

ALLEGATO B

UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

selezione pubblica per n.1 posto/i di Ricercatore a tempo determinato ai sensi dell'art.24, comma 3, lettera b) della Legge 240/2010 per il settore concorsuale 07/G1 - Scienze e Tecnologie Animali, settore scientifico-disciplinare AGR/17 - Zootecnica Generale e Miglioramento Genetico, presso il Dipartimento di MEDICINA VETERINARIA, (avviso bando pubblicato sulla G.U. n. 17 del 02/03/2021) Codice concorso 4548.

Maria Giuseppina Strillacci

CURRICULUM VITAE

INFORMAZIONI PERSONALI (NON INSERIRE INDIRIZZO PRIVATO E TELEFONO FISSO O CELLULARE)

COGNOME	STRILLACCI
NOME	MARIA GIUSEPPINA
DATA DI NASCITA	16, DICEMBRE, 1974

1. ISTRUZIONE E FORMAZIONE:

- **21-11-2014:** Dottorato di Ricerca in Produzioni Animali conseguita presso l'Università degli Studi di Milano, 27° Ciclo. Titolo Tesi di Dottorato: Genome Wide Detection of QTL and CNVs in Dairy Cattle Populations”.
- **27-02-2012:** Laurea in Medicina Veterinaria conseguita presso l'Università degli Studi di Milano. Titolo tesi: Identificazione di QTL associati alla variabilità del contenuto di acido linoleico coniugato (CLA) nel latte di bovini di razza bruna”.
- **04-03-1999:** Laurea in Scienze della Produzione Animale conseguita presso l'Università degli Studi di Milano (Laurea Magistrale a Ciclo Unico - quinquennale). Titolo tesi: “Caratterizzazione mediante microsatelliti della razza bovina Somba (*Bos taurus*)”.

2. INTERRUZIONE DALL'ATTIVITÀ DI RICERCA

- Congedo per maternità: gennaio 2009 – giugno 2009.
- Lavoro come tecnico di laboratorio presso società di servizi (Kos Genetic 3 Novembre 2009 – 2 Novembre 2010)
- Tirocinio obbligatorio previsto dal corso di studi in Medicina Veterinaria dell'Università degli Studi di Milano e completamento degli studi (Novembre 2010 – Ottobre 2011).

3. ABILITAZIONI E NOMINE

- 2020 – Nomina del Ministero delle Politiche Agricole Alimentari e Forestali come membro della Commissione Tecnica Centrale Associazioni Feline Federate - AFef-WCF per il triennio 2020-2022.
- 2019 – Abilitazione Scientifica Nazionale bando D.D. 1532/2016, Settore Concorsuale 07/G1, FASCIA: II, Primo Quadrimestre, periodo di validità 09/05/2019 al 09/05/2025 (art. 16, comma 1, Legge 240/10).
- 2012 – Abilitazione all'Esercizio della Professione di Medico Veterinario, Università degli Studi di Milano.
- 1999 – Abilitazione all'Esercizio della Professione di Dottore Agronomo e Dottore Forestale, Università degli Studi di Milano.

4. ESPERIENZE PROFESSIONALI

A.A. 2020 – 2021	Professore a Contratto (Insegnamento di Zootecnica Generale e Miglioramento Genetico – Unità didattica: Zootecnica Generale e Miglioramento Genetico. Dettagli sezione 6.1)
A.A. 2020 – 2021	Professore a Contratto (Insegnamento Genetica degli animali da reddito - Unità didattica: Miglioramento genetico. Dettagli sezione 6.1)
1-02-2019 – 31/12/2020	Membro della Commissione Qualità di Dipartimento.
A.A. 2019 – 2020	Professore a Contratto (Insegnamento di Zootecnica Generale e Miglioramento Genetico – Unità didattica: Zootecnica Generale e Miglioramento Genetico. Dettagli sezione 6.1)
A.A. 2019 – 2020	Professore a Contratto (Insegnamento Genetica degli animali da reddito - Unità didattica: Miglioramento genetico. Dettagli sezione 6.1)
1-10-2018 – 31/12/2020	Membro del Collegio dei Docenti in Medicina Veterinaria dell'Università degli Studi di Milano, in qualità di professore a contratto.

1-10-2019 – 31/12/2020	Membro del Collegio dei Docenti in Allevamento e Benessere Animale e in Scienze delle Produzioni Animali e del corso di Laurea Magistrale in Scienze e Tecnologie delle Produzioni Animali dell'Università degli Studi di Milano, in qualità di professore a contratto.
A.A. 2018 – 2019	Professore a Contratto (Insegnamento di Zootecnica Generale e Miglioramento Genetico – Unità didattica: Zootecnica Generale e Miglioramento Genetico. Dettagli sezione 6.1)
1-06-2018 – 14-07-2019	Honorary Associate/Fellow University of Wisconsin Madison Attribuzione di incarico di ricerca presso il Department of Animal Science in collaborazione con il Prof. Hasan Khatib. Titolo della ricerca: "Characterization of epigenetic factors affecting production and reproduction traits in livestock". Pubblicazione relativa all'attività di ricerca: N. 8 (tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae).
1-03-2017 – 28-02-2019 Rinnovo 1-03-2019 – 31-12-2020	<p>Assegnista di Ricerca tipo A presso il Dipartimento di Medicina Veterinaria (DIMEVET) dell'Università degli Studi di Milano per il settore scientifico disciplinare AGR/17. Titolo della ricerca: Genomica applicata alla resilienza e alla biodiversità nelle specie zootecniche.</p> <p>La ricerca più recente, attiva in ambito internazionale, è orientata all'analisi genomica per la ricerca di marcatori genetici indicatori di resistenza alle malattie, di QTL (Quantitative Trait Loci) e di geni associati a patologie veterinarie, a caratteri di efficienza produttiva e riproduttiva in animali in produzione zootecnica. I risultati della ricerca sviluppata hanno un impatto importante per il settore zootecnico-veterinario orientato in modo specifico alla realizzazione di strumenti diagnostici e possono essere applicati in programmi di selezione assistita da marcatori e nella selezione genomica oggi attuata nelle specie di interesse zootecnico.</p> <p>Un'ulteriore attività di ricerca è focalizzata all'identificazione di variabilità genetica nelle specie avicole (polli, tacchini, faraone), in razze canine e feline e nella specie bufalina utilizzando le più moderne informazioni genomiche disponibili (Whole Genome Sequence e SNP chip densi). Nell'ambito di questa attività è responsabile per il gruppo di ricerca del sequenziamento e della genotipizzazione con marcatori molecolari SNP e delle analisi bioinformatiche dei dati.</p> <p>Partecipazione al gruppo di ricerca internazionale sulle cause genetiche alla base dell'amiloidosi nel gatto di razza Abissino. I risultati di questa ricerca sono stati inseriti in una pubblicazione in fase di revisione (stato della pubblicazione: accettato con revisione) (N. 3 – paragrafo 14 del Curriculum Vitae).</p> <p>Inoltre, sviluppa studi di genomica strutturale per l'identificazione specifica di Copy Number Variant (CNV) e la loro associazione a patologie a controllo complesso.</p> <p>È responsabile dell'attività del laboratorio di genetica molecolare, attrezzato per l'estrazione di DNA, RNA, la tipizzazione di marcatori genetici del DNA, il sequenziamento dell'intero genoma.</p> <p>Sviluppa inoltre analisi bioinformatiche presso del gruppo di ricerca di cui è parte.</p> <p>Il coinvolgimento internazionale nella ricerca vede collaborazioni attive con: INIFAP (Queretaro, Stati Uniti del Messico); University of Mexico (Mexico City, Stati Uniti del Messico); Hebrew University of Jerusalem (Jerusalem, Israele); Agricultural Research Organisation (Bet Dagan, Israele); University of Wisconsin Madison (Madison, Wisconsin, USA); Qualitas AG (Zug, Svizzera); University of Tehran, Karaj, Iran.</p> <p>A livello nazionale sono attive collaborazioni con l'Università di Bologna, l'Università di Padova, l'Università degli Studi di Palermo e con Associazioni Nazionali Allevatori di Razza (Associazione Nazionale Allevatori Bovini di Razza Valdostana, Associazione Nazionale Allevatori Razza Bruna, Holstein Mexico).</p> <p>Pubblicazioni relative all'attività di ricerca: N. 1-21, 24, 25, 27 (tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae)</p>
1-01-2015 – 31-12-2015 Rinnovo 1-1-2016 – 31-12-2016 Rinnovo 1-01-2017 – 28-02-2017	<p>Assegnista di Ricerca tipo B per il settore Scientifico Disciplinare AGR/17-Zootecnica Generale e Miglioramento Genetico presso il Dipartimento di Scienze Veterinarie per la Salute, la Produzione Animale e la Sicurezza Alimentare (VESPA) e successivamente presso il Dipartimento di Medicina Veterinaria (DIMEVET) dell'Università degli Studi di Milano. Titolo della ricerca: Identificazioni di varianti funzionali nel genoma bovino per caratteri produttivi e funzionali.</p> <p>Durante questo periodo continua la sua attività di ricerca intrapresa nel corso del suo dottorato di ricerca, ampliandola con collaborazioni internazionali e tematiche più ampie.</p>

	<p>Publicazioni relative all'attività di ricerca: N. 22, 23, 26, 28-31 (tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae)</p>
1-11-2011 – 31-10-2014	<p>Dottoranda di Ricerca con borsa di Studio dell'Ateneo (Dottorato di Ricerca in Produzioni Animali Ciclo 27°) presso il Dipartimento di Scienze Veterinarie per la Salute, la Produzione Animale e la Sicurezza Alimentare (VESPA) dell'Università degli Studi di Milano per il gruppo disciplinare AGR/17.</p> <p>Durante lo svolgimento del dottorato sviluppa studi per l'identificazione di QTL per caratteri sanitari e di variabilità strutturale nei bovini da latte. Titolo della tesi: "Genome Wide Detection of QTL and CNVs in Dairy Cattle Populations".</p> <p>Publicazioni relative all'attività di ricerca: N. 33, 35, 36 (tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae).</p> <p>Durante il dottorato di ricerca partecipa ad altre attività di ricerca per le quali ha avuto un ruolo nella produzione di dati molecolari, nelle analisi dei dati, nell'interpretazione dei risultati e nella stesura dell'articolo. Publicazioni relative all'attività di ricerca aggiuntiva: N. 32, 34, 37 (tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae)</p> <p>Infine, svolge attività finalizzata al tutoraggio e ad attività integrative della didattica ai sensi dell'art. 45 del Regolamento generale dell'Università degli Studi di Milano (3 marzo 2014 – 30 maggio 2014).</p>
3-11-2009 / 2 -11- 2010	<p>Tecnico specializzato di laboratorio di genetica molecolare presso la società di servizi startup Kos Genetic s.r.l. con sede presso la Fondazione Filarete, spin off dell'Università degli Studi di Milano.</p> <p>Attività sviluppata in laboratorio di genetica molecolare: genotipizzazione di marcatori con SNP densi e analisi di espressione genica utilizzando lo strumento Illumina iScan; sequenziamento di DNA (genomi interi) e di RNA con Genome Analyzer Iix. Ha utilizzato le tecnologie dei robot Tecan per la preparazione dei campioni e per l'allestimento dei chip SNP e delle flow cells di sequenziamento.</p> <p>Inoltre, ha sviluppato attività relativa ad analisi di campioni in PCR quantitativa con qPCR della ABI della Life technologies.</p> <p>Le tecniche di valutazione della qualità del DNA (quantificazione e purezza) con strumenti avanzati (NanoQuant della Tecan) erano parte delle attività di routine svolte giornalmente.</p>
1-11-2005 / 31-10-2007 Rinnovo 1-11-2007 / 31-10-2009	<p>Assegnista di Ricerca tipo A presso il Dipartimento di Scienze Animali dell'Università degli Studi di Milano. Titolo della ricerca: "Malattie genetiche emergenti negli animali domestici: l'ittiosi congenita nella razza Chianina". Publicazioni relative all'attività di ricerca: N. 41, 42 (tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae).</p> <p>Durante questo periodo partecipa ad altre attività di ricerca per le quali ha avuto un ruolo nella produzione di dati molecolari, nelle analisi dei dati, nell'interpretazione dei risultati e nella stesura dell'articolo. Publicazioni relative all'attività di ricerca aggiuntiva: N. 38, 39, 40, 43, 44, 45 (tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae).</p>
1 -05-2004 / 30-04 2005	<p>Assegnista di Ricerca tipo B presso l'Istituto di Zootecnica della Facoltà di Medicina Veterinaria dell'Università degli Studi di Milano. Titolo della ricerca: "Polimorfismo genetico del Complesso Maggiore di Istocompatibilità (MHC) nell'infezione da papillomavirus nel bovino (BPV)".</p> <p>Publicazioni relative all'attività di ricerca: N. 55 (paragrafo 13.3 del Curriculum Vitae).</p> <p>I dati dello studio sono stati recentemente rielaborati in quanto ancora di interesse ed attualità e sono oggetto di un manoscritto scientifico sottoposto per la pubblicazione su rivista internazionale con Peer Review ed attualmente in fase di revisione (stato della pubblicazione: accettato con revisione): <i>Maria Longeri, Valeria Russo, Maria Giuseppina Strillacci, Antonella Perillo, Michela Carisetti, Maria Cristina Cozzi, Benedetto Neola and Sante Roperto. Association between BoLA-DRB3.2 polymorphism and bovine papillomavirus infection for bladder tumor risk in Podolica cattle. Frontiers in Veterinary Science (N. 2 – paragrafo 14 del Curriculum Vitae).</i></p>
1-05-2002 /30-04-2003 Rinnovo 1-05-2003 / 30-04-2004	<p>Assegnista di Ricerca tipo B presso l'Istituto di Zootecnica della Facoltà di Medicina Veterinaria dell'Università degli Studi di Milano. Titolo della ricerca: "Variabilità genetica del complesso d'istocompatibilità (MHC) in relazione al contenuto di cellule somatiche nel latte". Publicazioni relative all'attività di ricerca: N. 47 (tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae).</p> <p>Partecipa ad altre attività di ricerca per le quali ha un ruolo relativo alla produzione di dati molecolari, alle analisi dei dati, alla interpretazione dei risultati e alla stesura</p>

