco Tecnologico Padano – genetica dell'orzo e del pesco [12, 13, 26, 23, 33, 40, 44, 45]
- Dr. T. Schnurbusch, IPK Gatersleben (DE) – identificazione di un gene per la ramificazione della spiga in orzo [21]
- Dr. N. Stein, IPK Gatersleben (DE) – mappatura genetica e fisica di geni candidati in orzo [04, 13, 29]
- Dr. A. Stella, PTP, Lodi – approcci statistici per analisi di associazione in specie vegetali [28, 32]
- Dr. M. Troggio, FEM, S. Michele all'Adige (TN) – analisi genomiche in pesco [10, 20, 22]
- Dr. I. Verde, CREA Roma – sequenziamento e annotazione del genoma di pesco, mappatura di caratteri del frutto di pesco [07, 09, 19, 22, 28]
- Dr. Maria von Korff, Heinrich-Heine-University, Duesseldorf, (DE) – caratterizzazione di geni coinvolti nel controllo dello sviluppo in orzo [02]

INDICATORI BIBLIOMETRICI

ORCID ID: orcid.org/0000-0001-6509-9177

Scopus Author ID: 7006215658, *h* index 16, n. totale citazioni 966 (6 Maggio 2017)
ResearcherID (Thomson Reuters): J-7873-2012, *h* index 16, n. totale citazioni 872 (6 Maggio 2017)
<http://www.researcherid.com/rid/J-7873-2012>
ResearchGate *h* index 17, n. totale citazioni 1313 (6 Maggio 2017)
https://www.researchgate.net/profile/Laura_Rossini

Indicatori Abilitazione Scientifica Nazionale 2016-2018

Settore concorsuale	I Fascia			II Fascia		
	N. articoli 10 anni	N. citazioni 15 anni	Indice H 15 anni	N. articoli 5 anni	N. citazioni 10 anni	Indice H 10 anni
07/E1 Chimica Agraria, genetica Agraria e Pedologia						
Indicatori Laura Rossini*	27	717	12	21	682	11
Soglie	18	309	10	10	96	6

* Calcolati da dati Scopus (6 maggio 2017)
15 anni: 2002-2017
10 anni: 2007-2017
5 anni: 2012-2017

PUBBLICAZIONI SCIENTIFICHE (ELENCO COMPLETO)

L'Impact Factor è riferito all'anno di pubblicazione; per le pubblicazioni degli anni 2016 e 2017 l'IF è riferito all'anno 2015 (InCites - Journal Citation Reports database).

Il numero di citazioni è stato rilevato dai database WOS Core Collection e Scopus il 6 Maggio 2017.
Per le pubblicazioni "presentate" è riportato brevemente il contributo personale.

ARTICOLI SU RIVISTE INTERNAZIONALI CON IF COME PRIMO, ULTIMO O CORRESPONDING AUTHOR*

01. Maschietto V, Colombi C, Pirona R, Pea G, Strozzi F, Marocco A, Rossini L*, Lanubile A* (2017) QTL mapping and candidate genes for resistance to Fusarium ear rot and fumonisin contamination in maize. **BMC Plant Biology**. 2017 Jan 21;17(1):20 DOI: 10.1186/s12870-017-0970-1

Citazioni WOS: 0, Citazioni Scopus: 0

Impact Factor: 3.631

Codice WOS:000393340000001, Codice SCOPUS: 85009971802

Contributo personale: concezione, disegno e coordinamento della costruzione della mappa genetica, e revisione critica del manoscritto.

02. Digel B, Tavakol E, Verderio G, Tondelli A, Xu X, Cattivelli L, Rossini L*, von Korff M* (2016) Photoperiod-H1 (Ppd-H1) Controls Leaf Size. **Plant Physiology** 172(1):405-15 DOI: 10.1104/pp.16.00977

Citazioni WOS: 4, Citazioni Scopus: 4

Impact Factor: 6.280

Codice WOS:000388451900030, Codice SCOPUS: 84984919498

Contributo personale: concezione e coordinamento della mappatura di associazione delle dimensioni fogliari nella collezione di orzi invernali, partecipazione all'interpretazione dei risultati e alla scrittura del manoscritto.

03. Tavakol E, Elbadry N, Tondelli A, Cattivelli L, Rossini L* (2016) Genetic dissection of heading date and yield under Mediterranean dry climate in barley (*Hordeum vulgare* L.). **Euphytica** 212(2): 343-53 DOI: 10.1007/s10681-016-1785-0
- Citazioni WOS: 0, Citazioni Scopus: 0
- Impact Factor: 1.618
- Codice WOS: 000356967800014 , Codice SCOPUS: 84990998512
- Contributo personale: coordinamento della mappatura di associazione e revisione del manoscritto.
04. Tavakol E, Okagaki R, Verderio G, Shariati V, Hussien A, Bilgic H, Scanlon MJ, Todt NR, Close TJ, Druka A, Waugh R, Steuernagel B, Ariyadasa R, Himmelbach A, Stein N, Muehlbauer GJ*, Rossini L* (2015) The barley *Uniculme4* gene encodes a BLADE-ON-PETIOLE-like protein that controls tillering and leaf patterning. **Plant Physiology** 168: 164–174 DOI: 10.1104/pp.114.252882
- Citazioni WOS: 10, Citazioni Scopus: 11
- Impact Factor: 6.280
- Codice WOS:000388170500015, Codice SCOPUS: 84929472043
- Contributo personale: concezione, disegno e coordinamento della clonazione posizionale, validazione e caratterizzazione del gene e partecipazione alla scrittura del manoscritto insieme al primo autore.
05. Da Silva Linge C, Bassi D, Bianco L, Pacheco I, Pirona R, Rossini L (2015) Genetic dissection of fruit weight and size in an F2 peach (*Prunus persica* (L.) Batsch) progeny. **Molecular Breeding** 35:71 DOI 10.1007/s11032-015-0271-z
- Citazioni WOS: 5, Citazioni Scopus: 8
- Impact Factor: 2.108
- Codice WOS: 000349765300015 , Codice SCOPUS: 84922439391
- Contributo personale: concezione e coordinamento della costruzione della mappa genetica, partecipazione alla scrittura del manoscritto.
06. Capra E, Colombi C, De Poli P, Nocito FF, Cocucci M, Vecchietti A, Marocco A, Stile MR, Rossini L (2015) Protein profiling and *tps23* induction in different maize lines in response to methyl jasmonate treatment and *Diabrotica virgifera virgifera* infestation. **Journal of Plant Physiology**, published on line 27/11/2014. 175: 68–77 _doi:10.1016/j.jplph.2014.10.018
- Citazioni WOS: 0, Citazioni Scopus: 0
- Impact Factor: 2.557
- Codice WOS: 000352150100009 , Codice SCOPUS: 84916887254
07. Vendramin E, Pea G, Dondini L, Pacheco I, Dettori MT, Gazza L, Scalabrin S, Strozzi F, Tartarini S, Bassi D, Verde I*, Rossini L* (2014) A Unique Mutation in a MYB Gene Cosegregates with the Nectarine Phenotype in Peach. **PLoS One** 3;9(3):e90574. doi: 10.1371/journal.pone.0090574
- Citazioni WOS: 18, Citazioni Scopus: 22, **RECOMMENDED BY FACULTY OF 1000**
- Impact Factor: 3.234
- Codice WOS: 000332468900118 , Codice SCOPUS: 84896928165
- Contributo personale: concezione, disegno e coordinamento della ricerca, partecipazione alla scrittura del manoscritto.
08. Hussien A, Tavakol E, Horner DS, Muñoz-Amatriaín M, Muehlbauer GJ, Rossini L (2014) Genetics of tillering in rice and barley. **Plant Genome**, published online 20/12/2013 . PUBLISHED 2014 vol 7, n 1 doi: 10.3835/plantgenome2013.10.0032

Citazioni WOS: 2, Citazioni Scopus: 10

Impact Factor: 3.933

Codice WOS: 000338833800006 , Codice SCOPUS: 84897440870

Contributo personale: concezione e organizzazione della review – partecipazione alla scrittura e revisione critica di ogni sezione.

