



**AL MAGNIFICO RETTORE
DELL'UNIVERSITA' DEGLI STUDI DI MILANO**

COD. ID: 6601

Il sottoscritto chiede di essere ammesso a partecipare alla selezione pubblica, per titoli ed esami, per il conferimento di un assegno di ricerca presso il Dipartimento di Bioscienze.

Responsabile scientifico: Giovanni Bertoni .

Silvia Paparoni

CURRICULUM VITAE

INFORMAZIONI PERSONALI

Cognome	Paparoni
Nome	Silvia

OCCUPAZIONE ATTUALE

Incarico	Struttura

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Titolo	Corso di studi	Università	anno conseguimento titolo
Laurea Magistrale o equivalente	Biologia molecolare e applicata	Università politecnica delle Marche	2024

ISCRIZIONE AD ORDINI PROFESSIONALI

Data iscrizione	Ordine	Città



LINGUE STRANIERE CONOSCIUTE

lingue	livello di conoscenza
Inglese	B1

ATTIVITÀ DI FORMAZIONE O DI RICERCA

- **Internato di Tesi** presso la SOSD Virologia dell' Azienda Ospedaliero Universitaria delle Marche (AOU) di Ancona, da Gennaio 2023 a Febbraio 2024.

Titolo Tesi: "Analisi filogenetica e caratterizzazione molecolare delle varianti di SARS-CoV-2 circolanti nel 2023 nella regione Marche".

Lo studio è stato svolto in concomitanza con il programma di monitoraggio mensile (*Flash Survey*) delle varianti di SARS-CoV-2 avviato dall'Istituto Superiore di Sanità (ISS). Lo scopo dello studio è stato quello di sequenziare, mediante *Next Generation Sequencing* (NGS), i campioni di SARS-CoV-2 con il fine di caratterizzare le varianti virali che hanno circolato nella regione Marche nel 2023, sia da un punto di vista filogenetico che molecolare.

Principali attività svolte: Sequenziamento *Whole-Genome*, *Next Generation Sequencing* (Illumina); analisi filogenetiche; tipizzazione di virus respiratori mediante qPCR; mantenimento colture cellulari VeroE6 e conta cellulare; test di Neutralizzazione Virale.

- **Tirocinio curriculare** di laurea magistrale (Biologia Molecolare e Applicata - Università Politecnica delle Marche) svolto presso il laboratorio analisi e di medicina forense, For.Med.Lab, spin-off dell'Università di Macerata, da Novembre 2021 a Dicembre 2021. Il laboratorio si occupa principalmente di analisi a carattere chimico-tossicologico per enti pubblici e privati.

Tipologie di test svolti: esami tossicologici su varie matrici biologiche (analisi del capello, analisi di campioni di sangue e urine) per la ricerca di xenobiotici; analisi dei principi attivi su campioni di canapa; test diagnostici rapidi e test sierologici mirati per SARS-CoV-2.

Principali tecniche e strumentazioni utilizzate: ELISA (*Enzyme-Linked Immunosorbent Assay*); Gascromatografi con rivelatore FID; Gascromatografi accoppiati a spettrometri di massa (GC/MS); Test antigenici rapidi.

- **Tirocinio curriculare** di laurea triennale (Scienze Biologiche - Università Politecnica delle Marche) svolto presso il laboratorio di Microbiologia del Dipartimento di Scienze della Vita e dell'Ambiente (DiSVA) dell'Università Politecnica delle Marche (UnivPM), da Ottobre 2015 a Novembre 2015.

Il lavoro di ricerca a cui ho assistito durante il periodo di tirocinio si basa sulla messa a punto di un protocollo di qPCR mirato per il gene *ecfX* di *Pseudomonas aeruginosa*. Lo scopo dello studio è stato quello di rilevare in modo rapido e specifico le cellule vitali di *P. aeruginosa*, comprese le forme *Viable But Non-Culturable* (VBNC), da campioni di espettorato provenienti da pazienti affetti da Fibrosi Cistica.