	dell'articolo. Pubblicazioni relative all'attività di ricerca aggiuntive: N.46 (tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae)
1-02-2001 / 31-01-2002	Assegnista di Ricerca tipo B presso l'Istituto di Zootecnica della Facoltà di Medicina Veterinaria dell'Università degli Studi di Milano. Titolo della ricerca: "Marcatori genetici di resistenza alla Tuberculosis bovina: gene NRAMP1 (proteina associata alla resistenza naturale dei macrofagi)". Pubblicazioni relative all'attività di ricerca: N. 64, 65, 67, 68 (paragrafo 13.3 del Curriculum Vitae)
1-03-2000 / 31-12-2000	Borsa di Studio presso l'Istituto di Zootecnica della Facoltà di Medicina Veterinaria dell'Università degli Studi di Milano. Titolo della ricerca: "Analisi dei marcatori molecolari delle popolazioni equine allevate in Italia. Pubblicazioni relative all'attività di ricerca: N. 66 (paragrafo 13.3 del Curriculum Vitae)
1-04-1999 / 31-12-1999	Borsa di Studio progetto finalizzato RIAZ (10/RAIZ97-98/CE) dell'Istituto Lazzaro Spallanzani di Rivolta d'Adda, usufruito presso l'Istituto di Zootecnica della Facoltà di Medicina Veterinaria dell'Università degli Studi di Milano. Durante lo sviluppo della borsa effettua la genotipizzazione di bovini con marcatori microsatellite nell'ambito di un progetto di caratterizzazione della biodiversità tra razze.

5. PARTECIPAZIONE E COORDINAMENTO DELLE ATTIVITÀ DI RICERCA A LIVELLO NAZIONALE O INTERNAZIONALE

5.1 – Attività di ricerca a livello nazionale

- Partecipazione al gruppo di ricerca del progetto PRIN 2001: "Variabilità genetica del Complesso maggiore di Istocompatibilità (MHC) in relazione a contenuto di cellule somatiche nel latte". Coordinatore Prof.ssa Marta Zanotti. Risultati del progetto nella pubblicazione **N. 47 (tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae)**. **Ruolo nel progetto** - È stata responsabile della produzione dei dati molecolari che ha prodotto in prima persona e ha collaborato alle analisi dei dati prodotti e all'interpretazione dei risultati.
- Partecipazione al gruppo di ricerca del progetto PRIN 2003: "Polimorfismo genetico del Complesso maggiore di Istocompatibilità (MHC) nell'infezione da papillomavirus nel bovino (BPV)". Coordinatore Prof.ssa Maria Lina Longeri. Risultati nella pubblicazione presentati a convegno (**N. 55 - paragrafo 13.3 del Curriculum Vitae**) e recentemente rielaborati e oggetto di una pubblicazione in fase di revisione (stato della pubblicazione: accettato con revisione): *Maria Longeri, Valeria Russo, Maria Giuseppina Strillacci, Antonella Perillo, Michela Carisetti, Maria Cristina Cozzi, Benedetto Neola and Sante Roperto. Association between BoLA-DRB3.2 polymorphism and bovine papillomavirus infection for bladder tumor risk in Podolica cattle. Frontiers in Veterinary Science (N. 2 – paragrafo 14 del Curriculum Vitae)*. **Ruolo nel progetto** - È stata responsabile della produzione dei dati molecolari che ha prodotto in prima persona e ha collaborato alle analisi dei dati prodotti e all'interpretazione dei risultati.
- Partecipazione al gruppo di ricerca del progetto PRIN 2006: "Mutazioni della regione D LOOP del DNA mitocondriale e carcinoma della vescica urinaria in bovini con infezione da papillomavirus". Coordinatore Prof. Maria Lina Longeri. **Ruolo nel progetto** - La candidata in qualità di assegnista di ricerca è stata responsabile della produzione dei dati molecolari che ha prodotto in prima persona e delle analisi bioinformatiche sulla variabilità genetica, nonché della loro interpretazione.
- Partecipazione al gruppo di ricerca del progetto finanziato dalla Regione Lombardia, n°1328: "LattOmega: Acidi grassi nel latte: prospettive di miglioramento genetico nei bovini". Risultati nella pubblicazione **N. 32 e 37 (tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae)**. **Ruolo nel progetto** - La candidata ha partecipato alla analisi ed interpretazione dei dati ed alla stesura dell'articolo.
- Partecipazione al gruppo di ricerca del progetto finanziato dalla Regione Lombardia, n°837: "QuaLAT: identificazione di QTL per resistenza alla mastite e per caratteristiche nutrizionali del latte in popolazioni di bovini da Latte. Responsabile scientifico Prof. A. Bagnato. Risultati nella pubblicazione **N. 36 (tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae)**. **Ruolo nel progetto** - Responsabile della produzione dei dati molecolari che ha prodotto in prima persona, delle analisi dei dati e della loro interpretazione e della scrittura dell'articolo
- Partecipazione al gruppo di ricerca del progetto: Italian Ministry of Health (project IZS PLV 10/17 RC): "Ricerca di fattori genetici coinvolti nell'insorgenza dell'Ipertrofia Muscolare Lipomatosa nella razza bovina Piemontese: approccio genome-wide basato su DNA pooling e SNP-chip ad alta densità. Responsabile scientifico Dr. Simone Peletto. Risultati nella pubblicazione **N. 23 (tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae)**. **Ruolo nel progetto** - Responsabile della produzione dei dati molecolari che ha prodotto in prima persona, delle analisi dei dati e della loro interpretazione e della scrittura dell'articolo
- Partecipazione al gruppo di ricerca del progetto: Fondo Europeo per lo sviluppo rurale/Ministero delle Politiche Agricole, Alimentari e Forestali. Programma di Sviluppo Rurale Nazionale (PSRN)-Biodiversità – sottomisura 10.2: "LATTEco": Le razze bovine da latte per la definizione di modelli selettivi sostenibili (2017-2020). **Ruolo nel progetto** - La candidata in qualità di assegnista di ricerca è responsabile delle analisi bioinformatiche sulla variabilità

genetica della loro interpretazione e della divulgazione dei risultati in accordo con la Terza Missione dell'Università (Pubblicazioni N. 2 e 3 - **paragrafo 13.4 del Curriculum Vitae**).

- Partecipazione al gruppo di ricerca del progetto: Fondo Europeo per lo sviluppo rurale/Ministero delle Politiche Agricole, Alimentari e Forestali. Programma di Sviluppo Rurale Nazionale (PSRN)-Biodiversità – sottomisura 10.2: “DUALBREEDING”: un modello alternativo di zootecnia bovina eco-sostenibile (2017-2020). **Ruolo nel progetto** - La candidata come componente del gruppo di ricerca è coinvolta con la qualifica di assegnata di ricerca, ed è responsabile delle analisi bioinformatiche sviluppate sui dati di genotipizzazione effettuati nell'ambito del progetto con SNP chip. Risultati nella pubblicazione N. 2 (**tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae**).
- Partecipazione al gruppo di ricerca del progetto: Fondo Europeo per lo sviluppo rurale/Ministero delle Politiche Agricole, Alimentari e Forestali. Programma di Sviluppo Rurale Nazionale (PSRN)-Biodiversità – sottomisura 10.2: “TuBAvI: Tutela della biodiversità delle razze avicole italiane” (2017-2020). **Ruolo nel progetto** - La candidata come componente è coinvolta con la qualifica di assegnista di ricerca; è responsabile della produzione dei dati di genotipizzazione con SNP chip densi e delle analisi bioinformatiche dei dati di genotipizzazione. Risultati nella pubblicazione N. 1 (**tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae**).
- La candidata è parte del gruppo di ricerca del Dipartimento di Medicina Veterinaria coordinatore del progetto "Sviluppo di uno strumento GENOMico per la gestione della RIProduzione nei bovini da latte e per il controllo della consanguineità - (GENORIP)" finanziato con il programma Fondo Europeo Agricolo per lo Sviluppo Rurale - SOTTOMISURA 16.1 – “Sostegno per la costituzione e la gestione dei Gruppi Operativi del PEI in materia di produttività e sostenibilità dell'agricoltura” a finanziamento Regione Lombardia (2019-2022). **Ruolo nel progetto** - Nel gruppo di ricerca è responsabile delle attività di genotipizzazione ed analisi dei dati nel progetto. Parte delle attività svolte durante lo svolgimento del Progetto sono state oggetto di tre tesi di laurea (descrizione nella sezione **6.3 – Attività Nazionali di tutorato di studenti**)