09. Pirona R, Eduardo I, Pacheco I, Da Silva Linge C, Miculan M, Verde I, Tartarini S, Dondini L, Pea G, Bassi D, Rossini L* (2013) Fine mapping and identification of a candidate gene for a major locus controlling maturity date in peach. **BMC Plant Biology** 13:166. DOI: 10.1186/1471-2229-13-166

Citazioni WOS: 25, Citazioni Scopus: 26

Impact Factor: 3.942

Codice WOS: 000326220600001, Codice SCOPUS: 84886875234

Contributo personale: concezione e coordinamento della ricerca, partecipazione alla scrittura e revisione critica dell'articolo.

10. Eduardo I, Chietera G, Pirona R, Pacheco Cruz IA, Troglio M, Banchi E, Bassi D, Rossini L*, Vecchiotti A, Pozzi C (2013) Genetic dissection of aroma volatile compounds from the essential oil of peach fruit: QTL analysis and identification of candidate genes using dense SNP maps. **Tree Genetics and Genomes**, 9: 189-204 DOI: 10.1007/s11295-012-0546-z

Citazioni WOS: 38, Citazioni Scopus: 35 **VALUTAZIONE VQR = 1 (eccellente)**

Impact Factor: 2.435

Codice WOS: 000313816600016, Codice SCOPUS: 84872664055

Contributo personale: coordinamento della costruzione della mappa genetica e mappatura dei geni candidati, revisione critica dell'articolo.

11. Eduardo I, Pacheco I, Chietera G, Bassi D, Pozzi C, Vecchiotti A, Rossini L* (2011) QTL analysis of fruit quality traits in two peach intraspecific populations and importance of maturity date pleiotropic effect. **Tree Genetics and Genomes**, 7: 323-335. doi: 10.1007/s11295-010-0334-6

Citazioni WOS: 50, Citazioni Scopus: 51 **VALUTAZIONE VQR = 1 (eccellente)**

Impact Factor: 2.335

Codice WOS: 000288656800009, Codice SCOPUS: 79952990829

Contributo personale: coordinamento della ricerca e revisione critica dell'articolo

12. Osnato M, Stile MR, Wang Y, Meynard D, Curiale S, Guiderdoni E, Liu Y, Horner DS, Ouwerkerk PBF, Pozzi C, Müller KJ, Salamini F, Rossini L* (2010) Cross-Talk between the KNOX and Ethylene Pathway Is Mediated by Intron-Binding Transcription Factors in Barley. **Plant Physiology** 154: 1616–1632. doi: 10.1104/pp.110.161984

Citazioni WOS: 21, Citazioni Scopus: 23, **VALUTAZIONE VQR = 1 (eccellente)**

Impact Factor: 6.451

Codice WOS: 000284834000004 Codice SCOPUS: 78649770926

Contributo personale: coordinamento della ricerca e revisione critica dell'articolo

13. Rossini L, Vecchiotti A, Nicoloso L, Stein N, Franzago S, Salamini F, Pozzi C (2006) Candidate genes for barley mutants involved in plant architecture: an in silico approach. **Theoretical and Applied Genetics** 112: 1073–1085. doi: 10.1007/s00122-006-0209-2

Citazioni WOS: 28, Citazioni Scopus: 24, **VALUTAZIONE VQR = 1 (eccellente)**

Impact Factor: 2.715

Codice WOS: 000236486600008, Codice SCOPUS: 33645384688

Contributo personale: selezione di una lista di geni candidati, esecuzione di parte delle analisi di sintenia e interpretazione dei risultati, disegno degli esperimenti per la validazione del gene candidato *liguleless*, scrittura dell'articolo.

14. Rossini L, Cribb L, Martin DJ, Langdale JA (2001) The maize *Golden2* gene defines a novel class of transcriptional regulators in plants. **Plant Cell** 13: 1231-1244. DOI: 10.1105/tpc.13.5.1231

Citazioni WOS: 64, Citazioni Scopus: 70

Impact Factor: 11.081

Codice WOS: 000169030000020, Codice SCOPUS: 0035020232

Contributo personale: conduzione del 90% del lavoro sperimentale e scrittura dell'articolo.

15. Rossini L, Frova C, Pè ME, Mizzi L, Sari Gorla M (1998) Alachlor regulation of maize glutathione S-transferase genes. **Pesticide Biochemistry and Physiology**, 60: 205-211. DOI: 10.1006/pest.1998.2338

Citazioni WOS: 7, Citazioni Scopus: 7

Impact Factor: 0.777

Codice WOS: 000075429900007, Codice SCOPUS: 0032147151

16. Rossini L, Jepson I, Greenland AJ, Sari Gorla M (1996) Characterization of glutathione S-transferase isoforms in three maize inbred lines exhibiting differential sensitivity to alachlor. **Plant Physiology** 112: 1595-1600. ISSN: 00320889

Citazioni WOS: 23, Citazioni Scopus: 20

Impact Factor: 5.634

Codice WOS: A1996VY30400023, Codice SCOPUS: 0030452612

Contributo personale: conduzione di tutto il lavoro sperimentale e scrittura dell'articolo.

17. Rossini L, Pè ME, Frova C, Hein K, Sari Gorla M (1995) Molecular analysis and mapping of two genes encoding maize glutathione-S-transferases (GST I and GST II). **Molecular and General Genetics** 248: 535-539. DOI: 10.1007/bf02423448

Citazioni WOS: 10, Citazioni Scopus: 9

Impact Factor: 2.727

Codice WOS: A1995RZ16000004, Codice SCOPUS: 0028789074

18. Sari Gorla M, Pè ME, Rossini L (1994) Detection of QTLs controlling pollen germination and growth in maize. **Heredity** 72: 332-335. DOI: 10.1038/hdy.1994.49

Citazioni WOS: 12, Citazioni Scopus: 10

Impact Factor: 1.986

Codice WOS: A1994NF70800002, Codice SCOPUS: 0028150507

ARTICOLI SU RIVISTE INTERNAZIONALI CON IF COME COAUTORE

19. Verde I, Jenkins J, Dondini L, Micali S, Pagliarani G, Vendramin E, Paris R, Aramini V, Gazza L, Rossini L, Bassi D (2017) The Peach v2. 0 release: high-resolution linkage mapping and deep resequencing improve chromosome-scale assembly and contiguity. **BMC Genomics** 2017 Mar 11;18(1):225 DOI: 10.1186/s12864-017-3606-9

Citazioni WOS: 0, Citazioni Scopus: 0

Impact Factor: 3.867

Codice WOS:000396757800001, Codice SCOPUS: 85014960672

20. Lambert P, Campoy JA, Pacheco I, Mauroux JB, Linge CD, Micheletti D, Bassi D, Rossini L, Dirlewanger E, Pascal T, Troggio M (2016) Identifying SNP markers tightly associated with six major genes in peach [*Prunus persica* (L.) Batsch] using a high-density SNP array with an objective of marker-assisted selection (MAS). **Tree Genetics & Genomes** 2016 Dec 1;12(6):121 DOI: 10.1007/s11295-016-1080-1

Citazioni WOS: 1, Citazioni Scopus: 0

Impact Factor: 2.132

Codice WOS:000397238800021, Codice SCOPUS: 84996868137

21. Poursarebani N, Seidensticker T, Koppolu R, Trautewig C, Gawroński P, Bini F, Govind G, Rutten T, Sakuma S, Tagiri A, Wolde GM, Youssef HM, Battal A, Ciannamea S, Fusca T, Youssef HM, Nussbaumer T, Pozzi C, Börner A, Lundqvist U, Komatsuda T, Salvi S, Tuberosa R, Uauy C, Sreenivasulu N, Rossini L, Schnurbusch T (2015). The Genetic Basis of Composite Spike Form in Barley and "Miracle-Wheat". **Genetics** 201(1):155-65 DOI: 10.1534/genetics.115.176628

Citazioni WOS: 2, Citazioni Scopus: 3

Impact Factor: 5.963

Codice WOS: 000361206400013, Codice SCOPUS: 84941206756

22. Micheletti D, Dettori MT, Micali S, Aramini V, Pacheco I, Da Silva Linge C, Foschi S, Banchi E, Barreneche T, Quilot-Turion B, Lambert P, Pascal T, Iglesias I, Carbó J, Wang LR, Ma RJ, Li XW, Gao ZS, Nazzicari N, Troggio M, Bassi D, Rossini L, Verde I, Laurens F, Arús P, Aranzana MJ (2015). Whole-Genome Analysis of Diversity and SNP-Major Gene Association in Peach Germplasm. **PLoS One** Sep 9;10(9):e0136803. doi: 10.1371/journal.pone.0136803.

