



**AL MAGNIFICO RETTORE
DELL'UNIVERSITA' DEGLI STUDI DI MILANO**

COD. ID: 5830

Il sottoscritto chiede di essere ammesso a partecipare alla selezione pubblica, per titoli ed esami, per il conferimento di un assegno di ricerca presso il Dipartimento di Bioscienze

Responsabile scientifico: Prof. ssa Elena Cattaneo

Simone Maestri

CURRICULUM VITAE

INFORMAZIONI PERSONALI

Cognome	Maestri
Nome	Simone

OCCUPAZIONE ATTUALE

Incarico	Struttura
Post-doc	Istituto Italiano di Tecnologia

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Titolo	Corso di studi	Università	anno conseguimento titolo
Laurea Magistrale o equivalente	Bioingegneria	Università degli Studi di Pavia	2016
Specializzazione			
Dottorato Di Ricerca	Biotechnologie	Università degli Studi di Verona	2021
Master			
Diploma Di Specializzazione Medica			
Diploma Di Specializzazione Europea			
Altro			

ISCRIZIONE AD ORDINI PROFESSIONALI

Data iscrizione	Ordine	Città
------------------------	---------------	--------------



LINGUE STRANIERE CONOSCIUTE

lingue	livello di conoscenza
Inglese	Fluente

PREMI, RICONOSCIMENTI E BORSE DI STUDIO

anno	Descrizione premio
------	--------------------

ATTIVITÀ DI FORMAZIONE O DI RICERCA

descrizione dell'attività

ATTIVITÀ PROGETTUALE

Anno	Progetto
------	----------

TITOLARITÀ DI BREVETTI

Brevetto

CONGRESSI, CONVEGNI E SEMINARI

Data	Titolo	Sede
07/2023	IPSCC, presentazione poster: "Dissecting the RNA Life Cycle in Space and Time through INSPEcT2"	Cambridge
06/2023	RNA Society, presentazione poster: "INSPEcT2 - the RNA life-cycle in space and time through cellular fractionation, direct RNA sequencing, and mathematical modeling"	Singapore
06/2023	RNA Society, presentazione poster: "The Role of N6-Methyladenosine in Mediating Drug Resistance of Human Hepatocellular Carcinoma"	Singapore
05/2023	Congress of French Parasitology and Mycology Societies, presentazione: "Nanopore sequencing assessment for the description of the parasitic biodiversity in the wild fauna of French Guiana"	Marrakech
06/2022	SIBBM, presentazione poster: "Benchmarking of tools for the detection of N6-Methyladenosine through direct Nanopore RNA sequencing"	Roma



05/2022	London Calling, presentazione poster: "From the field to the table: grape microbiome as signature of field origin for wine traceability implementing Nanopore and Illumina technologies"	Londra
05/2021	London Calling, presentazione poster: "Cas9-mediated enrichment coupled to nanopore sequencing provides a valuable tool for de-novo assembly of large genomic target regions"	Londra
12/2020	Nanopore Community Meeting, presentazione poster: "Tackling disease related repeat-expansion analysis by Xdrop indirect sequence capture"	Online

PUBBLICAZIONI

Libri

Articoli su riviste
Lopatriello G*, Maestri S*, Alfano M, Papa R, Di Vittori V, De Antoni L, Bellucci E, Pieri A, Bitocchi E, Delledonne M, Rossato M. "CRISPR/Cas9-Mediated Enrichment Coupled to Nanopore Sequencing Provides a Valuable Tool for the Precise Reconstruction of Large Genomic Target Regions", <i>International Journal of Molecular Sciences</i> . 2023; 24(2):1076.
Alfano M, De Antoni L, Centofanti F, Visconti VV, Maestri S, Degli Esposti C, Massa R, D'Apice MR, Novelli G, Delledonne M, Botta A and Rossato M (2022). "Characterization of full-length CNBP expanded alleles in myotonic dystrophy type 2 patients by Cas9-mediated enrichment and nanopore sequencing", <i>eLife</i>
Maestri S, Grosso V, Alfano M, Lavezzari D, Piubelli C, Bisoffi Z, Rossato M, Delledonne M. "STARs (STrain-Amplicon-Seq), a targeted Nanopore sequencing workflow for SARS-CoV-2 diagnostics and genotyping", <i>Biology Methods and Protocols</i> , 2022, bpac020
Schilthuizen M, Thompson CG, de Vries R, van Peursen ADP, Paterno M, Maestri S, Marcolungo L, Esposti CD, Delledonne M, Njunjić I (2022). "A new giant keelback slug of the genus <i>Limax</i> from the Balkans, described by citizen scientists". <i>Biodiversity Data Journal</i> 10: e69685.
Tarquini G, Martini M, Maestri S, Firrao G, Ermacora P. "The Virome of 'Lamon Bean': Application of MinION Sequencing to Investigate the Virus Population Associated with Symptomatic Beans in the Lamon Area, Italy". <i>Plants (Basel)</i> . 2022 Mar 15;11(6):779.
Marcolungo L, Passera A, Maestri S, Segala E, Alfano M, Gaffuri F, Marturano G, Casati P, Bianco PA, Delledonne M. "Real-Time On-Site Diagnosis of Quarantine Pathogens in Plant Tissues by Nanopore-Based Sequencing". <i>Pathogens</i> . 2022 Feb 2;11(2):199.
Maestri S, Gambino G, Lopatriello G, Minio A, Perrone I, Cosentino E, Giovannone B, Marcolungo L, Alfano M, Rombauts S, Cantu D, Rossato M, Delledonne M, Calderón. "L. 'Nebbiolo' genome assembly allows surveying the occurrence and functional implications of genomic structural variations in grapevines (<i>Vitis vinifera</i> L.)". <i>BMC Genomics</i> . 2022 Feb 24;23(1):159.
Grosso V, Marcolungo L, Maestri S, Alfano M, Lavezzari D, Iadarola B, Salviati A, Mariotti B, Botta A, D'Apice MR, Novelli G, Delledonne M, Rossato M. "Characterization of FMR1 Repeat Expansion and Intragenic Variants by Indirect Sequence Capture". <i>Front Genet</i> . 2021 Sep 27;12:743230.
Marcolungo L, Beltrami C, Esposti CD, Lopatriello G, Piubelli C, Mori A, Pomari E, Deiana M, Scarso S, Bisoffi Z, Grosso V, Cosentino E, Maestri S, Lavezzari D, Iadarola B, Paterno M, Segala E, Giovannone B, Gallinaro M, Rossato M, Delledonne M. "ACoRE: Accurate SARS-CoV-2 genome reconstruction for the