5.2 – Attività di ricerca a livello internazionale

- Partecipazione al gruppo di ricerca del progetto “QUANTOMICS: From Sequence to Consequence – Tools for the Exploitation of Livestock Genomes” (Grant agreement n° 222664-2). Responsabile scientifico Prof. A. Bagnato. **Ruolo nel progetto** – Produzione dei dati molecolari (genotipizzazione con SNP chip), collaborazione nelle analisi statistiche dei dati e nella stesura degli articoli. Pubblicazioni relative: N. 26, 30, 33, 35 (**tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae**).
- Partecipazione al gruppo di ricerca del progetto - Ministero degli Affari Esteri e della Cooperazione Internazionale, progetto identificativo n. M01678: "Variabilità genetica in razze avicole autoctone Messicane ed Italiane: struttura genetica, analisi filogenetica ed interazione genotipo-ambiente". Responsabile scientifico Prof. A. Bagnato. **Ruolo nel progetto** – Produzione dei dati molecolari, analisi statistiche dei dati, stesura degli articoli. Pubblicazioni relative: N. 17, 19, 25, 27 (**tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae**).
- Partecipazione al gruppo di ricerca del progetto: "Mapeo de variación en el número de copias en el genoma, asociado al conteo celular somático en bovinos de raza Holstein" sviluppata in collaborazione con l'Universidad de Mexico. **Ruolo nel progetto** – Coordina le analisi bioinformatiche dei dati, la loro interpretazione e la stesura dell'articolo. Pubblicazione relativa: N. 28 (**tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae**).
- Partecipazione al gruppo di ricerca del progetto bilaterale Italia–Messico: "Progetti di grande rilevanza 2016 previsti nei programmi/protocolli esecutivi di Cooperazione scientifica e tecnologica bilaterale vigenti nel 2016, Ministero degli Esteri e della Cooperazione Internazionale (identificativo progetto n. PGR00206): "Variabilità genetica in razze avicole autoctone Messicane ed Italiane: struttura genetica, analisi filogenetica ed interazione genotipo ambiente". Il progetto prevedeva la genotipizzazione dei soggetti con Affymetrix Axiom Turkey genotyping array. **Ruolo nel progetto** – Produzione dei dati molecolari, analisi statistica dei dati, stesura dell'articolo. Pubblicazione relativa: N. 10 (**tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae**).
- Partecipazione al gruppo di ricerca del progetto bilaterale Italia–Messico: "Progetti di grande rilevanza 2017 previsti nei programmi/protocolli esecutivi di Cooperazione scientifica e tecnologica bilaterale vigenti nel 2017, Ministero degli Esteri e della Cooperazione Internazionale (identificativo progetto n. PGR00743): "Variabilità genetica in razze avicole autoctone Messicane ed Italiane: struttura genetica, analisi filogenetica ed interazione genotipo ambiente". Il progetto prevedeva il sequenziamento completo del genoma di Tacchino di soggetti della popolazione messicana e di alcune razze Italiane. **Ruolo nel progetto** – La candidata è responsabile della produzione dei dati di sequenza e come componente è coinvolta con la qualifica di assegnata di ricerca, nelle analisi bioinformatiche dei dati di sequenza tutt'ora in corso.
- Partecipazione al gruppo di ricerca del progetto: “Genomics of Guineafowl” in collaborazione con il Prof. Ali Esamilzadeh della University of Kerman (Iran), la Dr. Sheila C Ommeh della Jomo Kenyatta University of Agriculture and Technology, Nairobi, Kenia e il Dr. Ming-Sheng Peng del Kunming Institute of Zoology, Chinese Academy of Science, China che ha come obiettivo uno studio mondiale sulla variabilità genetica della Faraona Mitrata (*Numida meleagris*) **Ruolo nel progetto** – Coordina la parte italiana dello sviluppo del progetto di ricerca contribuendo al campionamento, alla interpretazione dei risultati ed alla stesura del manoscritto inviato per la pubblicazione in fase di revisione (stato della pubblicazione: accettato con *minor revision*): Quan-Kuan Shen, Min-Sheng Peng, Adeniyi C. Adeola, Ling Kui, Shengchang Duan6, Yong-Wang Miao, Nada M. Eltayeb, Jacqueline K.

Lichoti, Newton O. Otecko, **Maria Giuseppina Strillacci**, Erica Gorla, Alessandro Bagnato, Olaogun S. Charles, Oscar J. Sanke, Philip M. Dawuda, Agboola O. Okeyoyin, John Musina, Peter Njoroge, Bernard Agwanda, Szilvia Kusza, Hojjat Asadollahpour Nanaei, Rana Pedar, Ming-Min Xu, Yuan Du, Lotanna M. Nneji, Robert W. Murphy, Ming-Shan Wang, Ali Esmailzadeh, Yang Dong, Sheila C. Ommeh, Ya-Ping Zhang. Genomic analyses unveil helmeted guinea fowl (*Numida meleagris*) domestication in West Africa. **Genome Biology and Evolution**. (N. 4 – **paragrafo 14 del Curriculum Vitae**).

- Partecipazione al gruppo di ricerca internazionale del progetto sviluppato in collaborazione con l'Universidad Autonoma de Queretaro, oggetto del programma di Dottorato di Ricerca di Sara Gonzales Ruiz. **Ruolo nel progetto** – Coordina e supporta le analisi di associazione tra marcatori genetici e resistenza alla tubercolosi bovina, tematica che è parte del lavoro di ricerca della tesi di dottorato della candidata Sara Gonzales Ruiz. Pubblicazione relativa: **N.12 (tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae)**
- Durante il suo periodo presso la University of Wisconsin Madison (USA) è parte del gruppo di ricerca del Prof. Hasan Khatib collaborando alle seguenti ricerche, alcune delle quali sono ancora in fase di sviluppo:
 - The characterization of paternal genes contributing to early embryonic development in cattle **Ruolo nel progetto** –Analisi bioinformatiche dei dati di RNA seq.;
 - The development of biomarkers for familial hypercholesterolemia in pigs **Ruolo nel progetto** - Analisi bioinformatiche dei dati di RNA seq. - validazione di parte dei risultati (geni risultati differentemente espressi) attraverso qPCR su campioni del progetto;
 - The characterization of embryonic mRNAs involved in fetal-mother communication. Pubblicazione relativa: **N. 8 (tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae)**. **Ruolo nel progetto** - Analisi bioinformatiche dei dati di RNA seq.
- Coordina la ricerca a livello internazionale con il Department of Animal Science, University College of Agriculture and Natural Resources, University of Tehran, Karaj, Iran e il Department of Animal Science and Aquaculture, Dalhousie University, Truro, Canada relativamente alla "Identificazione delle variabilità genetica nel bufalo. **Ruolo nel progetto** – Analisi bioinformatiche dei dati, loro interpretazione e stesura dell'articolo. I risultati della ricerca sono stata oggetto di una pubblicazione in fase di revisione (stato della pubblicazione: accettato con revisione): Maria G. Strillacci, Hossein Moradi-Shahrababak, Pourya Davoudi, Seyed Mohammad Ghoreishifar, Mahdi Mokhber, Anwar Jamai Masroure, Alessandro Bagnato. A genome-wide scan of copy number variants in three Iranian indigenous river buffaloes. BMC Genomics (N.1 – paragrafo 14 del Curriculum Vitae).
- Coordina il progetto internazionale di ricerca "Genetic variability among Criollo Mexican native cattle and other cattle populations" assegnatole dal "Centro Nacional de Investigación Disciplinaria en Fisiología y Mejoramiento Animal" del Messico. **Ruolo nel progetto** – Ideatrice e coordinatrice del progetto di ricerca, ha sviluppato lo studio e ha contribuito in prima persona alla realizzazione delle analisi dati ed alla stesura dell'articolo per la pubblicazione. Pubblicazione relativa: **N. 9 (tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae)**.
- Parte del team (nella figura di **WP leader: WP3 - Molecular Profiling**) che ha sottoposto una richiesta di finanziamento all'Unione Europea nell'ambito del programma H2020 per la call SFS-13-2020: Genome and Epigenome enabled breeding in terrestrial livestock. Titolo del progetto presentato "EPI-genome enabled breeding in RUMinant species - (EPIRUM), Coordinatore Università degli Studi di Milano, Dipartimento di Medicina Veterinaria. **Ruolo nel progetto** –Work Package Leader: ha sviluppato le azioni progettuali di ricerca necessarie a sviluppare il Work Package coordinando l'attività dei diversi partner internazionali coinvolti. Valutazione 14/15 – Predentato redress sulla valutazione da parte del coordinatore.
- Parte del gruppo di ricerca del Dipartimento di Medicina Veterinaria dell'Università degli Studi di Milano per la proposta di finanziamento di ricerca al programma H2020 per la call SFS-13-2020: Genome and Epigenome enabled breeding in terrestrial livestock. Titolo del progetto presentato: "Genomic and epigenomic resources and innovative phenotyping strategies and methods for sustainable breeding, crossbreeding and conservation programmes in pig and poultry production systems – GREP, coordinato dall'Alma Mater Studiorum - Università di Bologna. **Ruolo nel progetto** – È parte del gruppo di ricerca dell'Università degli Studi di Milano contribuendo alla stesura del progetto. Valutazione 14/15 – Predentato redress sulla valutazione da parte del coordinatore.
- Membro del gruppo di ricerca per la richiesta di finanziamento per il progetto dei bandi PRIMA con finanziamento da parte dalla Unione Europea: "Tailoring conservation and valorisation programs of animal genetic resources for sustainable meat production in a changing Mediterranean environmental area in the COVID-19 pandemic era - (Med-Meat-Net) coordinato dall'Alma Mater Studiorum - Università di Bologna. **Ruolo nel progetto** - È parte del gruppo di ricerca dell'Università degli Studi di Milano. Non finanziato.

6. ATTIVITÀ DIDATTICA A LIVELLO UNIVERSITARIO IN ITALIA O ALL'ESTERO

6.1 – Docenza presso l'Università degli Studi di Milano

- *A.A. 2018/2019* – Formale attribuzione di incarichi di insegnamento - Professore a contratto dell'insegnamento di Zootecnica Generale e Miglioramento Genetico – Unità didattica: Zootecnica Generale e Miglioramento Genetico – presso il Corso di Laurea in Medicina veterinaria dell'Università degli Studi di Milano. Attività esercitative ripetute a gruppi – Il gruppo (*16 ore, 1 CFU*).

- *A.A. 2019/2020* – Formale attribuzione di incarichi di insegnamento - Professore a contratto dell'insegnamento di Zootecnica Generale e Miglioramento Genetico – Unità didattica: Zootecnica Generale e Miglioramento Genetico – presso il Corso di Laurea in Medicina veterinaria dell'Università degli Studi di Milano. Attività esercitative ripetute a gruppi – II gruppo (16 ore, 1 CFU).
- *A.A. 2020/2021* – Formale attribuzione di incarichi di insegnamento - Professore a contratto dell'insegnamento di Zootecnica Generale e Miglioramento Genetico – Unità didattica: Zootecnica Generale e Miglioramento Genetico – presso il Corso di Laurea in Medicina veterinaria dell'Università degli Studi di Milano. Attività esercitative ripetute a gruppi – II gruppo (16 ore, 1 CFU).
- *A.A. 2019/2020* – Formale attribuzione di incarico di insegnamento - Professore a contratto dell'insegnamento Genetica degli animali da reddito - Unità didattica: Miglioramento genetico – presso il Corso di Laurea in Allevamento e benessere animale dell'Università degli Studi di Milano. Attività esercitative ripetute a gruppi – II gruppo (16 ore, 1 CFU).
- *A.A. 2020/2021* – Formale attribuzione di incarico di insegnamento - Professore a contratto dell'insegnamento Genetica degli animali da reddito - Unità didattica: Miglioramento genetico – presso il Corso di Laurea in Allevamento e benessere animale dell'Università degli Studi di Milano. Attività esercitative ripetute a gruppi – II gruppo (16 ore, 1 CFU).

6.2 – Docenze presso Università estere

- Incarico di insegnamento del modulo didattico "Use of molecular genetics in the diagnostics of diseases in livestock and companion animals". Il modulo è parte del corso "Veterinary Genetics" per Animal Science (AnSci/DySci 362 Veterinary Genetics) che è stato offerto nel Spring semester 2019 presso La University of Wisconsin - Madison (USA).
- Lezione su invito da parte della dott.ssa Marina Duran-Aguilar, al corso "Animal Genetic Improvement" offerto agli studenti del Bachelor Degree presso Universidad Autonoma de Queretaro, Messico. Titolo della lezione: Copy Number Variants markers and their use in exploring genetic variability".

6.3 – Attività Nazionali di tutorato di studenti

RELATORE IN TESI DI LAUREA MAGISTRALE O A CICLO UNICO:

- Luca Epifano – Corso di Laurea in Medicina Veterinaria. Titolo della Tesi: I levrieri: variabilità genomica e consanguineità. A.A. 2019/2020.
- Simone Mazzola – Corso di Laurea in Scienze e Tecnologie delle Produzioni Animali. Titolo Tesi: Il progetto GENORIP per la gestione della variabilità genomica in due aziende di razza Frisone Italiana della provincia di Brescia. A.A. 2019/2020.
- Chiara Punturiero – Corso di Laurea in Scienze e Tecnologie delle Produzioni Animali. Titolo Tesi: Analisi genomica in due allevamenti di bovini di razza Frisone delle provincie di Pavia e Mantova nell'ambito del progetto GENORIP. A.A. 2019/2020.

