



**AL MAGNIFICO RETTORE
DELL'UNIVERSITA' DEGLI STUDI DI MILANO**

COD. ID: 5924

Il sottoscritto chiede di essere ammesso a partecipare alla selezione pubblica, per titoli ed esami, per il conferimento di un assegno di ricerca presso il Dipartimento di Fisiopatologia Medico-Chirurgica e dei Trapianti. Responsabile scientifico: Prof. Mario Raviglione

Marta Canuti

CURRICULUM VITAE

INFORMAZIONI PERSONALI

Cognome	Canuti
Nome	Marta

OCCUPAZIONE ATTUALE

Incarico	Struttura
Assegnista di ricerca (tipo B)	Dipartimento di Fisiopatologia Medico-Chirurgica e dei Trapianti

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Titolo	Corso di studi	Università	anno conseguimento titolo
Laurea triennale	Scienze biologiche	Università degli Studi di Milano	2004
Laurea Magistrale o equivalente	Biologia applicata alla ricerca biomedica	Università degli Studi di Milano	2006
Dottorato Di Ricerca	Sanità Pubblica	Università degli Studi di Milano	2010

LINGUE STRANIERE CONOSCIUTE

lingue	livello di conoscenza
Inglese	Eccellente
Spagnolo	Buono
Olandese	Elementare
Tedesco	Elementare

ATTIVITÀ DI FORMAZIONE O DI RICERCA

L'attività di ricerca è prevalentemente mirata allo studio degli aspetti epidemiologici, clinici e molecolari di malattie infettive umane e veterinarie e in ambiti global health e pandemic preparedness.



Aprile 2022 - dicembre 2023: assegnista di ricerca (tipo B) presso il Dipartimento di Fisiopatologia Medico-Chirurgica e dei Trapianti dell'Università degli studi di Milano. L'attività di ricerca è focalizzata principalmente su SARS-CoV-2, pandemic preparedness e global health. In quanto coordinatrice di varie attività in questo ambito svolte su diversi progetti in collaborazione con diversi assegnisti e borsisti, la ricerca si sviluppa su più fronti: i) studi clinico-epidemiologici dell'infezione causata da SARS-CoV-2 dall'inizio dell'epidemia ad oggi, con particolare focus su pazienti immunocompromessi; ii) studi epidemiologici-statistici su large dataset regionali per chiarire aspetti rilevanti del Long-COVID e valutare le conseguenze a lungo termine dell'infezione da SARS-CoV-2 sulla salute e sul sistema sanitario regionale e nazionale; iii) formulazione di linee guida e di sistemi informatici per la raccolta su larga scala e l'analisi in tempo reale di dati clinici in situazioni di emergenza epidemica causata da un nuovo agente patogeno; iv) elaborazione di progetti di ricerca clinica incentrati sulla pandemic preparedness.

Giugno 2021 - marzo 2022: laureato frequentatore/collaboratore alla ricerca presso il Dipartimento di Scienze della Salute dell'Università degli studi di Milano. L'attività di ricerca aveva come oggetto lo studio epidemiologico del virus del morbillo, di SARS-CoV-2 e di altri virus associati a rash in Lombardia in pazienti che presentano rash morbilliforme e febbre. Lo studio epidemiologico, che comprende anche la caratterizzazione molecolare dei ceppi circolanti, era volto sia al monitoraggio epidemiologico del morbillo nel contesto del piano vaccinale sia a chiarire il ruolo di SARS-CoV-2 e di altri virus nello sviluppo di manifestazioni cutanee. In aggiunta, la ricerca era anche finalizzata a investigare retrospettivamente la presenza di SARS-CoV-2 in Lombardia per determinare il momento di introduzione del virus in Italia e chiarire le condizioni epidemiologiche che hanno portato alla prima ondata epidemica.

Settembre 2014 - aprile 2021: ricercatrice post-doc/assistente alla ricerca presso il Dipartimento di Biologia della Memorial University of Newfoundland (Canada). Le attività di ricerca hanno riguardato prevalentemente l'epidemiologia di virus di importanza veterinaria, con particolare riferimento al parvovirus del cane e al virus che causa la Aleutian disease nei visoni. Durante questo periodo la ricerca è stata focalizzata alla sorveglianza epidemiologica di ceppi virali circolanti, includendo la determinazione di nuovi ceppi e di nuove specie virali in diversi animali domestici, da fattoria e selvatici. La finalità della ricerca era di valutare la trasmissione di virus fra specie diverse, identificando il ruolo di ciascun ospite nel mantenimento di questi virus fra gli animali selvatici e le possibili vie di trasmissione che portano all'emergenza di tali ceppi virali in popolazioni di animali da fattoria o domestici.

Gennaio 2010 - aprile 2014: ricercatrice post-doc presso il laboratorio di virologia sperimentale dell'Academic Medical Center dell'Università di Amsterdam (Olanda). L'attività di ricerca è stata svolta nell'ambito del progetto EMPIRE (European Management Platform for Emerging and Re-emerging Infectious disease Entities). La ricerca ha compreso la messa a punto e applicazione di metodi di virus discovery per l'identificazione di virus ignoti e di studi epidemiologico-molecolari per studiare la circolazione di virus umani e animali in un'ottica di pandemic preparedness.

Novembre 2006 - dicembre 2009: dottoranda presso il Dipartimento di Sanità Pubblica-Microbiologia-Virologia dell'Università degli studi di Milano. Le attività di ricerca svolte nel corso del dottorato di ricerca hanno riguardato l'epidemiologia molecolare di virus respiratori in popolazioni pediatriche, con particolare riferimento a virus allora di recente identificazione. Le attività hanno incluso lo sviluppo e l'applicazione di metodi molecolari diagnostici e l'applicazione di analisi epidemiologica e filogenetica per studiare virus respiratori di rilevanza clinica e studiarne l'associazione con sintomatologia severa e ospedalizzazione. Parte delle attività di ricerca sono state svolte nell'ambito del sistema di sorveglianza per l'influenza stagionale e pandemica.

Settembre 2005 - settembre 2006: tesista presso il Dipartimento di Sanità Pubblica-Microbiologia-Virologia dell'Università degli studi di Milano. Durante gli internati di tesi triennale e magistrale l'attività di ricerca era focalizzata sulla valutazione del potenziale rischio infettivo derivato da sottoprodotti della produzione di vaccini interrati per oltre 30 anni nella discarica dell'Istituto Sieroterapico Milanese.

L'attività di ricerca e di formazione scientifica svolta è comprovata da oltre 70 pubblicazioni *in extenso* su riviste scientifiche internazionali e da oltre 50 comunicazioni scientifiche/abstract a convegni nazionali e internazionali.



ATTIVITÀ PROGETTUALE

Anno	Progetto
Dal 2023	<p><i>The Lombardia long COVID Network for the implementation of best practices in the comprehensive management of long COVID (LLC NETWORK)</i>. Finanziamento ottenuto: € 500.000. Finanziatore: Fondazione Cariplo</p> <p>Partecipazione alle attività di ricerca e membro del Comitato Tecnico Scientifico (rappresentante per UniMI). Ruolo nel progetto: le attività all'interno del progetto riguardano la coordinazione di ricerche di analisi di dati clinici e amministrativi della Regione Lombardia per valutare l'impatto a lungo termine dell'infezione da SARS-CoV-2 sulla salute umana (long-COVID) e sul sistema sanitario regionale e nazionale.</p>
Dal 2022	<p><i>Ending COVID-19 variants of concern through cohort studies: END-VOC</i>. Finanziamento ottenuto: €9,997,114.00. Finanziatore: EU HORIZON-HLTH-2021-CORONA-01</p> <p>Partecipazione alle attività di ricerca. Ruolo nel progetto: l'attività di ricerca è focalizzata allo sviluppo di linea guida per la valutazione di terapie in caso di emergenze sanitarie causate da nuovi patogeni o patogeni con nuove caratteristiche. In particolare, lo studio prevede lo sviluppo di un protocollo universale e dell'associata piattaforma informatica per raccogliere, condividere e analizzare dati clinici in tempo reale per lo studio tempestivo del trattamento per malattie emergenti.</p>
2022-2023	<p><i>Assessment of public health response to COVID-19 epidemic (PREP-COVID)</i>. Finanziamento ottenuto: € 202.000,68. Finanziatore: Fondazione Bolton Hope Onlus</p> <p>Partecipazione alle attività di ricerca. Ruolo nel progetto: l'attività di ricerca è focalizzata allo studio delle caratteristiche epidemiologiche e cliniche dell'infezione da SARS-CoV-2 dall'inizio dell'epidemia ad oggi, con particolare attenzione alla popolazione dei pazienti immunodepressi.</p>
2021-2022	<p><i>Protocollo d'intesa tra Regione Lombardia e Università degli Studi di Milano in tema di Laboratori di Riferimento per l'attività di Sorveglianza del Morbillo e Rosolia, DGR XI/3450 del 28/07/2020</i>. Finanziamento ottenuto: 120.000,00€. Finanziatore: Regione Lombardia</p> <p>Partecipazione alle attività di ricerca. Ruolo nel progetto: investigare retrospettivamente l'epidemiologia molecolare di SARS-CoV-2, del virus del morbillo e di altri virus associati a rash e sviluppare protocolli per il sequenziamento del genoma virale completo mediante deep-sequencing.</p>
2020-2021	<p><i>Prevalence, distribution and molecular epidemiology of Aleutian mink disease virus, mink enteritis virus and other parvoviruses in wild mink of British Columbia</i>. Finanziamento ottenuto: \$24,799.75. Finanziatore: Joint Mink Research Committee.</p> <p>Partecipazione alle attività di ricerca. Ruolo nel Progetto: investigare la presenza di amdroparvovirus e protoparvovirus negli animali selvatici del British Columbia; caratterizzazione molecolare dei virus e sequenziamento del genoma completo;</p>