Citazioni WOS: 8, Citazioni Scopus: 11

Impact Factor: 3.234

Codice WOS: 000360932800049, Codice SCOPUS: 84944753710

23. Kuijt SJ, Greco R, Agalou A, Shao J, 't Hoen CC, Overnäs E, Osnato M, Curiale S, Meynard D, van Gulik R, de Faria Maraschin S, Atallah M, de Kam RJ, Lamers GE, Guiderdoni E, Rossini L, Meijer AH, Ouwerkerk PB (2014) Interaction between the GRF and KNOX families of transcription factors. **Plant Physiology** 164(4):1952-66 DOI:10.1104/pp.113.222836

Citazioni WOS: 17, Citazioni Scopus: 21 **VALUTAZIONE VQR = 1 (eccellente)**

Impact Factor: 6.841

Codice WOS: 000334342800034, Codice SCOPUS: 84898760007

24. Pacheco I, Bassi D, Eduardo I, Ciacciulli A, Pirona R, Rossini L, Vecchietti A (2014) QTL mapping for brown rot (*Monilinia fructigena*) resistance in an intra-specific peach (*Prunus persica* L. Batsch) F1 progeny. **Tree Genetics and Genomes**, 10:1223-1242 DOI 10.1007/s11295-014-0756-7

Citazioni WOS: 9, Citazioni Scopus: 9

Impact Factor: 2.451

Codice WOS: 000342229000011, Codice SCOPUS: 84927710237

25. Tavakol E, Sardaro ML, Shariati J V, Rossini L, Porceddu E (2014) Isolation, promoter analysis and expression profile of *Dreb2* in response to drought stress in wheat ancestors. **Gene** 2014 Oct 1; 549(1):24-32. doi: 10.1016/j.gene.2014.07.020.
Citazioni WOS: 6, Citazioni Scopus: 6
Impact Factor: 2.138
Codice WOS: 000341471700003 , Codice SCOPUS: 84905747305
26. Fricano A, Brandolini A, Rossini L, Sourdille P, Wunder J, Effgen S, Hidalgo A, Erba D, Piffanelli P, Salamini F (2014) Crossability of *Triticum urartu* and *Triticum monococcum* wheats, homoeologous recombination and description of a panel of interspecific introgression lines. **G3 (Bethesda)**. Aug 21;4(10):1931-41 doi:10.1534/g3.114.013623
Citazioni WOS: 3, Citazioni Scopus: 5
Impact Factor: 3.198
Codice WOS: 000343928700013 , Codice SCOPUS: 84908394269
27. Pirona R., Vecchiatti A., Lazzari B., Caprera A., Malinverni R., Consolandi C., Severgnini M., De Bellis G., Chietera G., Rossini L, Pozzi C. (2013a) Expression profiling of genes involved in the formation of aroma in two peach genotypes. **Plant Biology**, 15: 443-51 DOI: 10.1111/j.1438-8677.2012.00666.x
Citazioni WOS: 1, Citazioni Scopus: 1
Impact Factor: 2.405
Codice WOS: 000317602900004 , Codice SCOPUS: 84876071678
28. International Peach Genome Initiative, Verde I, Abbott AG, Scalabrin S, Jung S, Shu S, Marroni F, Zhebentyayeva T, Dettori MT, Grimwood J, Cattonaro F, Zuccolo A, Rossini L, Jenkins J, Vendramin E, Meisel LA, Decroocq V, Sosinski B, Prochnik S, Mitros T, Policriti A, Cipriani G, Dondini L, Ficklin S, Goodstein DM, Xuan P, Del Fabbro C, Aramini V, Copetti D, Gonzalez S, Horner DS, Falchi R, Lucas S, Mica E, Maldonado J, Lazzari B, Bielenberg D, Pirona R, Miculan M, Barakat A, Testolin R, Stella A, Tartarini S, Tonutti P, Arús P, Orellana A, Wells C, Main D, Vizzotto G, Silva H, Salamini F, Schmutz J, Morgante M, Rokhsar DS (2013) The high-quality draft genome of peach (*Prunus persica*) identifies unique patterns of genetic diversity, domestication and genome evolution. **Nature Genetics**, 45: 487-94 doi:10.1038/ng.2586
Citazioni WOS: 285, Citazioni Scopus: 311 **VALUTAZIONE VQR = 1 (eccellente)**
Impact Factor: 29.648
Codice WOS: 000318158200009 , Codice SCOPUS: 84878553926
Contributo personale: coordinamento dell'annotazione manuale dei geni coinvolti nei pathway degli aromi e revisione della relativa sezione del manoscritto.
29. Feuillet C, Stein N, Rossini L, Praud S, Mayer K, Schulman A, Eversole K, Appels R (2012) Integrating cereal genomics to support innovation in the Triticeae. **Functional & Integrative Genomics**, 12:573-583, DOI 10.1007/s10142-012-0300-5
Citazioni WOS: 26, Citazioni Scopus: 28
Impact Factor: 3.292
Codice WOS: 000311781700001, Codice SCOPUS: 84877057588
30. Illa E, Eduardo I, Audergon JM, Barale F, Dirlewanger E, Li X, Moing A, Lambert P, Le Dantec L, Gao Z, Poëssel JL, Pozzi C, Rossini L, Vecchiatti A, Arús P, Howad W. (2011) Saturating the *Prunus* (stone fruits) genome with candidate genes for fruit quality. **Molecular Breeding** 28: 667-682. doi: 10.1007/s11032-010-9518-x
Citazioni WOS: 34, Citazioni Scopus: 31 **VALUTAZIONE VQR = 1 (eccellente)**

Impact Factor: 2.852

Codice WOS: 000297173800022, Codice SCOPUS: 81255142662

31. Eduardo I, Chietera G, Bassi D, Rossini L, Vecchiotti A. (2010) Identification of key odor volatile compounds in the essential oil of nine peach accessions. **J Sci Food Agric** 90: 1146–1154. doi: 10.1002/jsfa.3932

Citazioni WOS: 30, Citazioni Scopus: 32

Impact Factor: 1.360

Codice WOS: 000277339400007, Codice SCOPUS: 77951072180

32. Fricano A, Rizza F, Faccioli P, Pagani D, Pavan P, Stella A, Rossini L, Piffanelli P, Cattivelli L. (2009) Genetic Variants of HvCbf14 are Statistically Associated with Frost Tolerance in a European Germplasm Collection of *Hordeum vulgare*. **Theoretical and Applied Genetics** 119: 1335-48. doi: 10.1007/s00122-009-1138-7

Citazioni WOS: 32, Citazioni Scopus: 35, **VALUTAZIONE VQR = 1 (eccellente)**

Impact Factor: 3.363

Codice WOS: 000271029300017 Codice SCOPUS: 73449146698

33. Roig C, Pozzi C, Santi L, Müller J, Wang Y, Stile M R, Rossini L, Stanca M, Salamini F (2004) Genetics of barley *Hooded* suppression. **Genetics** 167: 439–448. DOI: 10.1534/genetics.167.1.439