CORRELATORE IN TESI DI LAUREA MAGISTRALE O A CICLO UNICO:

- Francesca Bernini – Corso di Laurea in Scienze e Tecnologie delle Produzioni Animali. Titolo Tesi: Gestione della variabilità genetica e della consanguineità in un allevamento di bovini da latte di razza Frisone in provincia di Milano - progetto GENORIP. A.A. 2019/2020.
- Raphaelle TMM Prinsen – Scienze Biotechnologiche Veterinarie. Titolo della tesi di laurea: "Identification and a validation approach of Copy NumberVariants in the Italian Brown Breed", A.A 2012-2013.
- Vittoria Bocchi – Scienze Biotechnologiche Veterinarie. Titolo della tesi di laurea: "Differential expression analysis of bovine oocytes using RNA-seq data to identify transcripts related to fertility", A.A. 2014-2015.
- Erica Gorla – Scienze e Tecnologie delle Produzioni Animali. Titolo della tesi di laurea: "CNV mapping in alcune popolazioni avicole italiane" A.A. 2014- 2015.
 - I risultati di questa tesi sono parte della pubblicazione **N. 27 (tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae)**.
- Anwar Jamaï Masroure – Corso di Laurea in Scienze e Tecnologie delle Produzioni Animali. Titolo Tesi: A Genome-wide scan of copy number variants (CNV) in three autochthonous Iranian water Buffaloes. A.A. 2019/2020.
 - Questa tesi è stata oggetto di una pubblicazione in fase di revisione (stato della pubblicazione: accettato con revisione): "**Maria G. Strillacci, Hossein Moradi-Shahrabak, Pourya Davoudi, Seyed Mohammad Ghoreishifar, Mahdi Mokhber, Anwar Jamaï Masroure, Alessandro Bagnato. A genome-wide scan of copy number variants in three Iranian indigenous river buffaloes. BMC Genomics**" (**N. 1 – paragrafo 14 del Curriculum Vitae**).

6.4 – Attività in Dottorati di ricerca

- CO-TUTOR – DOTTORATI NAZIONALI
 - Erica Gorla - 32° Ciclo Dottorato di Ricerca in Scienze Veterinarie e dell'Allevamento – Tutor Prof. Alessandro Bagnato. Titolo tesi: Genomic variation in livestock using dense SNP chip data.
 - Le pubblicazioni relative a tale attività sono: **N. 10, 15, 19, 25 (tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae)**.

- **CO-TUTOR – DOTTORATI INTERNAZIONALI**

- Marina Duran-Aguilar – Universidad de Mexico. Coordinamento e collaborazione al lavoro di ricerca della dottoranda durante il suo stage presso il Dipartimento VESPA dell'Università degli Studi di Milano. I risultati dell'attività di ricerca sono stati oggetto della pubblicazione **N. 28 (tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae).**
- Sara Gonzales Ruiz – Universidad de Queretaro. Ha partecipato e coordinato la ricerca internazionale oggetto del programma di Dottorato di Ricerca durante il suo stage presso il dipartimento DIMEVET dell'Università degli Studi di Milano. I risultati dell'attività di ricerca sono stati oggetto della pubblicazione **N. 12 (tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae).**
- Nicole Gross – University of Wisconsin-Madison (USA). Ha partecipato e coordinato la ricerca internazionale oggetto del programma della dottoranda Nicole Gross, durante la Fellowship della candidata presso la University of Wisconsin-Madison (2018-2019). I risultati dell'attività di ricerca sono stati oggetto della pubblicazione **N. 8 (tabella al punto 13.1 del Curriculum Vitae).**

6.5 – Attività relativa alla figura di esperto in zootecnia felina nella CTC–Afef (Incarico Ministeriale).

- **Relatore su invito** al Webinar organizzato dall'associazione Afef su piattaforma Zoom: “Le nuove tecnologie di analisi del DNA per la diagnosi delle malattie ereditarie del gatto”, il 06/03/2021.

6.6 – Attività esercitativa e di lezioni monografiche effettuate presso l'Università degli Studi di Milano

- Cultore della Materia in "Zootecnica Generale e Miglioramento genetico" del corso di laurea in Medicina Veterinaria. In base a questo titolo svolge attività nella commissione di valutazione di profitto degli studenti del corso in "Zootecnica Generale e Miglioramento Genetico" presieduta dal Prof. Alessandro Bagnato.
- Cultore della Materia in "Genetica degli animali da reddito, unità didattica Miglioramento genetico SSD AGR/17 del corso di laurea in Allevamento e Benessere Animale". In base a questo titolo svolge attività nella commissione di valutazione di profitto degli studenti del corso in "Genetica degli animali da reddito" presieduta dal Prof. Alessandro Bagnato.

Durante la sua carriera ha sviluppato costantemente attività esercitativa e di lezioni monografiche per i corsi riassunti nella tabella sottostante.

Titolo del Corso / Docente Referente	Laurea – Diploma – Altro	Anno Accademico
Zootecnica Generale e Miglioramento Genetico Prof. Alessandro Bagnato	Medicina Veterinaria a ciclo unico (Classe H-15)	2011-2012, 2012-2013, 2013-2014, 2014-2015, 2015-2016
Selezione e riproduzione Prof. Alessandro Bagnato	Allevamento e Benessere Animale (Classe L-38) Curriculum Animali da Reddito	2011-2012, 2012-2013, 2013-2014, 2014-2015
Bioteecnologie conservazione e selezione Prof. Alessandro Bagnato	Scienze biotecnologiche veterinarie (Classe LM-9)	2011-2012, 2013-2014, 2014-2015
Pratiche di genetica molecolare veterinaria Prof. Alessandro Bagnato	Bioteecnologie Veterinarie (Classe L-2)	2011-2012
Genomica e Nutrigenomica Prof. Alessandro Bagnato	Scienze e Tecnologie delle produzioni animale (Classe LM-86)	2012-2013, 2013-2014, 2014-2015
Allevamenti avicoli e tecniche di selezione Prof. Alessandro Bagnato	Allevamento e Benessere Animale (Classe L-38) Curriculum Animali da Reddito	2015-2016
Genetica degli animali da reddito Prof. Alessandro Bagnato	Allevamento e Benessere Animale (Classe L-38) Curriculum Animali da Reddito.	2015-2016, 2016-2017
Allevamento degli equini Dott.ssa Maria Cristina Cozzi	Allevamento e Benessere Animale (Classe L-38) Curriculum Animali da Compagnia.	2013-2014, 2014-2015, 2015-2016
Bioteecnologie per la salute animale Dott.ssa Maria Cristina Cozzi	Scienze Biotecnologiche Veterinarie (Classe LM-9)	2015-2016, 2016-2017

7. CORSI E SEMINARI DI FORMAZIONE FREQUENTATI

7.1 – Corsi e seminari di formazione

- Corso: Introduction to Graphical Models with Applications to Quantitative Genetics and Genomics” tenuto dal Prof. Guillermo Rosa (University of Wisconsin) e dal Prof. Francisco Penagaricano (University of Florida), 19-23 Giugno 2017, Ames, Iowa, USA.
- Corso: System Biology (Corso di Laurea Magistrale in Bioteecnologie Molecolari e Bioinformatica, Università degli Studi di Milano), 01/10/2014-14/01/2015.

- Summer school in Nutrigenomics offerta dall'Università di Camerino, 1-5/09/2014.
- Corso: "Start-to-Finish Analysis Solution for Next Generation Sequencing and Microarray Data". Nathan Jossierand, Partek, 9-10 Settembre 2014, Torino, Italia.
- Seminario: Microbioma e nuove acquisizioni immunologia. Segrate 29/05/2014.
- Seminario: Tecnologie per lo studio del proteoma. Segrate 27/05/2014.
- Seminario: La Genomica in oncologia: comprensione della pato-biologica e sviluppo di saggi informative dal punto di vista clinico. Milano – Fondazione IRCCS Istituto Nazionale dei Tumori, 19/09/2013.
- Corso: Introduzione alla System Biology (trascrittomica, proteomica, principi metodologici, analisi statistica), offerto dalla Università degli Studi dell'Insubria. Busto Arsizio, 1-4/07/2013.
- Corso SAS AVANZATO. Dipartimento di Scienze Agrarie e Ambientali – Produzione, Territorio, Agro-energia dell'Università degli Studi di Milano, Settembre 2012.
- Corso SAS base. Dipartimento di Scienze Agrarie e Ambientali – Produzione, Territorio, Agro-energia dell'Università degli Studi di Milano, Giugno-Luglio 2012.
- Corso finanziato dalla Regione Lombardia (15 ore): Riconoscimento delle specie ittiche di interesse commerciale, 2007, Milano.

7.1 – Corsi di formazione e seminari specifici per veterinari

- Corso sui disturbi coagulativi. Organizzatore UNISVET 19-21 aprile 2013, Milano.
- Can che abbaiamorde! Aggressività e pericolosità nel cane. Organizzatore: Ordine dei Medici Veterinari di Milano. 7 aprile 2013, Milano.
- Nuove possibilità terapeutiche per l'epilessia idiopatica nel cane. Organizzatore Boehringer Ingelheim 13 Maggio 2013, Milano
- < Il Management > Imparare a strutturarsi meglio nei momenti di crisi. Organizzatore: Ordine dei Medici Veterinari di Milano. 8 ottobre, 22 ottobre, 5 novembre 2013, Milano.
- Resistenza genetica alle malattie negli animali da reddito: presente e futuro. Organizzatore: Istituto Zooprofilattico Sperimentale del Piemonte Liguria e Valle d'Aosta, 16 maggio 2013, Torino.
- Corso base d'approccio clinico terapia intensiva. Organizzatore: UNISVET, 13-14 luglio 2013, Milano.
- Nuove acquisizioni su patogenesi e terapia dell'IBD del cane. Organizzatore: UNISVET, 29 settembre 2013, Milano
- Il laboratorio d'analisi in pediatria: un alleato per la gestione del paziente da 0 a 12 mesi di età. Organizzatore: Facoltà di Medicina Veterinaria di Milano con il patrocinio dell'Ordine dei Medici Veterinari delle Province di Milano, Pavia, Torino, Varese, Vercelli/Biella, 17 novembre 2013, Milano.
- Corso pratico di base di dermatologia. Organizzatore UNISVET, 23-24 novembre 2013, Milano.
- "Malattia di Lyme": zoonosi emergente. Organizzatore FNOVI, 20 giugno 2014, Milano.

8. CONOSCENZE INFORMATICHE E BIOINFORMATICHE

Utilizzo di software specifici per le analisi statistiche e genetiche:

- Mappaggio di CNV: PennCNV, SVS (Golden Helix), GenoCN;
- Mappaggio ROH: SVS (Golden Helix), Plink, detectRuns (R software);
- Linkage analysis: SVS (Golden Helix);
- Imputazione: BEAGLE, MACH, miniMACH,
- Analisi di sequenze: samtool, bedtool, Galaxy software per analisi di sequenze RNA e DNA;
- Analisi sequenziamento ABI: CHROMAS, MEGA, BIOEDIT, CLUSTALW (X);
- Analisi di genetica di popolazione: GENEPOP, DISPAN, PHYLIP, GENETIX, FSTAT, GENECLASS, POPULATION, STRUCTURE, PEAS, ADMIXTURE, PAST4;
- Analisi di associazione: R and R-studio software, MACH, QTLEXPRESS, P-LINK, CNVRuler, SAS, SPSS;
- On line Databases e tools per l'annotazione di geni: ENSEMBL, NCBI, KEGG, UCSC, STRING, PANTHER, DAVID;
- Microsatellites analysis: GeneScan® 3.1.2 e Genotyper™;
- Utilizzo software specifico strumentazioni Illumina: BeadStudio, TecanEVO
- Utilizzo dei motori di ricerca scientifica (PubMed, CABAbstract);
- Linguaggi di programmazione: R
- Pacchetto "Office" e dei principali strumenti di lavoro (es. e-mail, etc.);

9. CONOSCENZE LEGATE A STRUMENTAZIONI DI LABORATORIO

Tecniche di biologia molecolare completamente acquisite e expertise specifiche possedute:

- Estrazione del DNA da diversi tessuti (sangue, muscolo, saliva, pelo, seme, feci, ossa, tessuti biologici vari) con diversi protocolli e kit di estrazione commerciale;
- Purificazione, quantificazione e normalizzazione di DNA-RNA con diversi protocolli e kit commerciali;
- Allestimento di PCR, LongPCR, RT-PCR, qPCR, RFLP e disegno dei primers;

- Analisi elettroforetica di frammenti su gel (varie matrici) e su sequenziatore automatico;
- Allestimento di protocolli per il sequenziamento diretto del DNA su sequenziatori automatici.
- Preparazione delle library per il sequenziamento di DNA e RNA su high throughput sequencers (es. HiSeq Illumina);
- TECNOLOGIA ILLUMINA (chip) per la genotipizzazione (SNP) con i protocolli Golden Gate (SAM assay) e Infinium II, sia con procedura automatizzata (TecanEVO) che manuale. Analisi dei dati con Software dedicato (BeadStudio).