Principali tecniche utilizzate: Estrazione di acidi nucleici da campioni di espettorato; PCR ed elettroforesi su gel di agarosio; qPCR; MIC (*Minimal inhibitory concentration*); preparazione di terreni di coltura.

- **Attività di ricerca post lauream.** In collaborazione con il laboratorio di Microbiologia Molecolare e Cellulare del Dipartimento di Bioscienze dell'Università degli studi di Milano ho intrapreso



l'analisi di espressione differenziale di piccoli RNA regolatori in *P. aeruginosa*, considerando database di sequenziamento di RNA (RNA-seq) generati dal laboratorio suddetto. Il tutto è stato possibile grazie alla costruzione di framework avanzato per la mappatura di piccoli RNA sul genoma di *P. aeruginosa*. Il lavoro proseguirà applicando questa metodologia all'analisi di molteplici database pubblicati di RNA-seq di *P. aeruginosa* al fine di generare un grande repository di piccoli RNA differenzialmente espressi in varie condizioni.

ATTIVITÀ PROGETTUALE

Anno	Progetto
2023	Flash Survey - Sistema nazionale di monitoraggio mensile delle varianti di SARS-CoV-2 coordinato dall' Istituto Superiore di Sanità (ISS), presso la SOSD Virologia dell'Azienda Ospedaliero Universitaria delle Marche (AOU) di Ancona.
2023	Rete RespiVirNet (InfluNet) - Sistema nazionale di sorveglianza epidemiologica dell'influenza e di altri virus respiratori coordinato dall' Istituto Superiore di Sanità (ISS), presso la SOSD Virologia dell'Azienda Ospedaliero Universitaria delle Marche (AOU) di Ancona.

CONGRESSI, CONVEGNI E SEMINARI

Data	Titolo	Sede
20/02/2024	Presentazione dell'argomento di tesi di Laurea Magistrale	Dipartimento di Scienze della Vita e dell'Ambiente (DiSVA), Università Politecnica delle Marche (UnivPM).

ALTRE INFORMAZIONI

- Laurea Magistrale (LM-6) in **Biologia Molecolare e Applicata** all'Università Politecnica delle Marche (UnivPM).
Principali materie studiate: Biochimica e Biotecnologia delle Proteine; C.i. Bioinformatica; C.i. Tecnologie Biomolecolari; C.i. Microbiologia Biomedica.
Altre materie studiate: Analisi biochimiche, biotecnologia dei microrganismi, biotecnologie della riproduzione, biotecnologie cellulari, genetica applicata, modeling dei sistemi biologici, nanotecnologie biomolecolari, genetica molecolare e virologia biomedica.
Titolo tesi sperimentale: "Analisi filogenetica e caratterizzazione molecolare delle varianti di SARS-CoV-2 circolanti nel 2023 nella regione Marche".
 - Laurea Triennale (L13) in **Scienze Biologiche** all'Università Politecnica delle Marche (UnivPM).
Titolo tesi compilativa: "Il Virus di Epstein-Barr induce dei fattori trascrizionali cellulari in grado di attivare l'espressione dei geni EBER mediante la RNA polimerasi III".
- Conoscenza del pacchetto Office (Word, PowerPoint, Excel, Outlook).
 - Conoscenza dei software bioinformatici BioEdit e MEGA-X.



UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

Le dichiarazioni rese nel presente curriculum sono da ritenersi rilasciate ai sensi degli artt. 46 e 47 del DPR n. 445/2000.

Il presente curriculum, non contiene dati sensibili e dati giudiziari di cui all'art. 4, comma 1, lettere d) ed e) del D.Lgs. 30.6.2003 n. 196.

RICORDIAMO che i curricula **SARANNO RESI PUBBLICI sul sito di Ateneo** e pertanto si prega di non inserire dati sensibili e personali. Il presente modello è già precostruito per soddisfare la necessità di pubblicazione senza dati sensibili.

Si prega pertanto di **NON FIRMARE** il presente modello.

Luogo e data: Caronno Pertusella, 06/05/2024