Citazioni WOS: 9, Citazioni Scopus: 9

Impact Factor: 4.138

Codice WOS: 000221851100036, Codice SCOPUS: 2942558830

34. Pozzi C, Rossini L, Agosti F (2001) Patterns and symmetries in leaf development. **Seminars in Cell and Developmental Biology** 12: 363-372. DOI: 10.1006/scdb.2001.0265

Citazioni WOS: 11, Citazioni Scopus: 11

Impact Factor: 5.537

Codice WOS: 000171115800005, Codice SCOPUS: 0039741733

35. Hall L, Rossini L, Cribb L, Langdale J (1998) GOLDEN2, a novel transcriptional regulator of cellular differentiation in the maize leaf. **Plant Cell**, 10: 925-936. DOI: 10.1105/tpc.10.6.925

Citazioni WOS: 73, Citazioni Scopus: 78

Impact Factor: 11.757

Codice WOS: 000074567500006, Codice SCOPUS: 0032100902

36. Sari Gorla M, Ferrario S, Rossini L, Frova C, Villa M (1993) Developmental expression of glutathione-S-transferase in maize and its possible connection with herbicide tolerance. **Euphytica** 67: 221-230. DOI: 10.1007/BF00040624

Impact Factor: 0.705

Citazioni WOS: 23, Citazioni Scopus: 30

Codice WOS: A1993LU01800007, Codice SCOPUS: 0001597572

PUBBLICAZIONI SU RIVISTE INTERNAZIONALI SENZA IF

37. da Silva Linge C, Chietera G, Pacheco Cruz I, Biffani S, Rossini L, Bassi D (2015) Genetic variability and population structure of peach accessions from MAS.PES germplasm bank. **Acta Horticulturae** 1084: 233-239

ISSN: 05677572

Citazioni Scopus: 0

Codice SCOPUS: 84940373705

38. Scalabrin, S; Policriti, A; Nadalin, F; Pinosio, S; Cattonaro, F; Vendramin, E; Aramini, V; Verde, I; Bassi, D; Pirona, R; Rossini, L; Cipriani, G; Testolin, R; Morgante, M. (2013) A catalog of molecular diversity of *Prunus* germplasm gathered from aligning NGS reads to the peach reference sequence: bioinformatic approaches and challenges. **Acta Horticulturae** 976: 169-176

ISSN: 05677572

Citazioni Scopus: 1

Codice SCOPUS: 84879103675

39. Da Silva Linge C, Pacheco I, Fricano A, Chietera G, Rossini L, Bassi D. (2011) Assessing genetic diversity in peach by AFLP and SSR markers. **Minerva Biotecnologica**, VOL. 23 - SUPPL 1 to No. 2 - JUNE 2011

ISSN: 1827-160X

Citazioni Scopus: 1

Codice SCOPUS: 84893770409

40. Ciannamea S, Osnato M, Miatton E, Salamini F, Druka A, Meynard E, Guiderdoni E, Pozzi C, Rossini L (2010) Candidate gene and reverse genetics approaches for the analysis of development in barley. In Proceedings of the 10th International Barley Genetics Symposium, 5-10 April 2008, Alexandria, Egypt. Ceccarelli S and Grandó S (eds). Pp 142-145.

ISBN 92-9127-246-9

41. Rossini L, Frova C, Pe ME, Sari-Gorla M (1995) Molecular analysis and mapping of *gst* genes. Maize Genetics Cooperation Newsletter 69: 101

Citazioni WOS: 0

Accession n CABI:19961606999

42. Gorla MS, Ferrario S, Rossini L, Frova C (1993) Genetic variability of maize GST and relation to herbicide tolerance. Maize Genetics Cooperation Newsletter 167: 79

Citazioni WOS: 0

Accession n CABI:19941606398

CAPITOLI DI LIBRI A DIFFUSIONE INTERNAZIONALE

43. Rossini L, Okagaki R, Druka A, Muehlbauer GJ (2014) Shoot and inflorescence architecture. In Biotechnological Approaches to Barley Improvement. Biotechnology in Agriculture and Forestry Volume 69. Stein N and Kumlehn J Eds. Pp 55-80 (14 October 2014) DOI 10.1007/978-3-662-44406-1_4

eBook ISBN: 978-3-662-44406-1, Hardcover ISBN: 978-3-662-44405-4

Citazioni WOS: 0

Codice WOS:000357814600005

44. Pozzi C, Rossini L, Vecchiotti A, Salamini F (2004) Gene and genome changes during domestication of cereals. In PK Gupta e RK Varshney (eds) "Cereal genomics" Kluwer Academic Publishers, Dordrecht (NL) p. 165-198. DOI: 10.1007/1-4020-2359-6_7

ISBN: 978-140202358-3

Citazioni Scopus: 13

Codice SCOPUS: 84919868379

45. Pozzi C, Rossini L, Santi L, Stile MR, Nicoloso L, Barale F, Vandoni D, Decimo I, Roig C, Faccioli P, Terzi V, Wang Y, Salamini F (2003) Molecular genetics of barley development: from genetics to genomics. In: C Marè, P Faccioli, AM Stanca (eds) "From biodiversity to genomics: breeding strategies for small grain cereals in the third millennium - Proceedings of EUCARPIA 2002 Cereal section meeting", Experimental Institute for Cereal Research, Fiorenzuola d'Arda (PC), pp. 463-466.
46. Frova C, Sari Gorla M, Pè ME, Greenland AJ, Jepson I, Rossini L (1997) Role of the different GST isozymes of maize in herbicide tolerance: genetic and biochemical analysis. In: KK Hatzios (ed.) "Regulation of Enzymatic Systems Detoxifying Xenobiotics in Plants", Kluwer Academic Publishers, Dordrecht (NL) p. 171-181.
- ISBN: 0-7923-4646-7
- Citazioni WOS: 2
- Codice WOS: 000072281500013

PUBBLICAZIONI A DIFFUSIONE NAZIONALE

47. Dondini L, Vendramin E, Pea G, Pacheco I, Dettori MT, Gazza L, Scalabrin S, Strozzi F, Tartarini S, Bassi D, Verde I, Rossini L (2014) *L'origine delle nettarine nella mutazione di un singolo gene MYB*, «RIVISTA DI FRUTTICOLTURA E DI ORTOFLORICOLTURA», 7-8, pp 48 - 51 [articolo] ISSN 0392-954X
48. Ederle D, Rossini L, Verde I (2013) Pesco: un genoma made in Italy. *Intersezioni* 4 Settembre 2013. ISSN 2280-689X
49. Bassi D, Dondini L, Foschi S, Rossini L, Tartarini S (2012) Il progetto "Maspe" per il miglioramento varietale di albicocco e pesco. In: RIVISTA DI FRUTTICOLTURA E DI ORTOFLORICOLTURA, n 7-8, pp 28-34 - ISSN 0392-954X
50. Lo Pinto M, Marocco A, Rossini L, Villa D, De Poli P, Cangelli P (2012) Il breeding nella prevenzione contro Fusarium. *Intersezioni* 14 Marzo 2012. ISSN 2280-689X
51. Eduardo I, Chietera G, Bassi D, Rossini L, Vecchietti A. (2010) Identificazione di composti volatili nel frutto di alcune accessioni di pesco. In: RIVISTA DI FRUTTICOLTURA E DI ORTOFLORICOLTURA. 72:10(2010 Oct), pp. 46-54. ISSN 0392-954X
52. Rossini L, Pozzi C, Salamini F (2006) Varietà OGM e sostenibilità ambientale dell'agricoltura. *Atti dei Convegni Lincei 229 – Biotecnologie e produzione vegetale*. ISBN 88-218-0965-X. pp 61-70
53. Pozzi C, Rossini L (2000) Foglie e ali: così uguali, così diverse. *Le Scienze* (edizione italiana di Scientific American), 388: 96-103. Ripubblicato nel 2002 sui seguenti Quaderni de Le Scienze: L'evoluzione (n. 124) e Biologia dello sviluppo (n. 126). EDITORE LE SCIENZE, MILANO. DICEMBRE 2000. ISSN: 0036-8083.