10. EDITOR e REVIEWER PER RIVISTE CON IMPACT FACTOR

- Editor del Numero Speciale della Rivista "Animals" intitolato: "Genomic Variability in Autochthonous and Specialized Livestock Populations". Ad oggi sono stati pubblicati 6 articoli e 1 è in fase di revisione.
- Attività di reviewer di numerose riviste scientifiche: BMC Genomics, BMC Genetics, Animals MDPI, Animal, PLoSOne, Scientific Report, Livestock Science, Journal of Animal Breeding and Genetics, Biomedical Journal.

11. ACCADEMIE E SOCIETÀ SCIENTIFICHE

- Membro dell'Associazione Scientifica di Produzione Animale (ASPA).
- Membro dell'Associazione Italiana di avicoltura scientifica (World's Poultry Science Association – WPSA).

12. ALTRO

- Inglese: conoscenza della lingua con capacità elevate di comprensione di testi, scrittura di testi scientifici e della lingua parlata. Ha presentato "Proof of English Proficiency" alla University of Wisconsin per poter effettuare il suo periodo di ricerca presso la stessa Università come Honorary Associate/Fellow.

13. PRODUZIONE SCIENTIFICA COMPLESSIVA E CONTRIBUTO

Si riportano di seguito i risultati della produzione scientifica della candidata suddivisa in diverse sottosezioni in base alla tipologia di contributo, ossia: rivista indicizzata, attività di relatore orale a convegni, presentazione di poster a convegni, articoli divulgativi.

13.1 – Articoli su riviste indicizzate con processo di revisione peer review

Indici bibliometrici della candidata Fonte Scopus (rilevazione 16-03-2021): H-index= 13, Numero totale di pubblicazioni = 47, numero totale di citazioni = 392.

Vengono qui di seguito riportate in Tabella le pubblicazioni effettuate su riviste indicizzate e con peer review **unitamente** al contributo specifico della candidata Maria Giuseppina Strillacci nella ricerca e nella pubblicazione dell'articolo.

Nella Tabella qui di seguito riportata nella colonna "Contributo di MG Strillacci" ove viene riportata la dicitura "Autore primo nome" o la dicitura "Autore ultimo nome" il contributo è da intendersi sempre come: "MG Strillacci è ideatrice della ricerca, coordinatrice del gruppo di ricerca che ha sviluppato lo studio e ha contribuito in prima persona alla realizzazione di tutte le fasi della ricerca stessa".

Dove è indicata come "*corresponding author*" è anche stata responsabile della fase di pubblicazione e di revisione del manoscritto, in accordo con le richieste dei revisori, e di contatto con la comunità scientifica.

Nell'articolo (N. 30), come specificato nella pubblicazione, i primi due autori hanno contribuito egualmente: in questo caso, pur essendo inserita come secondo nome, il contributo della candidata è da considerarsi come autrice primo nome in accordo con le specifiche della pubblicazione.

N.	Dettagli della Pubblicazione	Contributo di MG Strillacci
1	Maria Giuseppina Strillacci , Stefano Paolo Marelli, Raffaella Milanesi, Luisa Zaniboni, Chiara Punturiero and Silvia Cerolini. Copy Number Variants in Four Italian Turkey Breeds. <i>Animals</i> . 2021, 11, 391, ISSN:2076-2615, https://doi.org/10.3390/ani11020391 .	Autore primo nome e <i>corresponding author</i>
2	Maria Giuseppina Strillacci , Mario Vevey, Veruska Blanchet, Roberto Mantovani, Cristina Sartori and Alessandro Bagnato. The genomic variation in the Aosta cattle breeds adapted to an extensive alpine farming system. <i>Animals</i> . 2020, 10, 2385. https://doi.org/10.3390/ani10122385	Autore primo nome
3	Stefano Paolo Marelli, Luisa Zaniboni, Manuela Madeddu, Ahmad Abdel Sayed, Maria Giuseppina Strillacci , Maria Grazia mangiagalli, Silvia Cerolini. Physical parameters and fatty acids profiles in Milanino, Mericanel della Brianza and Valdarnese Bianca (<i>Gallus gallus domesticus</i>) table eggs. <i>Animals</i> . 2020, 10, 1533. ISSN: 2076-2615. https://doi.org/10.3390/ani10091533	"M.G.S. data curation and statistical analysis" (M.G.S. = Maria Giuseppina Strillacci)
4	Maria G Strillacci , Stefano P Marelli, Guillermo Martinez-Velazquez. Hybrid versus autochthonous turkey populations: homozygous genomic	Autore primo nome e <i>corresponding author</i>

	regions occurrences due to artificial and natural selection. Animals . 2020, 10(8), 1318. ISSN: 2076-2615. https://doi.org/10.3390/ani10081318 .	
5	Stefano P. Marelli, Ahmad Abdel Sayed, Michele Magni, Lorenzo Crosta, Petra Schnitzer, Maria Strillacci , Fabio Luzi, Silvia Cerolini, Luisa Zaniboni. Reproductive parameters in some captive bred cockatoos' species (genus <i>Cacatua</i> and <i>Eolophus</i>). Veterinary Record open . 2020, 7:e000405. ISSN: 2399-2050. http://dx.doi.org/10.1136/vetrec-2020-000405	“MS: data analysis and manuscript writing” (MS = Maria Strillacci)
6	Antonio Boccardo, Stefano P Marelli, Davide Pravettoni, Alessandro Bagnato, Giuseppe Achille Busca and Maria G Strillacci . The German Shorthair Pointer dog breed (<i>Canis lupus familiaris</i>): genomic inbreeding and variability. Animals . 2020, 10(3), 498. ISSN: 2076-2615. https://doi.org/10.3390/ani10030498	Autore ultimo nome e <i>corresponding author</i>
7	S.P. Marelli, M. Beccaglia, A. Bagnato, M.G. Strillacci . Canine fertility – the consequences of selection for special traits. Reproduction in Domestic Animal . 2020, 55 (Suppl. 2):4–9. ISSN:1439-0531. https://doi.org/10.1111/rda.13586	Autore ultimo nome
8	Nicole Gross, Maria Giuseppina Strillacci , Francisco Peñagaricano, Hasan Khatib. Characterization and functional roles of paternal RNAs in 2-4 cell bovine embryos. Scientific Reports . 2019, 9:20347. ISSN 2045-2322. https://doi.org/10.1038/s41598-019-55868-3	“M.G.S. data analysis” (M.G.S. = Maria Giuseppina Strillacci)
9	Maria C. Cozzi, Claudia P. Martinez-Ruiz, Sergio I. Roman-Ponce, Vicente E. Vega Murillo, Ángel Ríos Utrera, Moisés M. Montaña-Bermúdez, Guillermo Martinez-Velazquez, Maria G. Strillacci . Copy number variants reveal genomic diversity in a Mexican Creole cattle population. Livestock Science . 2019, 229:194–202. ISSN:1871-1413. https://doi.org/10.1016/j.livsci.2019.09.030	Autore ultimo nome e <i>corresponding author</i>
10	Maria Giuseppina Strillacci , Erica Gorla, Angel Ríos-Utrera, Vicente Eliezer Vega-Murillo, Moises Montaña-Bermudez, Adriana Garcia-Ruiz, Silvia Cerolini, Sergio Ivan Román-Ponce and Alessandro Bagnato. Copy Number Variation Mapping and Genomic Variation of autochthonous and commercial turkey populations. Frontiers in Genetics . 2019, 10:982. https://doi.org/10.3389/fgene.2019.00982	Autore primo nome e <i>corresponding author</i>
11	Kathy Scienski, Angelo Ialacci, Alessandro Bagnato, Davide Reginelli, Marina Durán-Aguilar, Maria Giuseppina Strillacci . Genetic variability in a Holstein population using SNP markers and their use for monitoring mating strategies. Revista Mexicana de Ciencias Pecuarias . 2019, 3:643-663. https://doi.org/10.22319/rmcp.v10i3.4842	Autore ultimo nome e <i>corresponding author</i>
12	González-Ruiz S, Strillacci MG , Durán-Aguilar M, Cantó-Alarcón GJ, Herrera-Rodríguez SE, Bagnato A, Guzmán LF, Milián-Suazo F, Román-Ponce SI. Genome-wide association study in Mexican Holstein reveals novel QTL regions and confirms mapped loci for resistance to bovine tuberculosis. Animals . 2019, 9(9), 636. ISSN 2076-2615. https://doi.org/10.3390/ani9090636	“M.G.S. Formal analysis, Investigation, Supervisor, Writing original draft” (M.G.S. = Maria Giuseppina Strillacci). È inoltre <i>corresponding author</i>
13	Rosalía Di Gerlando, Marco Tolone, Salvatore Mastrangelo, Anna Maria Sutura, Baldassare Portolano, Alessandro Bagnato, Maria Giuseppina Strillacci , Maria Teresa Sardina. Genome-wide association study between CNVs and milk production traits in Valle del Belice sheep. PLoS ONE . 2019, 14(4): e0215204. https://doi.org/10.1371/journal.pone.0215204	“Maria Giuseppina Strillacci: Methodology, Writing – review & editing”.
14	F. Genova, M. Longeri, L.A. Lyons, A. Bagnato, the 99Lives Consortium and M.G. Strillacci . First genome wide CNV mapping in <i>Felis catus</i> using next generation sequencing data. BMC Genomics . 2018,19:895. https://doi.org/10.1186/s12864-018-5297-2	Autore ultimo nome e <i>corresponding author</i>
15	Maria Giuseppina Strillacci , Erica Gorla, Maria Cristina Cozzi, Mario Vevey, Francesca Genova, Kathy Scienski, Maria Longeri, Alessandro Bagnato. A copy number variant scan in the autochthonous Valdostana Red Pied cattle breed and comparison with specialized dairy populations. PLoS ONE . 2018 13(9): e0204669. https://doi.org/10.1371/journal.pone.0204669	Autore primo nome e <i>corresponding author</i>
16	Maria C Cozzi, Maria G Strillacci , Paolo Valiati, Elisa Rogliano, Alessandro Bagnato, Maria Longeri. Genetic variability of Akhal-Teke horse bred in Italy. PeerJ . 2018, 6:e4889. DOI 10.7717/peerj.4889	“Maria G. Strillacci conceived and designed the experiments, performed the experiments, analyzed the data, prepared figures