	studio dell'epidemiologia e dell'ecologia dei virus identificati.
2020	<p><i>Development of a rapid, low-cost method for the discovery and surveillance of viruses at the land-sea interface.</i> Finanziamento ottenuto: \$10,000. Finanziatore: Ocean Frontiers Institute.</p> <p>Partecipazione alle attività di ricerca. Ruolo nel Progetto: sviluppo, ottimizzazione e applicazione di metodi di virus discovery e analisi di sequenza per identificare virus ignoti in campioni biologici.</p>
2019-2020	<p><i>Gene transfer agents and movement of DNA in bacteria.</i> Finanziamento ottenuto: \$50,000. Finanziatore: Natural Sciences and Engineering Research Council of Canada.</p> <p>Partecipazione alle attività di ricerca. Ruolo nel Progetto: studio dell'evento di horizontal gene transfer che ha dato origine al sistema a due componenti rcc00620 (response regulator) rcc00621 (histidine kinase) che regola la produzione di GTA in <i>Rhodobacter capsulatus</i>.</p>
2018-2019	<p><i>Aleutian mink disease virus and related viruses in British Columbia wildlife.</i> Finanziamento ottenuto: \$29,612.5. Finanziatore: Joint Mink Research Committee.</p> <p>Partecipazione alle attività di ricerca. Ruolo nel Progetto: investigare la presenza di amdoparvovirus noti e ignoti negli animali selvatici del British Columbia tramite test ad ampio spettro e test di virus discovery; caratterizzazione molecolare dei virus in studio; studio dell'epidemiologica e dell'ecologia dei virus identificati.</p>
2016-2018	<p><i>Application of molecular methods to the study of infectious diseases in the mink industry.</i> Finanziamento ottenuto: \$143,580. Finanziatore: NSERC Collaborative Research and Development Program.</p> <p>Partecipazione alle attività di ricerca. Ruolo nel Progetto: investigare la variabilità genetica di Aleutian mink disease virus e altri amdoparvovirus in visoni selvatici e di allevamento; messa a punto e attualizzazione di metodi di metagenomica e di virus discovery volti a identificare agenti patogeni coinvolti nella pododermatite dei visoni di allevamento; caratterizzazione molecolare dei virus e sequenziamento del genoma completo; studio dell'epidemiologia e dell'ecologia dei virus identificati, valutazione di dinamiche di trasmissione di virus fra animali selvatici e di allevamento.</p>
2016-2017	<p><i>Whole genome sequencing of Aleutian disease virus from skunks, raccoons and mink in British Columbia.</i> Responsabili del Progetto: Andrew Lang, Ann Britton. Finanziamento ottenuto: \$18,021; \$15,670. Finanziatori: Joint Mink Research Committee e NL Research and Development Corporation (Collaborative R&D Fund).</p> <p>Partecipazione alle attività di ricerca. Ruolo nel Progetto: investigare la presenza di amdoparvovirus noti e ignoti in puzzole, procioni e visoni selvatici del British Columbia tramite test ad ampio spettro; caratterizzazione molecolare dei virus e</p>



	sequenziamento del genoma completo; studio dell'epidemiologia e dell'ecologia dei virus identificati.
2014-2015	<p><i>Aleutian disease in the commercial mink industry and potential threats from infected wildlife.</i> Whitney. Finanziamento ottenuto: \$25,000. Finanziatore: NSERC Engage Program.</p> <p>Partecipazione alle attività di ricerca. Ruolo nel Progetto: investigare la presenza di Aleutian mink disease virus in visoni selvatici e di allevamento; caratterizzazione molecolare dei virus e sequenziamento del genoma completo; studio dell'epidemiologia e dell'ecologia dei virus identificati e valutazione delle dinamiche di trasmissione dei virus tra animali selvatici e di allevamento.</p>
2010-2014	<p><i>European Management Platform for Emerging and Re-emerging Infectious disease Entities(EMPERIE).</i> Finanziamento ottenuto: € 15.967.125,20. Finanziatore: EU FP7-HEALTH.</p> <p>Partecipazione alle attività di ricerca del Progetto internazionale EU 7th Framework Program EMPERIE. Ruolo nel Progetto: messa a punto e applicazione di sistemi di virus discovery per l'identificazione di virus ignoti; caratterizzazione molecolare e studi di epidemiologia ed ecologia di virus di recente identificazione in un'ottica di pandemic preparedness.</p>
2008-2009	<p><i>Rischio biologico da bio-materiali interrati in aree industriali dismesse: un emergente problema di Sanità Pubblica.</i> Finanziamento ottenuto: 6.589,25€.</p> <p>Componente del gruppo di ricerca del Progetto PUR (ex FIRST) - 2008. Ruolo nel Progetto: identificare virus nel suolo e valutare i tempi di persistenza di virus nel suolo per valutare il potenziale rischio infettivo derivato dall'interramento di prodotti vaccinali nel suolo.</p>
2007-2009	<p><i>Infezioni respiratorie virali classiche ed emergenti nella popolazione pediatrica ed in soggetti a rischio per esposizione professionale.</i> Responsabile del Progetto: Professor Filippo Ansaldo. Responsabile U.O.: Dott.ssa Antonella Amendola. Finanziamento ottenuto: 29.619,00€.</p> <p>Componente dell'Unità Operativa del Progetto di Ricerca Interesse Nazionale (PRIN) - 2007. Ruolo nel Progetto: diagnosi e caratterizzazione molecolare mediante sequenziamento e analisi epidemiologica e filogenetica di virus respiratori classici e di recente identificazione.</p>



CONGRESSI, CONVEGNI E SEMINARI

Data	Titolo	Sede
26 settembre - 1 ottobre 2022	International Symposium on ssDNA viruses (IS3DV)	Sète, Francia
16-18 giugno 2021	Tackling global viral epidemics, the first conference of the World Society for Virology	Online
20-24 luglio 2019	American Society for Virology 38th Annual Meeting	University of Minnesota, Minneapolis
13-15 giugno 2018	The 2nd Symposium of the Canadian Society for Virology.	Dalhousie University, Halifax
24-28 giugno 2017	American Society for Virology 36th Annual Meeting	University of Wisconsin-Madison, Madison
18 giugno 2016	1st Workshop of the Canadian Society for Virology (CSV2016)	Virginia Tech, Blacksburg
18-22 giugno 2016	American Society for Virology 35th Annual Meeting	Virginia Tech, Blacksburg
11-14 settembre 2013	5th European Congress of Virology	Lione
28 gennaio-2 febbraio 2013	Prince Mahidol Award Conference 2013, A World United Against Infectious Diseases: Cross-Sectoral Solutions	Bangkok
27-30 settembre 2009	12th European Society for Clinical Virology Winter Meeting (ESCV)	Istanbul
7-10 gennaio 2009	European Society of Clinical Virology, ESCV 2008 Winter Meeting	Amsterdam
19-21 novembre 2008	The 2008 European Scientific Conference on Applied Infectious Disease Epidemiology ESCAIDE 2008	Berlino
19-22 aprile 2008	18th ECCMID (European Congress of Clinical Microbiology and Infectious Diseases)	Barcellona
10-20 ottobre 2007	1st ESCAIDE (European Scientific Conference on Applied Infectious Disease Epidemiology)	Stoccolma
7-8 giugno 2007	Il Workshop nazionale di virologia veterinaria: Diagnostica ed epidemiologia delle infezioni virali degli animali	Ozzano dell'Emilia
31 marzo-3 aprile	17th ECCMID (European Congress of Clinical	Monaco