**LR è autrice di oltre 70 comunicazioni a congressi internazionali e nazionali.
PARTECIPAZIONE A PROGETTI DI RICERCA FINANZIATI**

Nella posizione attuale Laura Rossini è stata direttamente responsabile della gestione di oltre 560.000 € di finanziamenti per attività di ricerca presso l'Università degli Studi di Milano; è stata inoltre coinvolta nell'amministrazione di diversi progetti nazionali e internazionali nel quadro della collaborazione con il PTP⁽¹⁾. Di seguito sono riportati i progetti di ricerca finanziati con indicazione del ruolo ricoperto.

Ente finanziatore, bando	Titolo progetto [durata]	Ruolo
MIUR, ERANET+ FACCE SURPLUS	BarPLUS: modifying canopy architecture and photosynthesis to maximize barley biomass and yield for different end-uses [2016-2019] https://barplus.wordpress.com/	Responsabile scientifico UO DiSAA, WP leader
Fondazione Cariplo, Bando CERES	BIOSORG - Diversifying and optimizing biomass sorghum value chains for Mediterranean and Semi-arid environments: an integrative approach merging biological sciences, biomaterial development and socio economic assessment Project ID #: FC 2013-1890 [2014-2017]	Principal Investigator del partenariato Italiano
Progetto sviluppo DiSAA (linea B)	Approcci genetici, genomici e biochimici per la dissezione di parametri di qualità del frutto in pesco [2014-2015]	Responsabile Scientifico
MIPAAF, bando ERANET+ FACCE JPI	An integrated approach to evaluate and utilise genetic diversity for breeding climate-resilient barley - CLIMBAR [2014-2017] https://www.faccejpi.com/FACCE-Joint-activities/ERA-NET-Plus-on-Climate-Smart-Agriculture/ClimBar	Responsabile Scientifico UO UNIMI
Commissione Europea 7° Programma Quadro	WHEALBI, Wheat and barley Legacy for Breeding Improvement, collaborative project GA n. 613556 [2014-2018] www.whealbi.eu	Referente Scientifico per PTP* Leader del Task di risequenziamento dell'esoma di una ampia collezione di accessioni di orzo
Commissione Europea, 7° Programma Quadro	FruitBreedomics, large-scale integrating project GA n. 265582 [2011-2015] www.fruitbreedomics.com	Referente Scientifico per PTP*
MIUR, Bando PON	IT-Citrus genomics [2010-2013]	Referente Scientifico per PTP*
Commissione Europea, 7° Programma Quadro	TriticeaeGenome, large collaborative project GA n. 212019 [2008-2012] www.triticeaegenome.eu	Responsabile Scientifico UO UNIMI e leader WP - Gene isolation and new allele discovery
Parco Tecnologico Padano ⁽¹⁾	Coordinamento scientifico delle attività di ricerca e studio di soluzioni per problemi di genomica vegetale [2008-2011, 2011-2014, 2016-2019]	Responsabile Scientifico
MIPAAF	DRUPOMICS [2009-2011]	Partecipante
UNIMI, PUR 2008	Identificazione di mutazioni in geni candidati per lo sviluppo dell'infiorescenza in orzo (<i>Hordeum vulgare</i>) mediante TILLING	Responsabile Scientifico UO UNIMI
UNIMI, FIRST 2007	Mappatura ad alta risoluzione di <i>uniculm4</i> , un locus coinvolto nell'accestimento in orzo (<i>H. vulgare</i>)	Responsabile Scientifico
MIUR, bando PRIN 2005	Approcci di genomica comparativa per l'identificazione di geni candidati per il controllo dello sviluppo in orzo (<i>Hordeum vulgare</i>) [2006-2008]	Responsabile Scientifico UR UNIMI-DiProVe (2005078514_002)
MIUR, DECRETO 10/05/2000 - Impiego del Fondo speciale per lo sviluppo della ricerca di interesse strategico (art. 51, comma 9, legge 27/12/1997, n. 449)	Indicatori di qualità e miglioramento del processo produttivo di drupacee e melo mediante metodologie genomiche innovative [2002-2005]	Partecipante UR UNIMI-DiProVe (Resp. F. Salamini)
MIUR, bando FIRB 2001	Sistemi di diagnostica molecolare per l'identificazione e l'analisi di determinanti genetici di rilevanza per l'agroindustria, la zootecnica e l'ambiente [2002-2005]	Partecipante UR UNIMI-DiProVe (RBNE01SFX_Y_007, Resp. D. Bassi)
MIUR, bando PRIN 2002	Approcci di genomica funzionale allo studio della biogenesi degli aromi in pesco (<i>Prunus persica</i>) [2002-2005]	Partecipante UR UNIMI-DiProVe (2002072248_003, Resp. D. Bassi)
MIUR, bando FIRB 2001	Costruzione di mappe funzionali densamente saturate in mais e orzo - FUNCTIONMAP [2002-2005]	Partecipante UR UNIMI-DiProVe (RBAU01MHRM_002, Resp. F. Salamini)
MIUR, bando PRIN 2001	Valutazione del grado di cosegregazione fra fattori trascrizionali e mutanti dello sviluppo di orzo [2001-2004]	Partecipante UR UNIMI-DiProVe (2001077931_001, Resp. F. Salamini)
MIUR, CofinLab	Centro di Eccellenza <i>Centro Interdisciplinare Studi Bio-molecolari e Applicazioni Industriali (CISI)</i> [2001-2004]	Partecipante (Anno 2000 - prot. CE00151344)
MIUR, bando PRIN 1998	Mutanti dello sviluppo nelle piante coltivate come mezzo per clonare geni vegetali di rilevante interesse biotecnologico [1998-2001]	Partecipante UR UNIMI-DiProVe (9807150638_003, Resp. F. Salamini)

* Nel quadro della convenzione di ricerca PTP - Università di Milano⁽¹⁾

PARTECIPAZIONE A INIZIATIVE INTERNAZIONALI

- BarleyGenomeNet, <http://pgrc.ipk-gatersleben.de/barleynet/>
- European Triticeae Genomics Initiative, <http://pgrc.ipk-gatersleben.de/etgi/>
- COST action Tritigen FA0604

- Segreteria European Rosaceae Genomics Initiative
- International Peach Genome Initiative

RESPONSABILITA' DI ASSEGNATI DI RICERCA

Nome assegnista	Tipo	Durata	Titolo progetto
Salar Shaaf	B	12 mesi	"Approcci integrati per l'analisi genetico-molecolare di caratteri morfologici in orzo"
Noemi Trabanco	B	12 mesi	"ClimBar - An integrated approach to evaluate and utilise genetic diversity for breeding climate-resilient barley"
Vittoria Brambilla	B	12 mesi	"An integrated approach to evaluate and utilise genetic diversity for breeding climate-resilient barley – CLIMBAR"
Elahe Tavakol	A	48 mesi	"Interazioni fra plasticità di sviluppo e adattamento a stress abiotici nei cereali"
Elahe Tavakol	B	18 mesi + 21 mesi (rinnovo)	"TriticeaeGenome – Genomics for Triticeae improvement. Sottotitolo: mappatura ad alta risoluzione e clonazione per posizione di unicum4, un gene coinvolto nell'accettamento in orzo"

VALUTAZIONE DI PROGETTI PER BANDI COMPETITIVI

Valutatrice per il bando BARD - The US-Israel Agricultural Research & Development Fund, 2014

RICONOSCIMENTI PROFESSIONALI

- **Abilitazione scientifica nazionale settore 07/E1 II fascia** (tornata 2013, validità Dal 27/11/2014 al 27/11/2020)
- **Membro del board del convegno 9th Plant Genomics European Meeting (Plant GEM)**, Istanbul, 4-8 Maggio 2011
- **Socio Società Italiana di Genetica Agraria** (http://geneticagraria.it/soci.asp?a_pag=2)
- **Borsa di studio post-dottorato long-term (biennale) della European Molecular Biology Organization (EMBO)**, 1997-1999
- **Borsa di studio biennale dell'Accademia Nazionale dei Lincei**, fondazione "Valeria Vincenzo Landi" per il perfezionamento in genetica agraria presso laboratori stranieri, 1999-2000
- **Borsa di studio per l'estero CNR** (attribuita nel 1999 ma non fruita)
- **Membro della Genetical Society (UK)**: 1997-2000
- Attività di **referee** per le seguenti riviste ISI:
Theoretical and Applied Genetics, Molecular Breeding, Planta, BMC Plant Biology, Plant Molecular Biology, Annals of Botany, PlosOne, Functional and Integrative Genomics, , PLOS Genetics, Archives of Agronomy and Soil Science, Tree Genetics & Genomes, Biology.