		and/or tables, authored or reviewed drafts of the paper, approved the final draft”.
17	Giuseppina Schiavo, Maria Giuseppina Strillacci , Anisa Ribani, Samuele Bovo, Sergio I. Roman-Ponce, Silvia Cerolini, Francesca Bertolini, Alessandro Bagnato, Luca Fontanesi. Few mitochondrial DNA sequences are inserted into the turkey (<i>Meleagris gallopavo</i>) nuclear genome: evolutionary analyses and informativity in the domestic lineage. Animal Genetics . 2018, 49 (3), 259–264. https://doi.org/10.1111/age.12648	Ha prodotto i dati molecolari di genotipizzazione, ha collaborato alla interpretazione dei risultati ed alla scrittura del manoscritto
18	V.E. Vega Murillo, S I. Román Ponce, M. Durán Aguilar, A. Vélez Izquierdo, E. Cabrera Torres, A. Cantú Covarrubias, L. De la Cruz Colín, J. A. Maldonado Jaquez, G. Martínez Velázquez, Á. Ríos Utrera, A. Bagnato, M.G. Strillacci , M.M. Bermúdez, F.J. Ruiz López. Evaluation of morphological traits of the Mexican backyard 5 chicken (<i>Gallus gallus domesticus</i>). Revista Mexicana de Ciencias Pecuarias . 2018, 39(2):362-365. dx.doi.org/10.22319/rmcp.v9i2.4484	Ha collaborato alla interpretazione dei risultati delle analisi ed alla revisione del manoscritto
19	M.G. Strillacci , V.E. Vega-Murillo, S.I. Román-Ponce, F.J. Ruiz López, M.C. Cozzi, E. Gorla, S. Cerolini, F. Bertolini, L. Fontanesi, A. Bagnato. Looking at genetic structure and selection signatures of the Mexican chicken population using Single Nucleotide Polymorphism markers. Poultry Science . 2018, 97:791–802. doi/10.3382/ps/pex374/4767756	Autore primo nome
20	F. Bertolini, G. Galimberti, G. Schiavo, S. Mastrangelo, R. Di Gerlando, M.G. Strillacci , A. Bagnato, B. Portolano, L. Fontanesi. Preselection statistics and random forest classification identify population informative single nucleotide polymorphisms in cosmopolitan and autochthonous cattle breeds. Animal . 2018, 12(1):12-19. doi: 10.1017/S1751731117001355	Ha collaborato alla interpretazione dei risultati delle analisi ed alla revisione del manoscritto
21	M.C. Cozzi, P. Valiati, R. Cherchi, E. Gorla, R.T.M.M. Prinsen, M. Longeri, A. Bagnato, M.G. Strillacci . Mitochondrial DNA genetic diversity in six Italian donkey breeds (<i>Equus asinus</i>). Mitochondrial DNA Part A: DNA Mapping, Sequencing, and Analysis . 2018, 29(3):409-418. https://doi.org/10.1080/24701394.2017.1292505	Autore ultimo nome
22	Mirjam Frischknecht, Beat Bapst, Franz R. Seefried, Heidi Signer-Hasler, Dorian Garrick, Christian Stricker, Intergenomics Consortium, Ruedi Fries, Ingolf Russ, Johann Sölkner, Anna Bieber, Maria G Strillacci , Birgit Gredler-Grandl, Christine Flury. Genome-wide association studies of fertility and calving traits in Brown Swiss cattle using imputed whole-genome sequences. BMC Genomics . 2017, 18:910. ISSN:1471-2164. https://doi.org/10.1186/s12864-017-4308-z .	“MGS contributed data and helped in the analyses” (MGS = Maria Giuseppina Strillacci)
23	S. Peletto, M.G. Strillacci , M.T. Capucchio, E. Biasibetti, P. Modesto, P.L. Acutis, A. Bagnato. Genetic basis of Lipomatous Myopathy in Piedmontese beef cattle. Livestock Science . 2017, 206: 9-16. doi.org/10.1016/j.livsci.2017.09.027	“MGS performed the genotyping, carried out the GWAS and the GO analyses, wrote the manuscript” (MGS = Maria Giuseppina Strillacci).
24	Maria Cristina Cozzi, Elena Colombo, Luisa Zaniboni, Manuela Madeddu, Fabio Mosca, Maria Giuseppina Strillacci , Maria Longeri, Alessandro Bagnato, Silvia Cerolini. Phenotypic and genetic characterization of the Italian bantam chicken breed Mericanel della Brianza over 5 years-time conservation plan. Livestock Science . 2017, 205: 56–63. doi.org/10.1016/j.livsci.2017.09.013	Ruolo nella produzione dei dati molecolari di genotipizzazione e nella stesura dell’articolo.
25	E. Gorla, M. C. Cozzi, S. I. Román-Ponce, F. J. Ruiz López, V. E. Vega Murillo, S. Cerolini, A. Bagnato, M.G. Strillacci . Genomic variability in Mexican chicken population using Copy Number Variants. BMC Genetics . 2017, 18:6. doi.org/10.1186/s12863-017-0524-4	Autore ultimo nome e <i>corresponding author</i>
26	R.T.M.M. Prinsen, A. Rossoni, B. Gredler, A. Bieber, A. Bagnato, M.G. Strillacci . A genome wide association study between CNVs and quantitative traits in Brown Swiss cattle. Livestock Science . 2017, 202: 7–12. doi.org/10.1016/j.livsci.2017.05.011	Autore ultimo nome e <i>corresponding author</i>
27	M.G. Strillacci , M.C. Cozzi, E. Gorla, F. Mosca, F. Schiavini, S.I. Román-Ponce, F.J. Ruiz López, A. Schiavone, M. Marzoni, S. Cerolini, A. Bagnato. Genomic and genetic variability of six chicken populations using single	Autore primo nome e <i>corresponding author</i>

	nucleotide polymorphism and copy number variants as markers. Animal . 2017, 11(5):727-745. ISSN:1751-7311. https://doi.org/10.1017/S1751731116002135 .	
28	M. Durán Aguilar, S.I. Román Ponce, F.J. Ruiz López, E. González Padilla, C.G. Vásquez Peláez, A. Bagnato, M.G. Strillacci . Genome-Wide Association Study For Milk Somatic Cell Score In Holstein Cattle Using Copy Number Variation As Markers. Journal of Animal Breeding and Genetics . 2017, 134(1):49-59. ISSN: 1439-0388. https://doi.org/10.1111/jbg.12238	Autore ultimo nome
29	C. Perrini, M.G. Strillacci , A. Bagnato, P. Esposti, M.G. Marini, B. Corradetti, D. Bizzaro, A. Idda, S. Ledda, E. Capra, F. Pizzi, A. Lange-Consiglio, F. Cremonesi. Microvesicles secreted from equine amniotic-derived cells and their potential role in reducing inflammation in endometrial cells in an in vitro model. Stem Cell Research & Therapy . 2016, 7:169, DOI: 10.1186/s13287-016-0429-6	“MGS: molecular biology study, data analysis, and final approval of the manuscript” (MGS = Maria Giuseppina Strillacci)
30	Prinsen R.T.M.M., Strillacci M.G. , Schiavini F., Santus E., Rossoni, A., Maurer V., Bieber A., Gredler B., Dolezal M., Bagnato A. A genome-wide scan of copy number variants using high-density SNPs in Brown Swiss dairy cattle. Livestock Science . 2016, 191: 153-160. https://doi.org/10.1016/j.livsci.2016.08.006 .	Ruolo nello sviluppo della ricerca in quanto ha sviluppato in collaborazione con il primo autore le analisi per l'identificazione delle regioni CNV, quelle per la validazione con PCR quantitativa e ha effettuato l'annotazione dei geni. Collaborazione nella stesura dell'articolo con il primo e con l'ultimo autore
31	Lipkin E., Strillacci M.G. , Eitam H., Yishay M., Schiavini F., Soller M., Bagnato A., Shabtay A. The Use of Kosher Phenotyping for Mapping QTL Affecting Susceptibility to Bovine Respiratory Disease. PLoS ONE . 2016, 11(4):e0153423. https://doi.org/10.1371/journal.pone.0153423	<i>Autore primo nome</i> – Ha contribuito egualmente a Lipkin E., come specificato nella pubblicazione.
32	E. Frigo, A.B. Samoré, L. Reghenzani, N. Bergomi, M.G. Strillacci , F. Schiavini, R.T.M.M. Prinsen, M.C. Cozzi, M. Serra, A. Rossoni, A. Bagnato. Variation of milk components in the Italian Brown cattle. Journal of Dairy Research . 2015, 82(04):485–490. https://doi.org/10.1017/S0022029915000540	Partecipa alle analisi dei dati alla interpretazione dei risultati
33	A. Bagnato, M.G. Strillacci , L. Pellegrino, F. Schiavini, E. Frigo, A. Rossoni, L. Fontanesi, R.T.M.M., M.A. Dolezal. Identification and validation of copy number variants in Italian Brown Swiss dairy cattle using Illumina Bovine SNP50 Beadchip. Italian Journal of Animal Science . 2015, Volume 14:3900. https://doi.org/10.4081/ijas.2015.3900	Ha sviluppato con il primo autore le analisi per l'identificazione delle regioni CNV, quelle per la validazione con PCR quantitativa e alla annotazione dei geni. Ha inoltre collaborato equamente alla stesura dell'articolo con il primo autore
34	E. Colombo, M.G. Strillacci , M.C. Cozzi, M. Madeddu, M.G. Mangiagalli, F. Mosca, L. Zaniboni, A. Bagnato, S. Cerolini. Feasibility study on the FAO chicken microsatellite panel to assess genetic variability in the turkey (Meleagris gallopavo). Italian Journal of Animal Science . 2014, Volume 13:4. https://doi.org/10.4081/ijas.2014.3334	Ha messo a punto le reazioni PCR di genotipizzazione nei tacchini, ha coordinato ed effettuato la produzione dei dati molecolari, ed ha contribuito alla loro analisi e alla stesura del manoscritto
35	M.G. Strillacci , E. Frigo, F. Schiavini, A.B. Samoré, F. Canavesi, M. Vevey, M.C. Cozzi, M. Soller, E. Lipkin, A. Bagnato. Genome-wide association study for somatic cell score in Valdostana Red Pied cattle breed using pooled DNA. BMC Genetics . 2014, 15:106. doi: 10.1186/s12863-014-0106-7	Autore primo nome.
36	M.G. Strillacci , E. Frigo, F. Canavesi, Y. Ungar, F. Schiavini, L. Zaniboni, L. Reghenzani, M.C. Cozzi, A.B. Samoré, Y. Kashi, E. Shimoni, R. Tal-Stein, M. Soller, E. Lipkin, A. Bagnato. Quantitative Trait Loci Mapping For Conjugated Linoleic Acid, Vaccenic Acid And Δ^9 -Desaturase In Italian Brown Swiss Dairy Cattle Using Selective Dna Pooling. Animal Genetics . 2014, 45, 485–499. https://doi.org/10.1111/age.12174	Autore primo nome.

37	E. Tullo, E. Frigo, A. Rossoni, R. Finocchiaro, M. Serra, N. Rizzi, A. B. Samorè, F. Canavesi, M. G. Strillacci , R. T. M. M. Prinsen, A. Bagnato. Genetic parameters of fatty acids in Italian Brown Swiss and Holstein cows. Italian Journal of Animal Science . 2014, Volume 13:3208. https://doi.org/10.4081/ijas.2014.3208	Ha partecipato all'interpretazione dei risultati e alla stesura dell'articolo.
38	Pertica G., Riva J., Strillacci M.G. , Cozzi M.C., Longeri M., Polli M. Prevalence of inherited junctional epidermolysis bullosa in German shorthaired pointers bred in Italy. Veterinary Record . 2010, 167, 751-2. http://dx.doi.org/10.1136/vr.c5178	Ha prodotto i dati molecolari di genotipizzazione e ha partecipato alla stesura dell'articolo.
39	Strillacci M.G. , Marelli S.P., Cozzi M.C., Colombo E., Polli M., Gualtieri M., Cristalli A., Pignattelli P., Longeri M., Cavalchini L.G. Italian autochthonous chicken breeds conservation: evaluation of biodiversity in Valdarnese Bianca breed (Gallus gallus domesticus). Avian Biology Research . 2009, 2, 229-33. https://doi.org/10.3184/175815509X12574095832760	Autore primo nome
40	Bonazzi M., Volta A., Gnudi G., Cozzi M.C., Strillacci M.G. , Polli M., Longeri M., Manfredi S., Bertoni G. Comparison between ultrasound and genetic testing for the early diagnosis of polycystic kidney disease in Persian and Exotic Shorthair cats. Journal of Feline Medicine and Surgery . 2009, 11, 430-4. https://doi.org/10.1016/j.jfms.2008.10.003	Ha prodotto i dati molecolari di genotipizzazione.
41	Longeri M., Parma P., Polli M., Cozzi M.C., Valiati P., De Lorenzi L., Pertica G., Gandolfi B., Strillacci M.G. & Molteni L. Genetic screening of the inherited Ichthyosis causative mutation in Chianina cattle. Italian Journal of Animal Science . 2009, 8, 102-4. https://doi.org/10.4081/ijas.2009.s2.102	Ha prodotto i dati molecolari.
42	Dardano S., Gandolfi B., Parma P., Polli M., Bighignoli B., Strillacci M.G. , Cozzi M.C., Molteni L. & Longeri M. Characterization of bovine TGM1 and exclusion as candidate gene for ichthyosis in Chianina. Journal of Heredity . 2008, 99, 81-3. https://doi.org/10.1093/jhered/esm101	Ha prodotto i dati molecolari.
43	Lipinski M.J., Amigues Y., Blasi M., Broad T.E., Cherbonnel C., Cho G.J., Corley S., Daftari P., Delattre D.R., Dileanis S., Flynn J.M., Grattapaglia D., Guthrie A., Harper C., Karttunen P.L., Kimura H., Lewis G.M., Longeri M., Meriaux J.C., Morita M., Morrin-O'donnell R. C., Niini T., Pedersen N.C., Perrotta G., Polli M., Rittler S., Schubbert R., Strillacci M.G. , Van Haeringen H., Van Haeringen W., Lyons L.A. An international parentage and identification panel for the domestic cat (Felis catus). Animal Genetics . 2007, 38, 371-7. doi: 10.1111/j.1365-2052.2007.01632.x.	Ha prodotto i dati molecolari di genotipizzazione.
44	Cavalchini L.G., Marelli S.P., Strillacci M.G. , Cozzi M.C., Polli M., Longeri M. Heterozygosity analysis of Bionda Piemontese and Bianca di Saluzzo chicken breeds by microsatellites markers: a preliminary study. Italian Journal of Animal Science . 2007, 6, 63-5. https://doi.org/10.4081/ijas.2007.1s.63	Ha prodotto i dati molecolari di genotipizzazione e ha partecipato alla stesura dell'articolo.
45	Longeri M., Polli M., Strillacci M.G. , Samore A.B., Zanotti M., (2006). Short communication: quantitative trait loci affecting the somatic cell score on chromosomes 4 and 26 in Italian Holstein cattle. Journal of Dairy Science . 2006, 89, 3175-7. https://doi.org/10.3168/jds.S0022-0302(06)72591-7	Ha prodotto i dati molecolari di genotipizzazione, ha analizzato i dati con software specifico e ha partecipato alla stesura dell'articolo.
46	Cozzi M.C., Strillacci M.G. , Valiati P., Bighignoli B., Cancedda M. & Zanotti M. Mitochondrial D-loop sequence variation among Italian horse breeds. Genetic Selection and Evolution . 2004, 36, 663-72. https://doi.org/10.1186/1297-9686-36-6-663	Ha prodotto i dati molecolari di sequenza del DNA mitocondriale e ha partecipato alla stesura dell'articolo.
47	Zanotti M., Strillacci M.G. , Taboni I., Samore A.B., Longeri M. Histocompatibility genes and Somatic Cell Count (SCC) in Italian Holstein Friesian. Italian Journal of Animal Science . 2003, 2, 85-7.	Ha prodotto i dati molecolari di genotipizzazione.