2007	Microbiology and Infectious Diseases)	
------	---------------------------------------	--

PUBBLICAZIONI

Libri
Amendola A, Canuti M. Capitolo <i>Vaccine-preventable diseases</i> in Raviglione MC, Tediosi F, Stoll B, Villa S, Casamitjana N, Plasència A: <i>Global Health Essentials</i> ; Springer Cham, 2023. Doi: doi.org/10.1007/978-3-031-33851-9
Tanzi E, Canuti M. Capitolo <i>HPV and cervical cancer</i> in Raviglione MC, Tediosi F, Stoll B, Villa S, Casamitjana N, Plasència A: <i>Global Health Essentials</i> ; Springer Cham, 2023. Doi: doi.org/10.1007/978-3-031-33851-9

Articoli su riviste
Fappani C, Gori M, Bianchi S, Terraneo M, Bilardi E, Colzani D, Tanzi E, Canuti M, Amendola A. Differential diagnosis of fever and rash cases negative for measles and rubella to complement surveillance activities; 2023. <i>Journal of Medical Virology</i> . 95(10):e29141. doi: 10.1002/jmv.29141 (IF: 20.693)
Franzo G, Mira F, Schirò G, Canuti M. Not Asian Anymore: Reconstruction of the History, Evolution, and Dispersal of the "Asian" Lineage of CPV-2c; 2023. <i>Viruses</i> . 15(9):1962. doi: 10.3390/v15091962. (IF: 5.048)
Canuti M, Monti MC, Bobbio C, Muscatello A, Muheberimana T, Baldi SL, Blasi F, Canetta C, Costantino G, Nobili A, Peyvandi F, Tettamanti M, Villa S, Aliberti S, Raviglione MC, Gori A, Bandera A, COVID-19 network study group. The role of immunosuppression in COVID-19 hospitalization: clinical and epidemiological trends over almost three years of SARS-CoV-2 epidemic; 2023. <i>Frontiers in Medicine</i> . 7;10:1260950. doi: 10.3389/fmed.2023.1260950 (IF: 5.091)
Bianchi S, Fappani C, Gori M, Canuti M, Colzani D, Monti MC, Torriani C, Raviglione MC, Zuccotti G, Tanzi E, Amendola A. Serological investigation of SARS-CoV-2 infection in patients with suspect measles, 2017-2022; 2023. <i>Virology Journal</i> . 20(1):160. doi: 10.1186/s12985-023-02117-9 (IF: 5.916)
Tanzi E, Bianchi S, Fappani C, Gori M, Colzani D, Passera I, Tincati C, Canuti M, Raviglione M, Amendola A. Detection of human papillomavirus in fresh and dried urine through an automated system for cervical cancer screening in low- and middle-income countries; 2023. <i>Journal of Medical Virology</i> . 95(5):e28802. doi: 10.1002/jmv.28802 (IF: 20.693)
Gori M, Fappani C, Bianchi S, Canuti M, Colzani D, Ottogalli P, Duehren S, Tanzi E, Amendola A, Boschini A. A large A(H3N2) influenza outbreak with a high attack rate in a drug user community in Italy, April 2022; 2023. <i>Epidemiology and Infection</i> . 19:1-13 doi: 10.1017/S0950268823000055 (IF: 4.434)
Canuti M, Rodrigues B, Lang AS, Dufour SC, Verhoeven JTP. Novel Divergent Members of the Kitrinoviricota Discovered through Metagenomics in the Intestinal Contents of Red-Backed Voles (<i>Clethrionomys gapperi</i>); 2023. <i>International Journal of Molecular Sciences</i> . 24(1), 131 doi: 10.3390/ijms24010131 (IF: 6.208)
Lanave G, Ndiana LA, Pellegrini F, Diakoudi G, Di Martino B, Sgroi G, D'Alessio N, Vasinioti V, Camero M, Canuti M, Otranto D, Decaro N, Buonavoglia C, Martella V. Detection at high prevalence of newlavivirus (Protoparvovirus) in the carcasses of red foxes; 2023. <i>Virus Research</i> . 323:198971. doi: 10.1016/j.virusres.2022.198971 (IF: 6.286)
Canuti M, Wilson L, Bowes V, Redford T, Dufour SC, Lang AS, Verhoeven JTP. A novel calicivirus discovered in trumpeter swans (<i>Cygnus buccinator</i>) expands the richness of known avian caliciviruses; 2022. <i>Current Research in Microbial Sciences</i> . 3:100169. doi: 10.1016/j.crmicr.2022.100169 (IF: TBD)
Canuti M, Rodrigues B, Bouchard É, Whitney HG, Lang AS, Dufour SC, Verhoeven JTP. Distinct epidemiological profiles of porcine circovirus 3 and fox circovirus in Canadian foxes (<i>Vulpes spp.</i>); 2022. <i>Current Research in Microbial Sciences</i> . 3:100161. doi: 10.1016/j.crmicr.2022.100161 (IF: TBD)
Schirò G, Mira F, Canuti M, Vullo S, Purpari G, Chiaramonte G, Di Bella S, Cannella V, Randazzo V,



Castronovo C, Vicari D, Guercio A. Identification and Molecular Characterization of a Divergent Asian-like Canine Parvovirus Type 2b (CPV-2b) Strain in Southern Italy, 2022. <i>International Journal of Molecular Sciences</i> . 23(19):11240. doi: 10.3390/ijms231911240 (IF: 6.208)
Amendola A, Canuti M, Bianchi S, Kumar S, Fappani C, Gori M, Colzani D, Pond SLK, Miura S, Baggieri M, Marchi A, Borghi E, Zuccotti GV, Raviglione MC, Magurano F, Tanzi E. Molecular evidence for SARS-CoV-2 in samples collected from patients with morbilliform eruptions since late 2019 in Lombardy, Northern Italy; 2022 <i>Environmental Research</i> . 215(Pt 1):113979. doi: 10.1016/j.envres.2022.113979 (IF: 8.431)
Fappani C, Gori M, Canuti M, Terraneo M, Colzani D, Tanzi E, Amendola A, Bianchi S. Breakthrough Infections: A challenge towards measles elimination? 2022. <i>Microorganisms</i> . 10(8):1567. doi: 10.3390/microorganisms10081567 (IF: 4.926)
Canuti M, Large G, Verhoeven JTP, Dufour SC. A novel iridovirus discovered in deep-sea carnivorous sponges; 2022. <i>Viruses</i> . 14(8):1595. doi: 10.3390/v14081595 (IF: 5.048)
Canuti M, Péntzes JJ, Lang AS. A new perspective on the evolution and diversity of the genus Amdoparvovirus (family Parvoviridae) through genetic characterization, structural homology modelling, and phylogenetics; 2022 <i>Virus Evolution</i> . 8(1):veac056. doi: 10.1093/ve/veac056 (IF: 7.989)
Canuti M, Mira F, Sorensen RG, Rodrigues B, Bouchard É, Walzthoni N, Hopson M, Gilroy C, Whitney HG, Lang AS. Distribution and Diversity of dog parvoviruses in Wild, Free-Roaming, and Domestic Canids of Newfoundland and Labrador, Canada; 2022. <i>Transboundary and emerging diseases</i> . 69(5):e2694-e2705. doi: 10.1111/tbed.14620 (IF: 5.005)
Bianchi S, Gori M, Fappani C, Ciceri G, Canuti M, Colzani D, Dura M, Terraneo M, Lamberti A, Baggieri M, Senatore S, Faccini M, Magurano F, Tanzi E, Amendola A. Characterization of vaccine breakthrough cases during measles outbreaks in Milan and surrounding areas, Italy, 2017-2021; 2022 <i>Viruses</i> . 14(5), 1068. doi: 10.3390/v14051068 (IF: 5.048)
Canuti M, Bianchi S, Kolbl O, Pond SLK, Kumar S, Gori M, Fappani C, Colzani D, Borghi E, Zuccotti GV, Raviglione MC, Tanzi E, Amendola A. Waiting for the truth: is reluctance in accepting an early origin hypothesis for SARS-CoV-2 delaying our understanding of viral emergence? 2022. <i>BMJ Global Health</i> . Accepted. doi: 10.1136/bmjgh-2021-008386 (IF: 5.558)
Alex CE, Canuti M, Schlesinger M, Jackson KA, Needle D, Jardine C, Nituch L, Bourque L, Lang AS, Pesavento P. Natural disease and evolution of an amdoparvovirus endemic in striped skunks (<i>Mephitis mephitis</i>). 2022. <i>Transboundary and Emerging Diseases</i> . 69(5):e1758-e1767. doi: 10.1111/tbed.14511 (IF: 5.005)
Canuti M, Fry K, Cuff HD, Mira F, Fenton H, Lang AS. Co-circulation of five species of dog parvoviruses and canine adenovirus type 1 among gray wolves (<i>Canis lupus</i>) in northern Canada. 2022. <i>Transboundary and emerging diseases</i> . 69(5):e1417-e1433. doi: 10.1111/tbed.14474 (IF: 5.005)
Canuti M, Bouchard É, Rodrigues B, Whitney HG, Hopson M, Gilroy C, Stenson G, Dufour SC, Lang AS, Verhoeven J.T.P. Newlavirus, a novel, highly prevalent, and highly diverse protoparvovirus of foxes (<i>Vulpes</i> spp.). 2021. <i>Viruses</i> . 13(10):1969. doi: 10.3390/v13101969 (IF: 5.048)
Mira F, Canuti M, Di Bella S, Puleio R, Lavazza A, Lelli D, Vicari D, Purpari G, Cannella V, Chiaramonte G, Schirò G, Castronovo C, Guercio A. Detection and molecular characterization of two gammaherpesviruses from Pantesco breed donkeys during an outbreak of mild respiratory disease; 2021. <i>Viruses</i> . 13(8):1527. doi: 10.3390/v13081527 (IF: 5.048)
Canuti M, Verhoeven JTP, Munro HJ, Roul S, Ojkic D, Robertson GJ, Whitney HG, Dufour SC, Lang AS. Investigating the Diversity and Host Range of Novel Parvoviruses from North American Ducks Using Epidemiology, Phylogenetics, Genome Structure, and Codon Usage Analysis; 2021. <i>Viruses</i> . 13(2):193. doi: 10.3390/v13020193 (IF: 5.048)
Amendola A, Bianchi S, Gori M, Colzani D, Canuti M, Borghi E, Raviglione MC, Zuccotti GV, Tanzi E. Evidence of SARS-CoV-2 RNA in an Oropharyngeal Swab Specimen, Milan, Italy, Early December 2019; 2021. <i>Emerging Infectious Diseases</i> . 27(2):648-650. doi: 10.3201/eid2702.204632 (IF: 6.259)
Amendola A, Bianchi S, Gori M, Barcellini L, Colzani D, Canuti M, Giacomet V, Fabiano V, Folgore L, Zuccotti GV, Tanzi E. Dried Blood Spot as an Alternative to Plasma/Serum for SARS-CoV-2 IgG Detection, an Opportunity to Be Sized to Facilitate COVID-19 Surveillance Among Schoolchildren; 2021. <i>The Pediatric Infectious Disease Journal</i> . 40(1):e46-e47. doi: 10.1097/INF.0000000000002955 (IF: 2.723)