SEMINARI SU INVITO E COMUNICAZIONI ORALI A CONGRESSI

Genomic approaches for genetic dissection and improvement of fruit quality traits in peach, Winter Evolutionary Biology/Genetics Colloquium, Institut für Biochemie und Biologie, Universität Potsdam (DE), 21 novembre 2016

Genomic approaches for dissection and improvement of fruit quality traits in peach. Department of Genetics and Biochemistry, Clemson University (USA), 20 novembre 2015

Innovazione biotecnologica in agricoltura. 2° Workshop sulle Filiere della Chimica "Soddisfare le esigenze del mercato: le innovazioni lungo la Filiera Chimico-Agro-Alimentare", Federchimica, Milano, 20 aprile 2015. http://www.federchimica.it/DALEGGERE/Eventi/interventiconvegno_0415_wsagricoltura

The major photoperiod response gene Ppd-H1 affects leaf size and phyllochron in barley. Plant and Animal Genome conference XXIII, San Diego (USA) 10-14 Jan 2015
<https://pag.confex.com/pag/xxiii/webprogram/Paper15407.html>

Genetics of tillering, Bayer Crop Science, Ghent (BE), 8 Settembre 2014

Genetics of tillering mutants. 1st International Workshop on Barley Mutant Research, IPK Gatersleben (DE), June 27-28, 2014 <http://meetings.ipk-gatersleben.de/bmws2014/program.php>

Forward and reverse genetic approaches for characterization of tillering genes in cereals. CRA, Fiorenzuola d'Arda (PC), 17 Dicembre 2012

- Manipulation of Plant architecture: from domestication to modern breeding. Scuola di dottorato CIB Risorse genetiche e fisiologia per una produzione sostenibile in agricoltura, 27 Giugno 2008
- Candidate gene and functional genomics approaches for the molecular dissection of barley development. Workshop COST action FA0604 Tritigen, 1-3 Oct 2007, Puerto de la Cruz, Tenerife (Spain)
- Cross-talk between hormones and transcription factors in plants. Relazione su invito nell'ambito del SIGA symposium on "From Arabidopsis to crops". Proceedings of the 51st Italian Society of Agricultural Genetics Annual Congress Riva del Garda, Italy – 23/26 September, 2007 ISBN 978-88-900622-7-8. Oral Communication – 6.03 http://www.geneticagraria.it/attachment/SIGA_2007/6_03.pdf
- Approcci di genomica comparativa per l'identificazione di geni candidati per il controllo dello sviluppo in orzo. Istituto Sperimentale per la Cerealicoltura, Fiorenzuola d'Arda (PC), 25 Mag 2005
- Genomica, sintenia e genomica funzionale nei cereali. III Corso Estivo di Approfondimento sulla genetica Vegetale, Pacognano (NA), 22 Giugno 2004
- La mappatura dei genomi vegetali e le sue applicazioni. Relazione nell'ambito del seminario "Biotecnologie e prospettive nel miglioramento vegetale", Polo per la Qualificazione del sistema Agro-Industriale (A&Q), Milano, 26 Febbraio 2003
- Il gene G2 di mais definisce una nuova famiglia di regolatori trascrizionali nelle piante superiori. Seminario su invito, Dipartimento di genetica e Biologia Molecolare, Università la Sapienza, Roma, 29 Gennaio 1999
- Ruolo di Golden 2 nel differenziamento cellulare e fotosintetico della foglia di *Z. mays*. Seminario su invito, Dipartimento di Genetica e Biologia dei Microrganismi, Università di Milano, 20 Ottobre 1997
- Golden 2: a novel transcriptional regulator of photosynthetic cell differentiation in the maize leaf. Promega Young Geneticists Competition. John Innes Centre, Norwich (UK), 17 Settembre 1997
- Bundle Sheath Defective 1, a transcription factor essential for C4 photosynthetic development. 39th Annual Maize Genetics Conference, Clearwater Beach, Florida (USA), 16 Marzo 1997
- Genetic basis of the evolution of herbicide tolerance in plants. Seminario su invito, INRA, Versailles (Francia), 26 Apr 1996
- Molecular analysis and mapping of two genes encoding maize glutathione S-transferases. Seminario su invito, Dipartimento di Fisiologia Vegetale, Free University of Berlin (Germania), 21 Nov 1994

ATTIVITA' DI DIDATTICA, DI DIDATTICA INTEGRATIVA E DI SERVIZIO AGLI STUDENTI

Laura Rossini ha un'esperienza oltre ventennale nell'insegnamento della genetica, maturata fin dal dottorato con la conduzione di esercitazioni e tutorials nell'ambito di insegnamenti di genetica e la supervisione operativa di numerosi laureandi, sia in Italia che in UK. A partire dalla sua entrata in servizio come ricercatore nel 2000, ha svolto una continuativa e intensa attività didattica come docente responsabile di diversi insegnamenti di genetica, miglioramento e biotecnologie vegetali per corsi di laurea triennali e magistrali, master e dottorato di ricerca. Ha supervisionato numerosi dottorandi e laureandi in veste di relatore e correlatore.

ATTIVITA' DI DIDATTICA FRONTALE

Discipline tenute come affidamento o professore aggregato nell'ambito di corsi istituzionali dell'Università degli Studi di Milano, Facoltà di Agraria.

Disciplina (CFU)	Corso di Laurea	A.A.
<i>Genetica agraria e miglioramento</i> (6 CFU)	CdL triennale Protezione delle piante (G14)	2001-2002 2002-2003 2003-2004 2004-2005 2005-2006 2006-2007 2007-2008 2008-2009
<i>Biologia generale e Genetica – Mod II: Genetica</i> (5 CFU, mutuato sul precedente)	CdL triennale Produzione vegetale (G13)	2001-2002 2002-2003 2003-2004 2004-2005 2005-2006 2006-2007 2007-2008 2008-2009
<i>Genetica Agraria</i> (4 CFU, mutuato sui precedenti due corsi)	CdL triennale Scienza della Produzione e Trasformazione del Latte	2001-2002 2002-2003 2003-2004
<i>Coltivazioni erbacee – MOD 2: miglioramento genetico applicato alle coltivazioni erbacee</i> (1 CFU)	CdL triennale Produzione Vegetale (G13)	2005-2006 2006-2007 2007-2008 2008-2009 2009-2010
<i>Genetica e miglioramento genetico – MOD 1: genetica agraria</i> (5 CFU)	CdL triennale Produzione e protezione delle piante e dei sistemi del verde (G27)	2009-2010 2010-2011 2011-2012 2012-2013 2013-2014 2014-2015
<i>Genetica Agraria</i> (8 CFU)	CdL triennale Produzione e protezione delle piante e dei sistemi del verde (G27)	2015-2016 2016-2017
<i>Sviluppo della Pianta e Biotecnologie</i> (6 CFU)	CdL Magistrale in Biotecnologie vegetali, alimentari e agro-ambientali (LM-7)	2013-2014 2014-2015 2015-2016 2016-2017

AA 2001-02, 2002-03

Docente del corso teorico-pratico *Produzione e controllo di novità vegetali – Mod. II Metodi di produzione degli OGM (38 ore)*

Master di I Livello in *Esperto nel Monitoraggio e Valutazione di Geni e Transgeni in Matrici Ambientali e Alimentari*, Università degli Studi di Milano

ATTIVITA' DI DIDATTICA INTEGRATIVA

Esercitazioni

1993 -1995
AA 2000-01

Esercitazioni per il corso di **Genetica**, CdL in Scienze Naturali
Università degli Studi di Milano

Esercitazioni per il corso di **Genetica**, CdL quinquennale in Biotecnologie
Università degli Studi di Milano

Lezioni

1997

Lezioni individuali (**tutorials**) in **Genetica e Biologia Molecolare**
studenti laureandi in Scienze Biologiche
University of Oxford (UK)

20 Set 2002

Titolo: **Produzione di piante transgeniche** nell'ambito del Corso FSE di
Formazione per Insegnanti di Scuola Media Superiore *Biotecnologie
applicate al settore agro-alimentare*, Lodi.