13.2 – Attività di relatore a convegni e congressi nazionali o internazionali

- Partecipazione come relatore su INVITO con comunicazione orale "Conferencias Magistrales" alla LIII Reunión Nacional de Investigación Pecuaria, Acapulco, Guerrero, Mexico. Titolo della Presentazione orale al convegno: "Jovenes investigadores e innovadores". 16 Novembre 2017. Attestato di partecipazione come relatore allegato. Convegno: 15-11-2017 al 17-11-2017.

- Partecipazione come relatore scientifico esperto su INVITO alla tavola rotonda di discussione intitolata "Sesión Sector Gubernamental y Productivo" che si è tenuta durante la Primera Reunión Nacional de Genómica Pecuaria, congiuntamente alla LIII Reunión Nacional de Investigación Pecuaria (LIII RNIP). Convegno: dal 15-11-2017 al 16-11-2017.
- Partecipazione come relatore su INVITO alla LIII Reunión Nacional de Investigación Pecuaria, Acapulco, Guerrero, Mexico - Primera Reunión Nacional de Genómica Pecuaria. Titolo della Presentazione: "Genetic Variation of Native Poultry Populations: the MEX-ITA project", 17 Novembre 2017. Convegno: dal 15-11-2017 al 17-11-2017.
- Partecipazione come Relatore "Genetic variability among Mexican, Italian, Narragansett and Hybrid turkey populations using SNP and CNV markers". Conferenza ASPA 23rd – Sorrento, 11-06-2019 al 14-06-2019.
- Partecipazione come Relatore su INVITO: Razze bovine autoctone e le loro produzioni – "Biodiversità un valore per il comparto zootecnico". 13 Dicembre 2019, Polo Universitario Veterinario, Lodi.
- Partecipazione come relatore su INVITO a un Webinar del ciclo "I webinar di AFef On Air" organizzati dall'associazione Afef su piattaforma Zoom: "Le nuove tecnologie di analisi del DNA per la diagnosi delle malattie ereditarie del gatto", il 06/03/2021.

13.3 – Presentazioni - poster a convegni nazionali ed internazionali

2019

1. Alessandro Bagnato, Erica Gorla, Sergio Ivan Roman-Ponce, Felipe de Jesús Ruiz, Vicente Eliezer Vega-Murillo, Angel Rios Utrera, Silvia Cerolini, Maria Giuseppina Strillacci. Analysis of run of homozygosity in turkey populations. Abstract in Proceedings of the ASPA 23rd Congress, Sorrento, June 11–14, 2019. Italian Journal of Animal Science, 18, supp 1, page 27-28.
2. M.-S. Peng, A. C. Adeola, Q.-K. Shen, S. Duan, Y.-W. Miao, Y. Du, M.-S. Wang, J. K. Lichoti, O. S. Charles, O. J. Sanke, P. M. Dawuda, A. O. Okeyoyin, J. Musina, P. Njoroge, B. Agwanda, M. G. Strillacci,and Y.-P. Zhang. Whole-genome sequencing unveils helmeted guinea fowl (*Numida meleagris*) domestication in West Africa. 37th Conference of the International society of Animal Genetics - ISAG 2019, July 7-12, Leida, Spain. OP194
3. M. C. Cozzi, P. Valiati, M. G. Strillacci, E. Gorla, F. Genova, and A. Bagnato. Genetic variability of Lusitano horse breed reared in Italy. 37th Conference of the International society of Animal Genetics - ISAG 2019, July 7-12, Leida, Spain. P242
4. Nicole Gross, Francisco Peñagaricano, Maria G. Strillacci, Hasan Khatib. Functional Roles of Paternally-Linked mRNAs in Embryo Development in Bovine. International Plant & Animal Genome XXVI, January 12-16, 2019 - San Diego, CA, USA. Poster: PO0353.
5. Maria G. Strillacci, Erica Gorla, Román Ponce Sergio Ivan, Felipe J. Ruiz, Maria C. Cozzi, Vicente M. Vega Eliezer, Angel Ríos-Utrera, Marina Duran-Aguilar, Silvia Cerolini, Alessandro Bagnato. Mapping Genomic Variation with SNPs and CNVs and its Evolutionary Implication in Mexican, Narragansett, Italian and Hybrid Turkey Populations. International Plant & Animal Genome XXVI, January 12-16, 2019 - San Diego, CA, USA. Poster: PO0427.

2018

6. E. F. M. Manzoni, V. Bocchi, C. Galli, M. G. Strillacci, G. Stradaoli, T. A. L. Brevini and F. Gandolfi. Identification of Solute Carrier Family 5 Member 9 (SLC5A9) as Biomarker of In Vivo and In Vitro Oocyte Developmental Competence. 44th Annual Conference of the International Embryo Technology Society. Poster. January 13–16, 2018. Bangkok, Thailand.
7. Francesca Genova, Maria Longeri, Maria C. Cozzi, Alessandro Bagnato, Maria G. Strillacci and 99 Lives Consortium. Genome-Wide CNV Mapping in *Felis catus* using NGS DATA. Poster. International Plant & Animal Genome XXVI, January 13-17, 2018 - San Diego, CA, USA.
8. Erica Gorla, Maria C. Cozzi, Mario Vevey, Maria Longeri, Francesca Genova, Sergio I. Roman-Ponce, Felipe de Jesús Ruiz, Marina Duran-Aguilar, Alessandro Bagnato and Maria G. Strillacci. Genome-Wide Scan of Copy Number Variants (CNVs) in Valdostana Red Pied and Comparison with Italian Brown Swiss and Mexican Holstein. Poster. International Plant & Animal Genome XXVI, January 13-17, 2018 - San Diego, CA, USA.
9. Maria C. Cozzi, Erica Gorla, Sergio I. Roman-Ponce, Vicente Murillo Vega Eliezer, Felipe de Jesús Ruiz, Marina Duran-Aguilar, Moisés M. Montaña-Bermúdez, Guillermo Martínez Velásquez and Maria G. Strillacci. Copy Number Variations Mapping in Mexican Criollo Population. Poster. International Plant & Animal Genome XXVI, January 13-17, 2018 - San Diego, CA, USA.
10. Maria G. Strillacci, Erica Gorla, Maria C. Cozzi, Sergio I. Roman-Ponce, Felipe de Jesús Ruiz, Marina Duran-Aguilar, Vicente Murillo Vega Eliezer, Angel Rios-Utrera, Silvia Cerolini, Francesca Genova, Maria Longeri and Alessandro Bagnato. Genetic Diversity of Different Turkey Populations (*Meleagris gallopavo*). Poster. International Plant & Animal Genome XXVI, January 13-17, 2018 - San Diego, CA, USA.
11. Maria G. Strillacci, Erica Gorla, Sergio I. Roman-Ponce, Felipe de Jesús Ruiz, Maria C. Cozzi, Vicente Murillo Vega Eliezer, Marina Duran-Aguilar, Silvia Cerolini and Alessandro Bagnato. CNV Variation in Italian, Mexican and in Commercial Hybrid Turkeys. Poster. International Plant & Animal Genome XXVI, January 13-

17, 2018 - San Diego, CA, USA.

2017

12. Strillacci MG, Gorla E, Duran-Aguilar M, Cozzi MC, Roman Ponce SI, Ruiz Lopez FJ, Mario Vevey, Bagnato A. Comparación del número de “copy number variant” en el Holstein Mexicana con poblaciones autóctonas de ganaderos italianos. Oral presentation. LIII Reunión Nacional de Investigación Pecuaria, 2017, Acapulco, Mexico.
13. Strillacci MG, Gorla E, Cozzi MC, Roman Ponce SI, Ruiz Lopez FJ, Vega Murillo VE, Cerolini S, Bagnato A. Variación genética de poblaciones de avicultura nativas: el proyecto MEX-ITA. Oral presentation. LIII Reunión Nacional de Investigación Pecuaria, 2017, Acapulco, Mexico.
14. Maria G. Strillacci, Erica Gorla, Maria C. Cozzi, Sergio I. Roman-Ponce, Felipe J. Ruiz, Vicente E. Vega-Murillo, Francesca Bertolini, Luca Fontanesi, Silvia Cerolini, Alessandro Bagnato. Genomic variability in Mexican chicken population. 36th Conference of the International society of Animal Genetics ISAG (2017), Dublin.
15. G. Schiavo, M.G. Strillacci, S. Bovo, A. Ribani, S.I. Roman-Ponce, S. Cerolini, F. Bertolini, A. Bagnato, L. Fontanesi. Low number of mitochondrial DNA sequences inserted into the turkey (*Meleagris gallopavo*) nuclear genome: implications for evolutionary inferences. 36th Conference of the International society of Animal Genetics ISAG (2017), July 16- 21, Dublin.
16. Maria G. Strillacci, Erica Gorla, Maria C. Cozzi, Mario Vevey, Francesca Bertolini, Luca Fontanesi, Alessandro Bagnato. A Copy Number Variant (CNV) scans in the autochthonous Italian Valdostana Red Pied cattle and comparison with specialized dairy populations. 36th Conference of the International society of Animal Genetics ISAG (2017), July 16- 21, Dublin.
17. R.T.M.M. Prinsen, M.G. Strillacci, A. Rossoni, B. Gredler, A. Bagnato. GWAS for productive and udder traits using CNV in Brown Swiss dairy cattle. International Plant & Animal Genome XXV January 14-18, 2017 - San Diego, CA, USA.
18. E. Gorla, M.C. Cozzi, S.I. Román-Ponce, F.J. Ruiz López, V. E. Vega Murillo, S. Cerolini, A. Bagnato, M.G. Strillacci. Genomic variability in Mexican chicken population using Copy Number Variants. International Plant & Animal Genome XXV January 14-18, 2017 - San Diego, CA, USA
19. M.G. Strillacci, M.C. Cozzi, V.E. Vega-Murillo, S. Cerolini, S.I. Román-Ponce, F.J. Ruiz López, A. Bagnato. Looking at the Genetic Structure of Mexican Chicken Population. International Plant & Animal Genome XXV January 14-18, 2017 - San Diego, CA, USA.
20. M.C. Cozzi, M.G. Strillacci, P. Valiati, M. Longeri, A. Bagnato. Genetic variability of Akhal-Tekè horse bred in Italy. International Plant & Animal Genome XXV January 14-18, 2017 - San Diego, CA, USA.