Pallegar P, Canuti M, Langille E, Peña-Castillo L, Lang AS. A Two-Component System Acquired by Horizontal Gene Transfer Modulates Gene Transfer and Motility via Cyclic Dimeric GMP; 2020. <i>Journal of Molecular Biology</i> . 7;432(17):4840-4855. doi: 10.1016/j.jmb.2020.07.001 (IF: 4.76)
Canuti M, McDonald E, Graham SM, Rodrigues B, Bouchard É, Neville R, Pitcher M, Whitney HG, Marshall HD, Lang AS. Multi-host dispersal of known and novel carnivore amdoparvoviruses; 2020. <i>Virus Evolution</i> . 6(2): veaa072. doi: 10.1093/ve/veaa072 (IF: 7.989)
Bianchi S, Canuti M, Ciceri G, Gori M, Colzani D, Dura M, Pennati BM, Baggieri M, Magurano F, Tanzi E, Amendola A. Molecular epidemiology of B3 and D8 measles viruses through hemagglutinin phylogenetic history; 2020. <i>International Journal of Molecular Sciences</i> . 22;21(12):4435. doi: 10.3390/ijms21124435 (IF: 5.923)
Pénzes JJ, Söderlund-Venermo M, Canuti M, Eis-Hübinger AM, Hughes J, Cotmore SF, Harrach B. Reorganizing the family Parvoviridae: a revised taxonomy independent of the canonical approach based on host association; 2020. <i>Archives of Virology</i> . 165(9):2133-2146. doi: 10.1007/s00705-020-04632-4 (IF: 2.261)
Canuti M, Todd M, Monteiro P, Van Osch K, Weir R, Schwantje H, Britton AP, Lang AS. Ecology and Infection Dynamics of Multi-Host Amdoparvoviral and Protoparvoviral Carnivore Pathogens; 2020. <i>Pathogens</i> . 15;9(2):124. doi: 10.3390/pathogens9020124 (IF: 3.492)
Canuti M, Kroyer ANK, Ojkic D, Whitney HG, Robertson GJ, Lang AS. Discovery and Characterization of Novel RNA Viruses in Aquatic North American Wild Birds; 2019. <i>Viruses</i> . 11(9):768. doi: 10.3390/v11090768 (IF: 5.048)
Canuti M, Munro HJ, Robertson GJ, Kroyer ANK, Roul S, Ojkic D, Whitney HG, Lang AS. New insight into avian papillomavirus ecology and evolution from characterization of novel wild bird papillomaviruses; 2019. <i>Frontiers in Microbiology</i> . 10:701. doi: 10.3389/fmicb.2019.00701 (IF: 5.640)
Ciceri G, Canuti M, Bianchi S, Gori M, Piralla A, Colzani D, Libretti M, Frati ER, Baggieri M, Lai A, Rovida F, Zehender G, Baldanti F, Magurano F, Tanzi E, Amendola A. Genetic variability of the Measles Hemagglutinin gene in B3 strains and analysis of the amino acid substitutions in the Hemagglutinin protein; 2019. <i>Infection, Genetics and Evolution</i> . 75:103943. doi: 10.1016/j.meegid.2019.103943 (IF: 3.342)
Mira F, Canuti M, Purpari G, Cannella V, Di Bella S, Dowgier G, Schirò G, Chiaramonte G, Barreca S, Pisano P, Lastra A, Decaro N, Guercio A. Molecular characterization and evolutionary analyses of Carnivore protoparvovirus 1 NS1 gene; 2019. <i>Viruses</i> . 11(4):308. doi: 10.3390/v11040308 (IF: 5.048)
Hendrikse L, Kambli A, Canuti M, Rodrigues B, Lang AS, Needle DB, Troyer RM. Identification of a novel gammaherpesvirus in Canada lynx (<i>Lynx canadensis</i>); 2019. <i>Viruses</i> . 11(4):363. doi: 10.3390/v11040363 (IF: 5.048)
Cotmore SF, Agbandje-McKenna M, Canuti M, Chiorini JA, Eis-Hübinger AM, Hughes J, Mietzsch M, Modha S, Ogliaastro M, Pénzes JJ, Pintel DJ, Qiu J, Soderlund-Venermo M, Tattersall P, Tijssen P, Ictv Report Consortium. ICTV Virus Taxonomy Profile: Parvoviridae; 2019. <i>Journal of General Virology</i> . 100(3):367-368. doi: 10.1099/jgv.0.001212 (IF: 3.376)
Canuti M, Williams CV, Sagan SM, Oude Munnink BB5, Gadi S, Verhoeven JTP, Kellam P, Cotten M, Lang AS, Junge RE, Cullen JM, van der Hoek L. Virus discovery reveals frequent infection by diverse novel members of the Flaviviridae in wild lemurs; 2019. <i>Archives of Virology</i> . 164(2):509-522. doi: 10.1007/s00705-018-4099-9 (IF: 2.261)
Verhoeven JTP, Canuti M, Munro HJ, Dufour SC1, Lang AS. ViDiT-CACTUS: an inexpensive and versatile library preparation and sequence analysis method for virus discovery and other microbiology applications; 2018. <i>Canadian Journal of Microbiology</i> . 64(10):761-773. doi: 10.1139/cjm-2018-0097 (IF: 2.419)
Canuti M, Britton AP, Graham SM, Lang AS. Epidemiology and molecular characterization of protoparvoviruses infecting wild raccoons (<i>Procyon lotor</i>) in British Columbia, Canada; 2017. <i>Virus Research</i> . 242:85-89. doi: 10.1016/j.virusres.2017.09.015 (IF: 2.736)
Canuti M, Rodrigues B, Whitney HG, Lang AS. Introduction of canine parvovirus 2 into wildlife on the Island of Newfoundland, Canada; 2017. <i>Infection, Genetics and Evolution</i> . 55:205-208. doi: 10.1016/j.meegid.2017.09.018 (IF: 3.342)