SUPERVISIONE DI LAUREANDI COME RELATORE DI TESI DI LAUREA

Nome studente	Corso di Laurea	A.A.	Titolo tesi
Daniele Vandoni	Biotechnologie Agrarie e Vegetali (quinquennale)	2001-2002	Strategie integrate per l'isolamento e la caratterizzazione di geni in orzo
Ilaria Decimo	Biotechnologie Agrarie e Vegetali (quinquennale)	2001-2002	Isolamento e analisi dell'espressione di Barley rough sheath2 (Brs2), un gene di orzo appartenente alla classe dei fattori trascrizionali MYB
Francesca Barale	Biotechnologie Agrarie e Vegetali (quinquennale)	2002-2003	Approcci genetico-molecolari applicati allo studio dei processi di ramificazione in orzo (<i>H. vulgare</i>)
Paolo Riccardi	Biotechnologie Agrarie (triennale)	2003-2004	Valutazione del pattern di espressione genica fra piante di frumento wild-type e geneticamente modificate tramite l'uso della tecnologia dei chip a DNA
Roberta D'Ippolito	Biotechnologie Agrarie e Vegetali (triennale)	2004-2005	Tecniche per la sintesi di una "Bacterial Artificial Chromosome library" ad alto peso molecolare (HMW) di frumento duro (<i>Triticum durum</i>)
Paolo Riccardi	Biotechnologie Vegetali, Alimentari e Agroambientali (magistrale)	2004-2005	Caratterizzazione molecolare di BGRF (Barley Growth Regulating Factor) e BBR (Barley B Recombinant) due putativi regolatori del gene Homeobox di orzo <i>Bkn3</i>
Stefano Occhi	Produzione Vegetale (triennale)	2006-2007	Caratterizzazione di piante di riso sovraesprimenti BAPL, un regolatore del gene homeobox <i>Bkn3</i> di orzo
Marco Baino	Biotechnologie Vegetali, Alimentari e Agroambientali (magistrale)	2006-2007	Utilizzo di marcatori molecolari per la selezione di genotipi di riso (<i>Oryza sativa</i> L.) resistenti al brusone (agente causale <i>Pyricularia grisea</i> (Cooke) Sacc.)
Emma Miatton	Biotechnologie Vegetali, Alimentari e Agroambientali (magistrale)	2006-2007	Identificazione e validazione di geni candidati per il controllo dello sviluppo della spiga in orzo
Gabriele Verderio	Biotechnologie Vegetali, Alimentari e Agroambientali (magistrale)	2009-2010	Mappatura ad alta risoluzione di <i>uniculme4</i> , un mutante coinvolto nell'accestimento in orzo (<i>Hordeum vulgare</i>)
Marcello Valdameri*	Biotechnologie per l'Industria e per l'Ambiente (magistrale)	2009-2010	Mappatura di QTL per data di maturazione e pezzatura del frutto di pesco [<i>Prunus persica</i> (L.) Batsch]
Elena Audia*	Biotechnologie del farmaco (magistrale)	2011-2012	Selezione della linea di <i>Nicotiana benthamiana</i> omozigote e monoinserzionale esprime la proteina ricombinante umana NGF
Elena Mazzoleni	Produzione vegetale (triennale)	2012-2013	Riproduzione e descrizione di una collezione di mutanti morfologici di orzo (<i>Hordeum vulgare</i>)
Gianluca Bretani	Biotechnologie vegetali, alimentari e agro-ambientali (magistrale)	2013-2014	Enzymatic hydrolysis of lignocellulosic biomass for the production of second generation bioethanol: a genome-wide association mapping study in European winter barley
Marta Binaghi	Produzione e Protezione delle Piante e dei Sistemi del Verde (triennale)	2013-2014	Caratterizzazione di <i>uniculme4</i> , un mutante dell'accestimento in orzo (<i>Hordeum vulgare</i> L.)
Elia Cammarata	Produzione e Protezione delle Piante e dei Sistemi del Verde (triennale)	2013-2014	Analisi genetica del carattere ornamentale "fiore doppio" in una progenie segregante di pesco (<i>Prunus persica</i> L. Batsch)
Cecilia Bertone	Produzione e Protezione delle Piante e dei Sistemi del Verde (triennale)	2014-2015	Analisi fenotipica di una popolazione di validazione di riso per l'adattamento alla coltivazione aerobica
Silvia Ribolzi	Produzione e Protezione delle Piante e dei Sistemi del Verde (triennale)	2014-2015	Validazioni di marcatori molecolari associati alla data di maturazione del frutto in <i>Prunus persica</i> (L.) Batsch.
Beatrice Rivolta	Produzione e Protezione delle Piante e dei Sistemi del Verde (triennale)	2014-2015	Mappatura genetica e identificazione di un gene candidato per un locus dominante responsabile della petaloidia in pesco (<i>Prunus persica</i> (L.) Batsch)
Irene Maria Fontana	Scienze e tecnologie agrarie (triennale)	2014-2015	Caratterizzazione molecolare di due mutanti dell'architettura della pianta e dell'infiorescenza in orzo (<i>Hordeum vulgare</i> L.)
Martina Balboni	Biotechnologie vegetali, alimentari e agro-ambientali (magistrale)	2014-2015	Analisi genomiche e di espressione di geni candidati per il trasporto degli zuccheri e la composizione della parete cellulare in sorgo (<i>Sorghum bicolor</i>)
Stefano Manduzio	Biotechnologie vegetali, alimentari e agro-ambientali (magistrale)	2015-2016	Characterization of two cell wall proteins isolated from the resurrection plant <i>C. plantagineum</i>
Marta Binaghi	Biotechnologie vegetali, alimentari e agro-ambientali (magistrale)	2015-2016	Functional analysis of two cell wall related genes potentially involved in <i>A. thaliana</i> sepal morphogenesis
Valeria Girlando	Agrotecnologie per l'ambiente e il territorio (triennale)	2015-2016	Valutazione della diversità genetica per caratteri agronomici in una collezione di varietà di orzo (<i>Hordeum vulgare</i>)

*In veste di correlatore

DOTTORATO

Dottorato in Biologia Vegetale e Produttività della Pianta Coltivata, UNIMI

- Dal 2003, Membro collegio docenti
- Docente del corso teorico-pratico *Espressione e purificazione di proteine ricombinanti*. AA 2003-04
- Membro della commissione per l'ammissione alla Scuola di dottorato in Scienze molecolari e biotecnologie agrarie, alimentari ed ambientali, XVII ciclo.

