



UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

Il sottoscritto chiede di essere ammesso a partecipare alla selezione pubblica, per titoli ed esami, per il conferimento di un assegno di ricerca presso il Dipartimento di Bioscienze, responsabile scientifico la Prof.ssa Elena Cattaneo

[Fabio Dezi]

CURRICULUM VITAE

INFORMAZIONI PERSONALI

Cognome	DEZI
Nome	FABIO
Data Di Nascita	05/05/1981

OCCUPAZIONE ATTUALE

Incarico	Struttura
COLLABORATORE	DIPARTIMENTO DI BIOSCIENZE

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Titolo	Corso di studi	Università	anno conseguimento titolo
Laurea Magistrale o equivalente	ING.BIOMEDICA	POLITECNICO MILANO	2009
Specializzazione			
Dottorato Di Ricerca			
Master			
Diploma Di Specializzazione Medica			
Diploma Di Specializzazione Europea			
Altro (ESAME ABILITAZIONE)	ING. INDUSTRIALE	POLITECNICO MILANO	DI 2010

ISCRIZIONE AD ORDINI PROFESSIONALI

Data iscrizione	Ordine	Città

LINGUE STRANIERE CONOSCIUTE

lingue	livello di conoscenza
INGLESE	AVANZATO
SPAGNOLO	BASE



UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

PREMI, RICONOSCIMENTI E BORSE DI STUDIO

anno	Descrizione premio

ATTIVITÀ DI FORMAZIONE O DI RICERCA

Ingegnere Biomedico e Data Scientist con quasi 10 anni di esperienza in ambito di analisi ed integrazione di dati applicato alla ricerca clinica. Sono esperto nel campo dell'analisi predittiva, sviluppo di modelli, algoritmi e scripts in ambito diagnostico e prognostico applicati a patologie Neurodegenerative (SM, SLA), Elettrocardiache (Sindrome di Brugada, complesso QT corto/lungo, fibrillazione atriale) ed Oncologiche (adenocarcinoma polmonare, glioblastoma, carcinoma duttale, tumori epiteliali ovarici). Sono esperto in scripting e programmazione in R, Matlab, Python ma ho anche conoscenze nell'utilizzo di Perl, SAS, SQL, JMP, LabView, Java e C++. Sono in grado di lavorare su sistemi Windows, Linux e MacOS

ATTIVITÀ PROGETTUALE

Anno	Progetto
2016-2018	CSS (S.G.Rotondo): Responsabile di QC, integrazione e visualizzazione attraverso l'utilizzo di R, Python e Matlab, di dati preclinici (genomica, proteomica, metilazione, SNPs), design di database e reportistica. Applicazione di metodi di ML sia Supervised (logistic regression, decision trees) che Unsupervised (clustering, PCA) allo scopo di identificare nuovi approcci terapeutici per glioblastoma e patologie neurodegenerative (SLA, SM)
2012-2016	IEO (Milano): Data manager in progetti clinici per lo studio dei tumori a polmone, seno e ovaie. Applicazione di metodi di ML (inferenza Bayesiana, clustering, PCA) e modelli di predizione per markers discovery e sviluppo di nuovi farmaci. Co-sviluppatore del miR-Test, modello per la diagnosi precoce del tumore al polmone. Acquisizione del brevetto del modello (WO2016038119A1). Sviluppatore dei tool di ottimizzazione del miR-Test (R-based) e software Java per uso clinico. Applicazione di metodi penalized (LASSO, ridge, elastic-net) per lo sviluppo di modelli prognostici per il tumore al seno. Sviluppo di pipeline in R per l'ottimizzazione dei processi ETL della Biobanca IEO
2010-2011	MMRL (Utica, NY, USA): QC, integrazione e visualizzazione di dati NGS (Roche 454 JS), mutazionali e clinici da pazienti affetti da patologie cardiache ereditarie (Sindrome di Brugada, fibrillazione atriale, QT corto/lungo). Setup del sistema hw (Linux workstation) e protocolli Python per l'analisi di dati NGS
2008-2009	Politecnico/San Raffaele (Milano): Sviluppo di pipeline in R per l'analisi di espressione genica per l'identificazione di geni target nello sviluppo delle Sclerosi Multipla nell'uomo ed in modello murino

TITOLARITÀ DI BREVETTI

Brevetto



UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

CONGRESSI, CONVEGNI E SEMINARI

Data	Titolo	Sede
28/06/2018	Frontiers in Dna Sequencing	University of Milan
05/17-02/18	La ricerca in Casa Sollievo	IRCCS Casa Sollievo della Sofferenza
11/02/16	Finding and telling stories using data visualization	SAS UK, Marlow

PUBBLICAZIONI

Libri
[titolo, città, editore, anno...]
[titolo, città, editore, anno...]

Articoli su riviste
"Wnt5a Drives an Invasive Phenotype in Human Glioblastoma Stem-like Cells", Cancer Research, 2017
"An Aggressive Subtype of Stage I Lung Adenocarcinoma with Molecular and Prognostic Characteristics Typical of Advanced Lung Cancers", Clinical Cancer Research, 2017
"miR-Test: a blood test for lung cancer early detection", JNCI, 2015
"Optimization and Standardization of Circulating MicroRNA Detection for Clinical Application: The miR-Test Case", Clinical Chemistry, 2016
"Mutations in SCN10A are responsible for a large fraction of cases of Brugada syndrome", Journal of the American College of Cardiology, 2014

Atti di convegni
[titolo, struttura, città, anno]
[titolo, struttura, città, anno]

ALTRE INFORMAZIONI

Le dichiarazioni rese nel presente curriculum sono da ritenersi rilasciate ai sensi degli artt. 46 e 47 del DPR n. 445/2000.

Il presente curriculum, non contiene dati sensibili e dati giudiziari di cui all'art. 4, comma 1, lettere d) ed e) del D.Lgs. 30.6.2003 n. 196.

Luogo e data: Milano, 05/07/18

FIRMA