Canuti M, Doyle HE, Britton A, Lang AS. Full genetic characterization and epidemiology of a novel amdoparvovirus in striped skunk (<i>Mephitis mephitis</i>); 2017. <i>Emerging Microbes and Infections</i> . 6(5):e30. doi: 10.1038/emi.2017.13 (IF: 5.842)
Amendola A, Bianchi S, Lai A, Canuti M, Piralla A, Baggieri M, Ranghiero A, Piatti A, Tanzi E, Zehender G, Magurano F, Baldanti F. Measles re-emergence in northern Italy: pathways of measles virus genotype D8, 2013-2014; 2017. <i>Infection, Genetics and Evolution</i> . 48:120-126. doi: 10.1016/j.meegid.2016.12.013 (IF: 3.342)
Bianchi S, Frati ER, Canuti M, Colzani D, Fasoli E, Amendola A, Tanzi E. Molecular epidemiology and genotyping of <i>Chlamydia trachomatis</i> infection in a cohort of young asymptomatic sexually active women (18-25 years) in Milan, Italy; 2016. <i>Journal of Preventive Medicine and Hygiene</i> . 57(3):E128-134. (IF: 1.957)
Oude Munnink BB, Cotten M, Canuti M, Deijs M, Jebbink MF, van Hemert FJ, Phan MVT, Bakker M, Jazaeri-Farsani SM, Kellam P, van der Hoek L. A novel Astrovirus-like RNA virus detected in human stool; 2016. <i>Virus evolution</i> . 2:vew005. doi: 10.1093/ve/vew005 (IF: 7.989)
Canuti M, O'Leary KE, Hunter DB, Spearman G, Ojkic D, Whitney H, Lang AS. Driving forces behind the evolution of the Aleutian mink disease parvovirus in the context of intensive farming; 2016. <i>Virus evolution</i> . 2:vew004. doi: 10.1093/ve/vew004 (IF: 7.989)
Ayre DC, Pallegar NK, Fairbridge NA, Canuti M, Lang AS, Christian SL. Analysis of the structure, evolution, and expression of CD24, an important regulator of cell fate; 2016. <i>Gene</i> . 590(2):324-37. doi: 10.1016/j.gene.2016.05.038 (IF: 2.319)
Canuti M, Whitney H, Lang AS. Amdoparvoviruses in small mammals: expanding our understanding of parvovirus diversity, distribution, and pathology; 2015. <i>Frontiers in Microbiology</i> . 6:1119. doi: 10.3389/fmicb.2015.01119 (IF: 5.640)
Oude Munnink BB, Cotten M, Deijs M, Jebbink MF, Bakker M, Farsani SM, Canuti M, Kellam P, van der Hoek L. A novel genus in the order Picornavirales detected in human stool; 2015. <i>Journal of General Virology</i> . 96(11):3440-3. doi: 10.1099/jgv.0.000279 (IF: 3.376)
Canuti M, van Beveren NJM, Jazaeri Farsani SM, de Vries M, Deijs M, Jebbink MF, Zaaier HL, van Schaik BDC, van Kampen AHC, van der Kuyl AC, de Haan L, van der Hoek L, Storosum JG. Viral metagenomics in drug-naïve, first-onset schizophrenia patients with prominent negative symptoms; 2015. <i>Psychiatry Research</i> . 229(3):678-84. doi: 10.1016/j.psychres.2015.08.025 (IF: 2.208)
Canuti M, Buka S, Jazaeri Farsani SM, Oude Munnink BB, Jebbink MF, van Beveren NJ, de Haan L, Goldstein J, Seidman LJ, Tsuang MT, Storosum JG, van der Hoek L. Reduced maternal levels of common viruses during pregnancy predict offspring psychosis: Potential role of enhanced maternal immune activity? 2015. <i>Schizophrenia Research</i> . 166(1-3):248-54. doi: 10.1016/j.schres.2015.04.037 (IF: 4.560)
Jazaeri Farsani SM, Oude Munnink BB, Canuti M, Deijs M, Cotten M, Jebbink MF, Verhoeven J, Kellam P, Loens K, Goossens H, Ieven M, van der Hoek L. Identification of a Novel Human Rhinovirus C Type by Antibody Capture VIDISCA-454; 2015. <i>Viruses</i> . 7:239-251. doi: 10.3390/v7010239 (IF: 5.048)
Canuti M, Williams C, Gadi SR, Jebbink MF, Oude Munnink BB, Jazaeri Farsani SM, Cullen J, van der Hoek L. Persistent viremia by a novel parvovirus in a slow loris (<i>Nycticebus coucang</i>) with diffuse histiocytic sarcoma; 2014. <i>Frontiers in Microbiology</i> . 5:655. doi: 10.3389/fmicb.2014.00655 (IF: 5.640)
Canuti M. About viruses, the importance of being Earnest; 2014. <i>Austin Journal of Virology and Retrovirology</i> . 1(1):2.
Canuti M, Deijs M, Jazaeri Farsani SM, Holwerda M, Jebbink MF, de Vries M, van Vugt S, Brugman C, Verheij T, Lammens C, Goossens H, Loens K, Ieven M, van der Hoek L. Metagenomic analysis of a sample from a patient with respiratory tract infection reveals the presence of a γ -papillomavirus; 2014. <i>Frontiers in Microbiology</i> . 5:347. doi: 10.3389/fmicb.2014.00347 (IF: 5.640)
Shaukat S, Angez M, Alam MM, Jebbink MF, Deijs M, Canuti M, Sharif S, Vries M, Khurshid A, Mahmood T, van der Hoek L, Zahoor Zaidi SS. Identification and characterization of Unrecognized Viruses in Stool Samples of Non-polio Acute Flaccid Paralysis Children by simplified VIDISCA; 2014. <i>Virology Journal</i> . 11:146. doi: 10.1186/1743-422X-11-146 (IF: 2.464)
Pariani E, Martinelli M, Canuti M, Jazaeri Farsani SM, Oude Munnink BB, Deijs M, Tanzi E, Zanetti AR, van



der Hoek L, Amendola A. Influenza and other respiratory viruses involved in severe acute respiratory disease in northern Italy during the pandemic and post-pandemic period (2009-2011); 2014. <i>Biomed Research International</i> . 2014;241298. doi: 10.1155/2014/241298 (IF: 2.583)
Canuti M and van der Hoek L. Virus discovery: are we scientists or genome collectors? 2014. <i>Trends in Microbiology</i> 2(5):229-231. doi: 10.1016/j.tim.2014.02.004 (IF: 17.079)
Cotten M, Oude Munnink BB, Canuti M, Deijs M, Watson SJ, Kellam P, van der Hoek L. Full Genome Virus Detection in Fecal Samples Using Sensitive Nucleic Acid Preparation, Deep Sequencing, and a Novel Iterative Sequence Classification Algorithm; 2014. <i>PloS One</i> 9(4): e93269. doi: 10.1371/journal.pone.0093269 (IF: 3.240)
Tan LV, de Jong MD, Kinh NV, Trung NV, Taylor W, Wertheim HFL, van der Ende A, van der Hoek L, Canuti M, Crusat M, Sona S, Uyen NH, Giri A, Bkrong NTT, Nghia HDT, Farrar J, Bryant JE, Hien TT, Chau TVV, van Doorn HR Limited geographic distribution of the novel cyclovirus CyCV-VN; 2014. <i>Scientific Reports</i> 4:3967. doi: 10.1038/srep03967 (IF: 5.133)
Oude Munnink BB, Canuti M, Deijs M, de Vries M, Jebbink MF, Rebers S, Molenkamp R, van Hemert FJ, Chung K, Cotton M, Snijders F, Sol CJA, van der Hoek L. Unexplained diarrhoea in HIV-1 infected individuals; 2014. <i>BMC Infectious Diseases</i> 14:22. doi: 10.1186/1471-2334-14-22 (IF: 3.010)
Oude Munnink BB, Jazaeri Farsani SM, Deijs M, Jonkers J, Verhoeven JTP, Ieven M, Goossens H, de Jong MD, Berkhout B, Loens K, Kellam P, Bakker M, Canuti M, Cotton M, van der Hoek L. Autologous antibody capture to enrich immunogenic viruses for viral discovery; 2013. <i>PloS One</i> 8(11): e78454. doi: 10.1371/journal.pone.0078454 (IF: 3.240)
Jazaeri Farsani SM, Jebbink MF, Deijs M, Canuti M, van Dort KA, Bakker M, Grady BPX, Prins M, van Hemert FJ, Kootstra NA, van der Hoek L. Identification of a new genotype of Torque Teno Mini virus (TTMV); 2013. <i>Virology Journal</i> 10:323. doi: 10.1186/1743-422X-10-323 (IF: 2.464)
Tan LV, van Doorn HR, Nghia HDT, Chau TTH, Tu LTP, de Vries M, Canuti M, Deijs M, Jebbink MF, Baker S, Bryant JE, Tham NT, BKrong NTT, Boni MF, Loi TQ, Phuong LT, Verhoeven JTP, Crusat M, Jeeninga RE, Schultsz C, Chau NVV, Hien TT, van der Hoek L, Farrar J, de Jong MD. Identification of a New Cyclovirus in Cerebrospinal Fluid of Patients with Acute Central Nervous System Infections; 2013. <i>mBio</i> 4(3):e00231-13. doi: 10.1128/mBio.00231-13 (IF: 6.784)
Jazaeri Farsani SM, Oude Munnink BB, Deijs M, Canuti M, van der Hoek L. Metagenomics in virus discovery; 2013. <i>ISBT Science Series</i> 8(1): 193-194. doi: 10.1111/voxs.12039
de Vries M, Oude Munnink BB, Deijs M, Canuti M, Koekkoek SM, Molenkamp R, Bakker M, Jurriaans S, van Schaik BD, Luyf AC, Olabarriaga SD, van Kampen AH, van der Hoek L. Performance of VIDISCA-454 in feces-suspensions and serum; 2012. <i>Viruses</i> 4(8): 1328-1334. doi: 10.3390/v4081328 (IF: 5.048)
Canuti M, Eis-Huebinger AM, Deijs M, de Vries M, Drexler JF, Oppong SK, Müller MA, Klose SM, Wellinghausen N, Cottontail VM, Kalko EK, Drosten C, van der Hoek L. Two novel parvoviruses in frugivorous New and Old World bats; 2011. <i>PLoS One</i> 6(12): e29140 doi: 10.1371/journal.pone.0029140 (IF: 3.240)
de Vries M, Deijs M, Canuti M, van Schaik BD, Faria NR, van de Garde MD, Jachimowski LC, Jebbink MF, Jakobs M, Luyf AC, Coenjaerts FE, Claas EC, Molenkamp R, Koekkoek SM, Lammens C, Leus F, Goossens H, Ieven M, Baas F, van der Hoek L. A sensitive assay for virus discovery in respiratory clinical samples; 2011. <i>PLoS One</i> 6(1): e16118. doi: 10.1371/journal.pone.0016118 (IF: 3.240)
Romanò L, Paladini S, Tagliacarne C, Canuti M, Bianchi S, Zanetti AR. Hepatitis E in Italy: a long-term prospective study; 2011. <i>Journal of Hepatology</i> 54(1): 34-40. doi: 10.1016/j.jhep.2010.06.017 (IF: 17.420)
Zappa A, Canuti M, Frati E, Pariani E, Perin S, Ruzza ML, Farina C, Podestà A, Zanetti A, Amendola A, Tanzi E. Co-circulation of genetically distinct human metapneumovirus and human bocavirus strains in young children with respiratory tract infections in Italy; 2011. <i>Journal of Medical Virology</i> 83(1): 156-164. doi: 10.1002/jmv.21940. (IF: 2.327)
Zehender G, De Maddalena C, Canuti M, Zappa A, Amendola A, Lai A, Galli M, Tanzi E. Rapid molecular evolution of human bocavirus revealed by Bayesian coalescent inference; 2010. <i>Infection, Genetics and Evolution</i> 10(2): 215-220. doi:10.1016/j.meegid.2009.11.011 (IF: 3.342)
Pariani E, Frati ER, Amendola A, Zappa A, Bianchi S, Colzani D, Canuti M, Brambilla D, Zanetti A, Tanzi E.