Dottorato in Agricoltura, Ambiente e Bioenergia, UNIMI

- Dal 2013, Membro del collegio docenti
- Membro della commissione per l'ammissione al Dottorato in Agricoltura, Ambiente e Bioenergia, XXX ciclo
- Docente del seminario "Genomic approaches for genetic dissection and improvement of fruit quality traits in peach", 8 Aprile 2016

Membro della commissione di valutazione finale dei seguenti dottorati:

- Università degli Studi della Tuscia – Dottorato di Ricerca in Ortoflorofrutticoltura (Luglio 2015)
- Università degli Studi di Milano – Dottorato in Biologia Vegetale e Produttività della Pianta Coltivata (Dicembre 2015)
- Università degli Studi di Sassari - Scuola di dottorato di ricerca in Scienze e Biotecnologie dei sistemi agrari e forestali e delle produzioni alimentari - Indirizzo in Produttività delle piante coltivate (Febbraio 2016)
- Membro della commissione finale di Dottorato, Università di Potsdam, Germania (Novembre 2016)

SUPERVISIONE DI DOTTORANDI

Nome dottorando	Ruolo di supervisione	Ciclo	Titolo tesi	Status
Michela Osnato*	Co-tutor	XIX	Caratterizzazione molecolare di putativi fattori regolatori di Bkn3, un gene omeobox di orzo coinvolto nell'attività meristemica	Difesa Aprile 2007
Francesca Barale*	Tutor	XIX	Costruzione di una mappa funzionale in pesco (<i>Prunus persica</i>)	Difesa Gennaio 2008
Serena Curiale*	Tutor	XXII	Functional characterization of factors regulating the barley homeobox gene <i>Bkn3</i>	Difesa Gennaio 2010
Igor Pacheco Cruz*	Co-tutor	XXIII	Brown rot resistance in peach: a genomics approach	Difesa Dicembre 2010
Agostino Fricano*	Tutor	XXIV	Constructing a panel of introgression lines of <i>T. urartu</i> ID388 in <i>T. monococcum</i> L118 as tool to identify QTLs for micronutrient content	Difesa Gennaio 2012
Elisa Biazzini*	Tutor	XXIV	Molecular and functional characterization of genes involved in saponin biosynthesis in <i>Medicago</i> spp.	Difesa Gennaio 2012
Cassia Da Silva*	Co-tutor	XXIV	Fruit weight in peach: assessing the genetic potential through phenotypic and genomic tools	Difesa Luglio 2012
Nader El Badry*	Tutor	XXV	Association genetics approaches for the identification of genes associated to barley agronomic traits in a Mediterranean environment	Difesa Gennaio 2013
Ahmed Hussien*	Tutor	XXVI	Forward and reverse genetic approaches for characterization of tillering genes in cereals	Difesa Gennaio 2014
Gabriele Verderio*	Tutor	XXVII	Genetic dissection of developmental traits in barley (<i>Hordeum vulgare</i>)	Difesa Gennaio 2015
Angelo Ciacciulli↕	Co-tutor	XXX	Genomics of peach fruit resistance to brown rot	In corso
Gianluca Bretani↕	Tutor	XXXI	Caratterizzazione genomica e fenotipica di risorse genetiche di orzo per caratteri morfologici	In corso

*Dottorato in Biologia Vegetale e Produttività della Pianta Coltivata

↕Dottorato in Agricoltura, Ambiente e Bioenergia

ATTIVITA' DI INTERNAZIONALIZZAZIONE DELLA DIDATTICA

Laura Rossini è stata promotrice insieme al Prof. Bassi dell'entrata di UNIMI nel progetto di mobilità internazionale **Erasmus Mundus BRAVE**, un consorzio EU-India sul tema "Plant Virology in the new era Breeding for resistance" che coinvolge la mobilità e la formazione di studenti e giovani ricercatori a vari livelli di formazione provenienti da Università Indiane presso laboratori Europei. Laura Rossini ha supervisionato l'attività di ricerca di Avinalappa Hotti, un visiting PhD student Indiano, per un periodo di 15 mesi.

Laura Rossini è stata inoltre responsabile per UNIMI di un accordo bilaterale **Erasmus Lifelong Learning Programme con Sabanci University**, Turchia (AA 2009-2010).

ATTIVITA' ISTITUZIONALI, ORGANIZZATIVE E DI SERVIZIO

Laura Rossini ha dimostrato un costante impegno in attività organizzative e di servizio, a livello istituzionale, nonché in termini di supporto alle attività di colleghi, e l'organizzazione di eventi scientifici e culturali, in termini di attività legate alla divulgazione delle scienze verso il pubblico e le scuole.

1994-1995	Rappresentante dei dottorandi presso il Consiglio del Dipartimento di Genetica e Biologia dei Microrganismi, Università di Milano,
1998-2000	Membro del Comitato del Contract Research Staff (post-doc), Department of Plant Sciences, Università di Oxford (UK),
1998-2000	Membro del Comitato di Sicurezza , Department of Plant Sciences, University of Oxford (UK),
2000-2005	Responsabile del laboratorio radioisotopi della Sezione di Coltivazioni Arboree del DiProVe,
2000 – oggi 2002	Membro di diverse commissioni per la selezione di assegnisti di ricerca Curatrice del CD-ROM contenente il materiale didattico del corso FSE di Formazione per Insegnanti di Scuola Media Superiore <i>Biotechnologie applicate al settore agro-alimentare</i> , Lodi,
2011	Membro della commissione per l'ammissione alla Scuola di dottorato in Scienze molecolari e biotecnologie agrarie, alimentari ed ambientali, XVII ciclo.
2012-oggi 2014	Membro della Giunta del DiSAA Membro della commissione per l'ammissione al Dottorato in Agricoltura, Ambiente e Bioenergia, XXX ciclo
2015	Membro della commissione giudicatrice per il conseguimento del Dottorato in Ortoflorofrutticoltura , Università degli Studi della Tuscia.
2015	Membro della commissione di selezione di studenti tutor per il progetto Erasmus Mundus BRAVE (bando per una collaborazione all'attività di tutorato didattico-integrativo per gli studenti della laurea magistrale in Scienze della Produzione e Protezione delle Piante)

ATTIVITA' DI DIVULGAZIONE E COMUNICAZIONE SCIENTIFICA AL PUBBLICO

2015, Progetto MIPAAF Un EXPO per tutti (Dipartimento Scienze Agrarie e Ambientali, Università degli Studi di Milano, Maggio – Ottobre 2015) – Responsabile del laboratorio Cereali & Co.

24 Mag 2014, Fascination of Plants Day, laboratori per bambini e famiglie sui cereali e i pigmenti vegetali, Orto Botanico di Cascina Rosa, Università degli Studi di Milano
<http://reteortibotanicilombardia.it/2014/03/16/fascination-of-plants-day/>

2013, Attività di comunicazione scientifica presso la Scuola Primaria Scarpa, Milano

18 Mag 2013, Fascination of Plants Day, Attività di divulgazione al pubblico sui cereali, Facoltà di Agraria, Milano

28 Set 2012, Presentazione all'evento "Parole di donne - Dialoghi con donne di scienza" nell'ambito della Notte dei Ricercatori, Lodi

5 Mag 2005, Intervento su invito al dibattito da titolo: Natura o tecnica? I confini dello sviluppo. L'officina dei saperi, un'iniziativa organizzata da Pier Lombardo Culture presso il Teatro Franco Parenti (Milano).

3 Mag 2005, Titolo: Che cos'è la genetica?
Relazione su invito nell'ambito di L'officina dei saperi, un'iniziativa organizzata da Pier Lombardo Culture presso il Teatro Franco Parenti (Milano).

15 Mag 2003, Titolo: Esperienze di una genetista in erba.

Sala Maddalena, Monza (MI)

Intervento su invito per Scienza Under 18, un'iniziativa volta alla diffusione della cultura scientifica fra gli adolescenti, promossa in collaborazione da una rete di scuole di Monza e dal Museo di Scienza e Tecnologia di Milano, con il patrocinio del Centro Scolastico Regionale della Lombardia e del Ministero della Pubblica Istruzione.

Data

07/05/2017

Luogo

MILANO