characterization of intra-host and inter-host viral diversity in clinical samples and for the evaluation of re-infections". <i>Genomics</i> . 2021 Apr 8;113(4):1628–38.
Degli Esposti C, Iadarola B, Maestri S, Beltrami C, Lavezzari D, Morini M, De Marco P, Erminio G, Garaventa A, Zara F, Delledonne M, Ognibene M, Pezzolo A. "Exosomes from Plasma of Neuroblastoma Patients Contain Doublestranded DNA Reflecting the Mutational Status of Parental Tumor Cells". <i>Int. J. Mol. Sci.</i> 2021, 22, 3667.
Freitag H, de Vries R, Paterno M, Maestri S, Delledonne M, Thompson CG, Lamed H, Lambert R, Fox MF, Gonzalez MC, Delocado ED, Sabordo MR, Pangantihon CV, Njunjić I. " <i>Hydraena</i> (s.str.) <i>dinarica</i> , new species (Coleoptera: Hydraenidae) along with further records of <i>Hydraena</i> spp. from Durmitor National Park, Montenegro and comments on the DNA barcoding problem with the genus". <i>Biodivers Data J.</i> 2021 Jan 12;9:e59892.
Maestri S, Maturo MG, Cosentino E, Marcolungo L, Iadarola B, Fortunati E, Rossato M, Delledonne M. "A Long-Read Sequencing Approach for Direct Haplotype Phasing in Clinical Settings". <i>Int J Mol Sci.</i> 2020 Dec 1;21(23):9177.
Maestri S*, Cosentino E*, Paterno M, Freitag H, Garces J M, Marcolungo L, Alfano M, Njunjić I, Schilthuizen M, Slik F, Menegon M, Rossato M, Delledonne M. (2019). "A Rapid and Accurate MinION-Based Workflow for Tracking Species Biodiversity in the Field". <i>Genes</i> , 10(6), 468.
Lauritano C, De Luca D, Amoroso M, Benfatto S, Maestri S, Racioppi C, Esposito F, Ianora, A. (2019). "New molecular insights on the response of the green alga <i>Tetraselmis suecica</i> to nitrogen starvation". <i>Scientific reports</i> , 9(1), 3336.
*uguale contributo

Atti di convegni

ALTRE INFORMAZIONI

Tutor per il corso "Human Genome Sequencing and Interpretation" a. a. 2018/2019, 2019/2020 e 2020/2021 (prof. M. Delledonne), tot. 36 h
Tutor per il corso "Matematica e Statistica, Mod: Matematica", a. a. 2018/2019 e 2019/2020 (proff. S. Ugolini and C. Pintossi), tot. 24 h

Le dichiarazioni rese nel presente curriculum sono da ritenersi rilasciate ai sensi degli artt. 46 e 47 del DPR n. 445/2000.

Il presente curriculum non contiene dati sensibili e dati giudiziari di cui all'art. 4, comma 1, lettere d) ed e) del D.Lgs. 30.6.2003 n. 196.

RICORDIAMO che i curricula **SARANNO RESI PUBBLICI sul sito di Ateneo** e pertanto si prega di non inserire dati sensibili e personali. Il presente modello è già pre-costruito per soddisfare la necessità di pubblicazione senza dati sensibili.

Si prega pertanto di **NON FIRMARE** il presente modello.

Luogo e data: Castel San Giovanni, 06/07/2023