Molecular characterization and phylogenetic analysis of human influenza A viruses in three consecutive seasons with different epidemiological profiles; 2009. *Journal of Preventive Medicine and Hygiene* 50:113-116. doi:10.15167/2421-4248/jpmh2009.50.2.171 (IF: 1.957)

Amendola A, Bianchi S, Canuti M, Zappa A, Zanoni G, Koncan R, Tanzi E, Cornaglia G, Zanetti AR, Tridente G. Viable Newcastle Disease Vaccine Strains in a Pharmaceutical Dump; 2007. *Emerging Infectious Diseases* 13(12): 1901-1903. doi:10.3201/eid1312.070715 (IF: 6.259)

Atti di convegni

Fappani C, Gori M, Bianchi S, Terraneo M, Bilardi E, Colzani D, Tanzi E, Canuti M, Amendola A. Differential diagnosis for fever and rash as a key strategy to achieve the goal of eliminating Measles and Rubella. 51^o Congresso Nazionale della Società Italiana di Microbiologia (SIM). 24-17 Settembre 2023. Cagliari, Italia.

Mira F, Schirò G, Canuti M, Franzo G, Purpari G, Giudice E, Decaro N, Vicari D, Antoci F, Guercio A. Molecular epidemiology of canine parvovirus type 2 in Sicily, Southern Italy: a plastic and evolving epidemiological scenario. 5th International Conference of the European College of Veterinary Microbiology. 21-23 Settembre 2023. Bled, Slovenia.

Fappani C, Gori M, Bianchi S, Terraneo M, Canuti M, Bilardi E, Colzani D, Marsiglia MD, Tanzi E, Amendola A. Differential diagnosis of measles discarded cases within MoRoNET surveillance network, Lombardy (Italy). 33rd European Congress of Clinical Microbiology and Infectious Diseases (ECCMID). 15-18 aprile 2023. Copenhagen, Danimarca.

Mira F, Chiaramonte G, Lanave G, Schirò G, Canuti M, Capozza P, Randazzo V, Antoci F, Vicari D, Guercio A, Decaro N, Purpari G. Detection and molecular characterization of canine coronavirus type I and II strains from domestic dogs in Southern Italy, 2019-2021. 75^o Convegno della Società Italiana delle Scienze Veterinarie (SISVET) 15-18 giugno 2022. Lodi, Italia.

Schirò G, Mira F, Canuti M, Vullo S, Purpari G, Chiaramonte G, Di Bella S, Cannella V, Randazzo V, Castronovo C, Vicari D, Guercio A. Identification and molecular characterization of a divergent Asian-like canine parvovirus type 2b (CPV-22b) strain in Southern Italy. 75^o Convegno della Società Italiana delle Scienze Veterinarie (SISVET) 15-18 giugno 2022. Lodi, Italia.

Mira F, Chiaramonte G, Schirò G, Decaro N, Franzo G, Canuti M, Purpari G, Vicari D, Antoci F, Di Bella S, Ventriglia G, Di Falco F, Guercio A. Sorveglianza molecolare per il parvovirus del cane in Italia (2019-2021). XX Congresso Nazionale Società Italiana di Diagnostica di Laboratorio Veterinaria. 25-26 Novembre 2021, online.

Mira F, Canuti M, Di Bella S, Puleio R, Lavazza A, Lelli D, Vicari D, Purpari G, Cannella V, Chiaramonte G, Schirò G, Castronovo C, Guercio A. Detection and molecular characterization of two gammaherpesviruses from Pantesco breed donkeys. Third International conference of the European College of veterinary microbiology. 16-17 ottobre 2021, online.

Fry K, Canuti M, Cluff HD, Fenton H, Lang AS. Epidemiology and molecular characterization of canine bufavirus and cachavirus in grey wolves (*Canis lupus*) of the Northwest Territories (presentazione orale). European Wildlife Disease Association Conference. 31 agosto-2 settembre 2021, online.

Canuti M, Bouchard É, Rodrigues B, Whitney HG, Dufour SC, Lang AS, Verhoeven JTP. Newlavivirus, a novel highly prevalent and highly diverse protoparvovirus of foxes (presentazione orale). Tackling global viral epidemics, the first conference of the World Society for Virology. 16-18 giugno 2021, online.

Fry K, Canuti M, Cluff HD, Fenton H, Lang A. Epidemiology and molecular characterization of canine bufavirus and cachavirus In grey wolves (*Canis lupus*) of the Northwest Territories (presentazione orale). Tackling global viral epidemics, the first conference of the World Society for Virology. 16-18 giugno 2021, online.

Large G, Verhoeven JTP, Canuti M, Dufour SC. The identification of a novel iridovirus within the deep-sea carnivorous sponges *Chondrocladia grandis* and *Cladorhiza oxeata* from the Gulf Of Maine and Baffin Bay (Canada) (presentazione orale). Tackling global viral epidemics, the first conference of the World Society for Virology. 16-18 giugno 2021, online.



<p>Fry K, Canuti M, Cluff HD, Fenton H, Lang AS. Epidemiology and molecular characterization of recently discovered parvoviruses of dogs circulating among grey wolves (<i>Canis lupus</i>) of the Northwest Territories (presentazione orale). Science Atlantic Aquaculture & Fisheries and Biology Conference. 12-14 marzo 2021, online.</p>
<p>Mira F, Purpari G, Puleio R, Canuti M, Chiamonte G, Schirò G, Loria GR, Cascio S, Di Marco P, Vicari D, Guercio A. Infezione da gammaherpesvirus in asini di razza pantasca: risultati preliminary (poster). XIX Congresso Nazionale Società Italiana di Diagnostica di Laboratorio Veterinaria. 23-25 ottobre 2019. Matera.</p>
<p>Canuti M, Munro HJ, Robertson GJ, Kroyer ANK, Roul S, Ojkic D, Whitney HG, Lang AS. New insight into the ecology and evolution of avian papillomaviruses from the discovery of 12 novel papillomaviruses in wild birds (presentazione orale). American Society for Virology 38th Annual Meeting. 20-24 luglio 2019, University of Minnesota, Minneapolis.</p>
<p>Sorensen R, Canuti M, Lang AS. Molecular epidemiology of Carnivore protoparvovirus 1 in domestic, stray, and wild carnivores of Newfoundland & Labrador (presentazione orale). Memorial University Biology Undergraduate Research Symposium. Marzo 2019, St. John's.</p>
<p>Canuti M, Williams C, Sagan SM, Oude Munnink BB, Gadi S, Verhoeven JTP, Kellam P, Cotton M, Lang AS, Junge RE, Cullen JM, van der Hoek L. Discovery, ecology, and evolution of novel hepaciviruses and pegiviruses of wild lemurs (poster). 7th European Congress of Virology (ECV) 2019. 28 aprile-1 maggio 2019, Rotterdam.</p>
<p>Brosnan ME, Clow KA, Pongnopparat T, Verhoeven JTP, Canuti M, Brosnan JT. An apple a day: the role of the microbiome in formate metabolism (poster). FASEB Conference on Folic Acid, Vitamin B12, and One-Carbon Metabolism. 29 luglio-3 agosto, Western Shore.</p>
<p>Canuti M, McDonald E, Doyle HE, Graham SM, Rodrigues B, Britton AP, Whitney HG, Marshall HD, Lang AS. Epidemiology and molecular characterization of old and new amdoparvoviruses in Canadian wildlife (poster). Canadian Society of Microbiologists 2018 Annual Conference. 18-21 giugno, University of Manitoba, Winnipeg.</p>
<p>Canuti M, McDonald E, Doyle HE, Graham SM, Rodrigues B, Britton AP, Whitney HG, Marshall HD, Lang AS. Epidemiology and molecular characterization of novel parvoviruses in Canadian wildlife (poster). The 2nd Symposium of the Canadian Society for Virology. 13-15 giugno 2018, Dalhousie University, Halifax.</p>
<p>Canuti M, Lang ASL. Discovery and molecular characterization of three novel avian papillomaviruses (poster). The 2nd Symposium of the Canadian Society for Virology. 13-15 giugno 2018, Dalhousie University, Halifax.</p>
<p>Verhoeven JTP, Canuti M, Munro H, Dufour SC, Lang ASL. ViDiT-CACTUS: a fast, low-cost and sensitive wrapper-method for virus discovery and other microbiology applications (poster). The 2nd Symposium of the Canadian Society for Virology. 13-15 giugno 2018, Dalhousie University, Halifax.</p>
<p>Canuti M, Doyle HE, Britton AP, Lang AS. A novel amdoparvovirus in striped skunk (<i>Mephitis mephitis</i>) (presentazione orale). American Society for Virology 36th Annual Meeting. 24-28 giugno 2017, University of Wisconsin-Madison, Madison.</p>
<p>Canuti M, Rodrigues B, Whitney H, Lang AS. Canine Parvovirus in Newfoundland Coyotes (<i>Canis latrans</i>) (poster). American Society for Virology 36th Annual Meeting. 24-28 giugno 2017, University of Wisconsin-Madison, Madison.</p>
<p>Doyle HE, Canuti M, Britton A, Lang AS. Discovery, characterization and epidemiology of a novel parvovirus in striped skunks (<i>Mephitis mephitis</i>) in British Columbia (poster). University of British Columbia Centre for Microbial Diversity and Evolution Annual Retreat. Novembre 2016, Victoria.</p>
<p>Canuti M, O'Leary K, Hunter DB, Spearman G, Ojkic D, Whitney H, Lang ASL. Driving Forces behind Aleutian Disease Parvovirus Evolution in an Intensive Mink Farming Scenario (presentazione orale). American Society for Virology 35th Annual Meeting. 18-22 giugno 2016, Virginia Tech, Blacksburg.</p>
<p>Canuti M, Williams CV, Gadi SR, Jebbink MF, Oude Munnink BB, Jazaeri Farsani SM, Cullen JM, van der Hoek L. Persistent viremia by a novel parvovirus in a slow loris (<i>Nycticebus coucang</i>) with diffuse histiocytic sarcoma (poster). American Society for Virology 35th Annual Meeting. 18-22 giugno 2016, Virginia Tech,</p>



Blacksburg.
Canuti M, Buka S, Jazaeri Farsani SM, Oude Munnink BB, Jebbink MF, van Beveren NJM, de Haan L, Goldstein J, Seidman LJ, Tsuang MT, Storosum JG, van der Hoek L. Low levels of anelloviruses during pregnancy: the potential role of enhanced maternal immune activity in offspring psychosis (poster). American Society for Virology 35th Annual Meeting. 18-22 giugno 2016, Virginia Tech, Blacksburg.
Canuti M, O'Leary K, Hunter DB, Spearman G, Ojkic D, Whitney H, Lang ASL. Driving Forces behind Aleutian Disease Parvovirus Evolution in an Intensive Mink Farming Scenario (presentazione orale). 1st Workshop of the Canadian Society for Virology (CSV2016). 18 giugno 2016, Virginia Tech, Blacksburg.
Doyle HE, Canuti M, Britton A, Lang AS. Molecular characterization of the Aleutian disease virus in the urban striped skunk (<i>Mephitis mephitis</i>) population of British Columbia (poster). CSM 66th Annual Meeting. 12-15 giugno 2016, Toronto.
Benkaroun J, Canuti M, Whitney H, Lang AS. Studying the genetic and evolutionary dynamics of influenza A virus (presentazione orale). Aldrich Multidisciplinary Graduate Research Conference. Marzo 2016, Memorial University, St. John's.
Doyle HE, Canuti M, Lang AS, Britton A. Molecular characterization of the Aleutian disease virus in the striped skunk (<i>Mephitis mephitis</i>) urban population of British Columbia (presentazione orale). Science Atlantic Aquaculture & Fisheries and Biology Conference. 11-13 marzo 2016, Halifax
Canuti M, Deijs M, de Vries M, Oude Munnink BB, Jazaeri Farsani SM, Jebbink MF, van der Hoek L. Novel pathogenic viruses and their zoonotic potential (presentazione orale). Eurovirology, 5th European Congress of Virology. 11-14 settembre 2013, Lione.
Canuti M, Eis-Huebinger AM, Deijs M, de Vries M, Drexler JF, Oppong SK, Müller MA, Klose SM, Wellinghausen N, Cottontail VM, Kalko EKV, Drosten C, van der Hoek L. Two Novel Parvoviruses in Frugivorous New and Old World Bats (poster). Eurovirology, 5th European Congress of Virology. 11-14 settembre 2013, Lione.
Martinelli M, Canuti M, Pariani E, Jazaeri Farsani SM, Oude Munnink BB, Deijs M, Tanzi E, van der Hoek L, Amendola A. Identification of viral pathogens responsible for severe and complicated respiratory infection during the pandemic and post-pandemic period (2009-2011) (poster). Eurovirology, 5th European Congress of Virology. 11-14 settembre 2013, Lione.
Canuti M, van Beveren NJM, Storosum JG, Jazaeri Farsani SM, de Vries M, Deijs M, Jebbink MF, van Schaik MDC, van Kampen AHC, van der Kuyl AC, de Haan L, van der Hoek L. Viral metagenomics in drug-naïve, recent-onset schizophrenia patients with prominent negative symptoms (poster). Eurovirology, 5th European Congress of Virology. 11-14 settembre 2013, Lione.
Canuti M, van der Hoek L. Novel pathogenic viruses and their zoonotic potential (poster). Prince Mahidol Award Conference 2013, A World United Against Infectious Diseases: Cross-Sectoral Solutions. 28 gennaio-2 febbraio 2013, Bangkok
Fрати E, Zappa A, Canuti M, Pariani E, Colzani D, Tanzi E, Amendola A. Respiratory syncytial virus (RSV)-associated bronchiolitis in children aged ≤1 month (poster). 4th European Congress of Virology "Eurovirology 2010". 7-11 Aprile 2010, Cernobbio, Italy.
Pariani E, Anselmi G, Frati E, Colzani D, Zappa A, Bianchi S, Canuti M, Brambilla D, Tanzi E, Amendola A, Zanetti A. Sorveglianza del nuovo virus influenzale di origine suina A(H1N1)swl-2009 in Lombardia. XI Conferenza Nazionale di Sanità Pubblica. 15-17 ottobre 2009, Napoli.
de Vries M, Deijs M, Canuti M, Jakobs M, van Schaik B, Faria N, Molenkamp R, Baas F, van der Hoek L. Virus discovery 454 sequencing (presentazione orale). 12th European Society for Clinical Virology Winter Meeting (ESCV). 27-30 settembre 2009, Istanbul. Journal of Clinical Virology 46 Suppl.1 (2009)
Canuti M, Liu C, Frati E, Amendola A, Tanzi E, Zappa A. Phylogenetic analysis of Italian human metapneumovirus (HMPV) and human bocavirus (HBoV) strains (poster). 12th European Society for Clinical Virology Winter Meeting (ESCV). 27-30 settembre 2009, Istanbul. Journal of Clinical Virology 46 Suppl.1 (2009)
Canuti M, Zappa A, Pariani E, Amendola A, Colzani D, Bianchi S, Brambilla D, Anselmi G, Tanzi E. Virological-molecular study of aetiological agents associated to Influenza-Like Illness (ILI) (poster). European Society of Clinical Virology, ESCV 2009 Winter Meeting. 7-10 gennaio 2008, Amsterdam.



Canuti M, Bianchi S, Zappa A, Koncan R, Pariani E, Cornaglia G, Tanzi E, Zanetti AR, Tridente G, Amendola A. Viability of vaccine strains in a pharmaceutical dump (presentazione orale). European Society of Clinical Virology, ESCV 2008 Winter Meeting. 7-10 gennaio 2009, Amsterdam.
Amendola A, Bianchi S, Canuti M, Pariani E, Koncan R, Tanzi E, Zanetti A, Tridente G. Biological risk stemming from the long-term burial of vaccinal strains (presentazione orale). The 2008 European Scientific Conference on Applied Infectious Disease Epidemiology ESCAIDE 2008. 19-21 novembre 2008, Berlino.
Zappa A, Canuti M, Amendola A, Pariani E, Colzani D, Ruzza ML, Farina C, Podestà A, Perin S, Tanzi E. Virus Respiratorio Sinciziale (RSV), Human Metapneumovirus (HMPV) e Human Bocavirus (HBoV) associati ad infezioni respiratorie acute in bambini ospedalizzati (poster). XXXVII Congresso Nazionale dell'Associazione Microbiologi Clinici Italiani (AMCLI). 5-8 Ottobre 2008 Stresa.
Amendola A, Bianchi S, Canuti M, Koncan R, Tanzi E, Zanetti A, Tridente G. Rischio biologico da bio-materiali interrati in aree dismesse: un emergente problema di Sanità Pubblica. 43° Congresso Nazionale della Società Italiana di Igiene, Medicina Preventiva e Sanità Pubblica (SIItI). 1-4 Ottobre 2008, Bari.
Zappa A, Pariani E, Canuti M, Amendola A, Colzani D, Bianchi S, Brambilla D, Anselmi G, Tanzi E. Studio virologico-molecolare degli agenti eziologici associati ad Influenza-Like Illness (ILI) (Influnet, Regione Lombardia, Stagione 2006/07). 43° Congresso Nazionale della Società Italiana di Igiene, Medicina Preventiva e Sanità Pubblica (SIItI). 1-4 ottobre 2008, Bari
Pariani E, Frati E, Amendola A, Zappa A, Bianchi S, Colzani D, Canuti M, Anselmi G, Zanetti A, Tanzi E. Molecular characterization and phylogenetic analysis of human influenza A viruses in 3 consecutive seasons with different epidemiological profiles. Third European Influenza Conference. 14-17 Settembre 2008, Vilamoura
Zappa A, Canuti M, Amendola A, Pariani E, Colzani D, Ruzza ML, Farina C, Podestà A, Perin S, Tanzi E. Human Metapneumovirus and Human Bocavirus in hospitalized children with acute respiratory infections (poster). 18th ECCMID (European Congress of Clinical Microbiology and Infectious Diseases), 19-22 aprile 2008, Barcellona.
Bianchi S, Canuti M, Zappa A, Koncan R, Cornaglia G, Tanzi E, Tridente G, Amendola A. Viability of live-attenuated vaccine strains in a pharmaceutical dump (poster). 18th ECCMID (European Congress of Clinical Microbiology and Infectious Diseases). 19-22 aprile 2008, Barcellona.
Canuti M, Amendola A, Brambilla D, Ferraroli M, Ceffa S, Tanzi E. Use of Dried Blood Spots (DBS) for performing epidemiological analysis in developing Countries (poster). 1st ESCAIDE (European Scientific Conference on Applied Infectious Disease Epidemiology). 10-20 ottobre 2007, Stoccolma.
Amendola A, Bianchi S, Canuti M, Koncan R, Tanzi E, Tridente G. Strategie di contenimento del rischio biologico adottate nella bonifica della discarica dell'Istituto Sieroterapico Milanese: un intervento di Sanità Pubblica. X Conferenza Nazionale di Sanità Pubblica. 14-16 ottobre 2007, Pisa.
Bianchi S, Amendola A, Canuti M, Zappa A, Koncan R, Tanzi E. Viability evaluation of long-term burial of Newcastle Disease Virus (NDV) vaccine strains. 7th National Congress of the Italian Society of Virology, 24-26 giugno 2007, Orvieto.
Canuti M, Amendola A, Bianchi S, Zappa A, Koncan R, Tanzi E. Vitalità di ceppi vaccinali di NDV rinvenuti dopo oltre 20 anni di interrimento (poster). Il Workshop nazionale di virologia veterinaria: Diagnostica ed epidemiologia delle infezioni virali degli animali. 7-8 giugno 2007, Ozzano Elimia. POSTER VINCITORE DEL PRIMO PREMIO
Bianchi S, Amendola A, Canuti M, Zappa A, Tanzi E, Koncan R, Cornaglia G. Biological risk stemming from the long-term burial of NDV vaccinal strains (poster). 17th ECCMID (European Congress of Clinical Microbiology and Infectious Diseases). 31marzo-3 aprile 2007, Monaco.
Bianchi S, Amendola A, Canuti M, Zappa A, Tanzi E, Koncan R, Cornaglia G. Reappraisal of the Berg method to assess viral contamination of the soil (poster). 17th ECCMID (European Congress of Clinical Microbiology and Infectious Diseases). 31marzo-3 aprile 2007, Monaco.
Amendola A, Bianchi S, Canuti M, Koncan R, Zanetti A, Tridente G, Cornaglia G. Strategies for containment of biological risk in reclaiming a large urban area used as a waste pit by a serum and vaccine factory. 17th ECCMID (European Congress of Clinical Microbiology and Infectious Diseases). 31marzo-3 aprile 2007,



Monaco.

Bianchi S, Canuti M, Zappa A, Koncan R, Amendola A, Tanzi E. Ottimizzazione di saggi di sopravvivenza di virus enterici nel suolo. 42° Congresso Nazionale della Società Italiana di Igiene Medicina Preventiva e Sanità Pubblica. 27-30 ottobre 2006, Catania.

ALTRE INFORMAZIONI

Invited keynote:

Amdoparvoviruses of carnivorans, the magical mystery tour. International Symposium on ssDNA viruses (IS3DV), section Virus diversity and ecology. 26 settembre - 1 ottobre 2022, Sète, Francia.

Abilitazioni:

- Abilitazione alla professione biologo, conseguita nel maggio 2007 presso l'Università degli studi di Milano
- Abilitazione scientifica nazionale alle funzioni di professore universitario di seconda fascia nel Settore Concorsuale 06/I2-MICROBIOLOGIA, conseguita il 31/01/2022

Attività all'International Committee on Taxonomy of Viruses

Come membro (dal 2017) e co-chair (dal 2020) del gruppo di studio per la famiglia *Parvoviridae* mi occupo della definizione tassonomica e classificazione di generi e specie in questa famiglia virale.

Esperienza editoriale

Associate Editor per: *Heliyon Microbiology* (Cell Press), *Frontiers in Veterinary Sciences*, and *Frontiers in Microbiology*.

Membro dell'Advisory board di: *Archives of Virology* (Springer) and *The Microbe* (Elsevier).

Revisore per diverse riviste internazionali, come ad esempio: including *Emerging Infectious Diseases*, *Scientific Reports*, *Virology Journal*, *Journal of General Virology*, *Viruses*, *Virus Evolution*, *Transboundary and Emerging Diseases*, e altri.

Corsi e training di rilievo:

- *Introduzione alle tecniche di bioinformatica per analisi epidemiologico-molecolari.* Corso svolto presso l'Istituto Superiore di Sanità (Roma) nei giorni 02-05/10/2017.
- *Bioinformatica applicata allo studio dell'evoluzione molecolare e filogenetica di agenti infettivi.* Corso svolto presso l'Università degli Studi di Milano nei giorni 8-12 giugno 2009.
- *International Bioinformatics Workshop on Virus Evolution and Molecular Epidemiology: Evolutionary hypothesis testing.* Corso svolto presso la University of Belgrade (Belgrado) nei giorni 27-31 agosto 2012.
- *International Bioinformatics Workshop on Virus Evolution and Molecular Epidemiology: Large dataset analysis.* Corso svolto presso la University of Florida (Gainesville) nei giorni 25-30 agosto 2013.
- *Protein expression in insect cell lines.* Training di due settimane presso il Pasteur Institute (Parigi) nei giorni 16-27 settembre 2013.

Le dichiarazioni rese nel presente curriculum sono da ritenersi rilasciate ai sensi degli artt. 46 e 47 del DPR n. 445/2000.

Il presente curriculum, non contiene dati sensibili e dati giudiziari di cui all'art. 4, comma 1, lettere d) ed e) del D.Lgs. 30.6.2003 n. 196.

Luogo e data: Verceia (SO), 10/11/2023