2016

21. S. Peletto, M.T. Capucchio, M.G. Strillacci, C. Boin, E. Biasibetti, P. Modesto, F. Schiavini, P. L. Acutis, A. Bagnato. Basi genomiche della miopatia lipomatosa nella razza bovina piemontese. XVII Congresso Nazionale SIDiLV, Pacengo di Lazise (VR), 28-30 Settembre 2016.
22. M. Duran-Aguilar, S.I. Román-Ponce, F.J. Ruiz-López, E. González-Padilla, C.G. Vasquez-Peláez, M.G. Strillacci, A. Bagnato. CNVR detection for somatic cell score associated to mastitis in pooled Mexican Holstein cattle. International Plant & Animal Genome XXIV, January 9-13, 2016 - San Diego, CA, USA.
23. S. Peletto, M.T. Capucchio, M.G. Strillacci, C. Boin, E. Biasibetti, P. Modesto, F. Schiavini, P. L. Acutis, A. Bagnato. Genomic Basis of Lipomatous Myopathy in Piedmontese Beef Cattle. 35th International Society for Animal Genetics Conference (2016) Salt Lake City, Utah, 7.23.2016 – 7.27.2016.
24. R.T.M.M. Prinsen, M.G. Strillacci, F. Schiavini, A. Rossoni, B. Gredler, M.A. Dolezal, A. Bagnato and A. Bieber. A genome-wide association study using CNVs for production traits in Brown Swiss dairy cattle. EAAP – 67th Annual Meeting, Belfast (2016).
25. M.G. Strillacci, E. Gorla, F. Schiavini, M.C. Cozzi, S.I. Roman-Ponce, F.J. Ruiz-Lopez, R.T.M.M. Prinsen, V.E. Vega-Murillo, S. Cerolini and A. Bagnato. Genetic structure of different Italian and Mexican chicken populations. EAAP – 67th Annual Meeting, Belfast (2016).
26. V. Bocchi, M.G. Strillacci, A. Zeconi, C. Galli, G. Stadaoli, T.A.L. Brevini, A. Bagnato, F. Gandolfi. Searching for the in vivo transcriptome blueprint of competent bovine oocytes. Reproduction, Fertility and Development 28, 226-227. Proceedings of the Annual Conference of the International Embryo Transfer Society, Louisville, Kentucky, 23–26 January 2016.

2015

27. R.T.M.M. Prinsen, M.G. Strillacci, K. Schlangen, F. Panitz, M. Soller, E. Santus, A. Bagnato, M. A. Dolezal. A high-resolution CNVR map in Brown Swiss dairy cattle according to PIC and LD with SNPs. Proceedings of the ASPA 20th Congress, Milano. Italian Journal of Animal Science, 12, supp 1.1, (2015)
28. M.C. Cozzi, M. Bottagisio, E. Frigo, M.G. Strillacci, F. Schiavini, R.T.M.M. Prinsen, A. Bagnato. Molecular tests for horse coat color determination. Proceedings of the ASPA 20th Congress, Milano. Italian Journal of Animal Science, 12, supp 1.1, (2015)
29. S.F. Volpi, M.G. Strillacci, A. Vezzoni, A. Brandstetter, E. Frigo, M.C. Cozzi, F. Schiavini, A. Sanchez, A. Bagnato. Canine hip dysplasia (CHD) - understanding the genetic basis to apply genomic selection – a master

thesis in veterinary medicine. Proceedings of the ASPA 20th Congress, Milano. Italian Journal of Animal Science, 12, supp I.1, (2015)

30. E. Frigo, L. Reghenzani, N. Bergomi, A. B. Samorè, M.G. Strillacci, F. Schiavini, R. T. M. M. Prinsen, M. C. Cozzi, M. Serra, A. Rossoni, A. Bagnato. Variation of casein and fatty acids milk contents in Italian Browns Swiss cows. Proceedings of the ASPA 20th Congress, Milano. Italian Journal of Animal Science, 12, supp I.1, (2015)
31. A. Shabtay, E. Lipkin, H. Eitam, M. Yishay, M.G. Strillacci, F. Schiavini, A. Bagnato, M. Soller. Genome-wide association study for BRD susceptibility using a selective DNA pooling approach. ASPA 20th Congress, Milano. Italian Journal of Animal Science, 12, supp I.1, (2015)
32. S. F. Volpi, M.G. Strillacci, A. Vezzoni, A. Brandstetter, E. Frigo, M. C. Cozzi, F. Schiavini, A. Sanchez, A. Bagnato. Canine hip dysplasia (CHD) - Understanding the genetic basis to apply Genomic Selection – A Master Thesis in Veterinary Medicine. ASPA 20th Congress, Milano. Italian Journal of Animal Science, 12, supp I.1, (2015)
33. A. Bagnato, J. Vilkkilä, T. Iso-Touru, E. Frigo, M. C. Cozzi, M.G. Strillacci, F. Schiavini, R. T. M. M. Prinsen, M. Vevey, A. Rossoni, L. Fontanesi, M. Dolezal. Copy number variation in cattle breeds. ASPA 20th Congress, Milano. Italian Journal of Animal Science, 12, supp I.1, (2015)

2014

34. Marlies A. Dolezal, Birgit Gredler, Attilio Rossoni, Franz R. Seefried, Fausta Schiavini, Maria Strillacci, Hossein Jorjani, Enrico Santus, Alessandro Bagnato. Genome Wide Association Analysis on Imputed High-Density SNP Genotypes in the Italian and Swiss Brown Swiss Dairy Cattle Population for Milk Somatic Cell Count. INTERNATIONAL PLANT & ANIMAL GENOME XXII. SAN DIEGO, CA, USA. January 10-14, (2014). Poster

2013

35. M.G. Strillacci, E. Frigo, F. Canavesi, F. Schiavini, M. Soller, E. Lipkin, R. Tal-Stein, Y. Kashi, E. Shimoni, Y. Ungar, A. Bagnato: Mapping QTL for fatty acids in Italian Brown Swiss breed using a selective DNA pooling - In: Proceedings of 64th annual meeting of the European federation of animal science. - (2013) Poster
36. L. Pellegrino, M.A. Dolezal, C. Maltecca, D. Velayutham, M.G. Strillacci, E. Frigo, K. Schlangen, A.B. Samorè, F. Schiavini, E. Santus, C. Warkup, A. Bagnato: A medium resolution SNP array based CNV scan in Italian Brown Swiss dairy cattle. In: Proceeding of 64th annual meeting of the European federation of animal science. - (2013) Poster.
37. Bagnato, E. Frigo, F. Canavesi, F. Schiavini, M. Soller, E. Lipkin, R. Tal Stein, Y. Kashi, E. Shimoni, Y. Ungar, M. G. Strillacci: Quantitative trait loci mapping for milk fatty acids in Italian Brown Swiss dairy cattle breed. Proceedings of the ASPA 20th Congress, Bologna. Italian Journal of Animal Science, 12, suppl.1, pp. 90 (2013)
38. Bagnato, M.A. Dolezal, C. Maltecca, D. Velayutham, M.G. Strillacci, E. Frigo, K. Schlangen, A.B. Samorè, F. Schiavini, E. Santus, C. Warkup, L. Pellegrino: Some of the main results of Quantomics EU project: CNV detection and GWA analysis in the Italian Brown Swiss dairy cattle. Proceedings of the ASPA 20th Congress, Bologna. Italian Journal of Animal Science, 12, suppl.1, pp. 83 (2013)

2010

39. M. C. Cozzi, P. Valiati, M. G. Strillacci, G. Pertica, B. Gandolfi, M. Polli, M. Longeri: Diversità genetica del DNA mitocondriale dell'asino. Atti 10° Convegno “Nuove acquisizioni in materia di ippologia” (2010)

2009

40. S. P. Marelli, M. C. Cozzi, M. G. Strillacci, G. Pertica, M. Polli, M. Longeri, L. Guidobono Cavalchini: Population structure analysis in some Italian chicken breeds. ASPA 2009. Poster

2008

41. M. C. Cozzi, P. Valiati, R. Cherchi, M. G. Strillacci, A. Corona, G. Pertica, B. Gandolfi, M. Polli, M. Longeri, L. Guidobono Cavalchini: Variabilità del DNA mitocondriale in 4 razze asinine italiane (*Equus asinus*). Atti 10° Convegno “Nuove acquisizioni in materia di ippologia” Druento (Torino), 31/10-1/11/2008: 64-71
42. M. Longeri, G. Pertica, P. Ferrari, P. G. Brambilla, M. C. Cozzi, M. G. Strillacci, B. Gandolfi, P. Valiati, C. Scilini, M. Polli, L. G. Cavalchini: The “Osservatorio Italiano HCM Felina”: a Feline Inherited Diseases Network in Italy Proceedings of the 31th Conference of the International society of Animal Genetics ISAG (2008) Amsterdam
43. M. C. Cozzi, P. Valiati, R. Cherchi, M. G. Strillacci, A. Corona, G. Pertica, B. Gandolfi, M. Polli, M. Longeri, L. G. Cavalchini: Mitochondrial dna variability and genetic relationships in four Italian donkey breeds (*Equus asinus*). Proceedings of the 31th Conference of the International society of Animal Genetics ISAG (2008) Amsterdam
44. Strillacci M.G., Pertica G., Marelli P.S., Valiati P., Gandolfi B., Cozzi M.C., Polli M., Longeri M., Guidobono Cavalchini L: Genetic variability in Hunting dog breeds using microsatellite markers and mitochondrial DNA polymorphisms. Proceedings of the 31th Conference of the International society of Animal Genetics ISAG (2008)

2007

45. L. Guidobono Cavalchini, S.P. Marelli, M.G. Strillacci, M. Polli: Inbreeding in Border collie by the analysis of genealogical data. Proceedings of the ASPA 17th Alghero, May 29-June 1, 2007 Poster

46. M.C. Cozzi, P. Valiati, M. G. Strillacci, B. Bighignoli, B. Gandolfi, M. Polli, M. Longeri, L. G. Cavalchini (2007) Differenziazione genetica di alcune popolazioni equine allevate in Italia mediante marcatori genetici. Atti 9° Convegno “Nuove acquisizioni in materia di ippologia” Perugia, 22/06/07: 131-136

2006

47. Longeri M., Valiati P., Frigo E., Cozzi M.C., Polli M., Strillacci M.G., Bighignoli B., Guidobono Cavalchini L. (2006) “Caratterizzazione e valorizzazione genetica della razza bovina autoctona Varzese” Convegno su “Stato della ricerca in Lombardia-settore Zootecnico” organizzato dalla Società Agraria di Lombardia, Facoltà di Agraria, 1 dicembre 2006, Milano
48. S.P. Marelli, M.G. Strillacci, V. Ferrante, P. Pignatelli, M. Gualtieri, L. Guidobono Cavalchini: Genetic variability in valdarnese bianca chicken breed using microsatellite markers World’s Poultry Science Journal (2006) World. Poultry Sci. J. 6:207-208. Volume 62 supplement.
49. G. Rategni, S. Dardano, M.G. Strillacci, B. Cozzi, M. Longeri: Tursiops truncatus genetic analysis by DNA markers. Conference book of the 34th Annual Symposium of the European Association for Aquatic Mammals (2006) ORAL PRESENTATION
50. M.C. Cozzi, M. Longevi, P. Valiati, M.G. Strillacci, S. Dardano, M. Polli, M. Polli, A. Lancia, E. Battista, L. Guidobono Cavalchini: Genetic characterization of Esperia horse breed by genetic markers. Proceedings of the 30th Conference of the International society of animal genetics ISAG Porto Seguro August 20-25, 2006
51. S. Dardano, M.G. Strillacci, W. Coppiersters, M. Georges, M. Longeri: Ichthyosis disorder in chianina cattle: candodate gene approach and preliminary genome-wide scan data. 82/130 bioforum proceedings 2006

2005

52. M.C. Cozzi, P. Valiati, M. Cancedda, M.G. Strillacci, M. Polli, L. Guidobono Cavalchini: Cavallino della giara: vent’anni di studi genetici. Atti Giornata di studio sulla biodiversità animale (2005), p. 86-102
53. S.P. Marelli, M.G. Strillacci, M. Gualtieri, P. Pignatelli, L. Guidobono Cavalchini: Genetic characterization of three traditional Italian chicken breeds by microsatellite markers. Abstract of Poster. World’s Poultry Science Association Croatian Branch 4th European Poultry Genetics (2005)
54. Dardano S., Longeri M., Gandolfi B., Polli M., Cozzi M.C., Strillacci M.G., Bighignoli B., Valiati P. E Cavalchini L. G. (2005) Sequenziamento e organizzazione strutturale del gene TGM1, un candidato per l’Ittiosi ereditaria bovina. Congresso BIOFUTURA 2005. Bologna POSTER 8-10/04/2005
55. S. Roperto, M. Longeri, G. Borzacchiello, M.G. Strillacci, V. Russo, M.C. Cozzi, M. Polli, F. Roperto, And M. Zanotti (2005): MHC class ii polymorphism and risk of papilloma-associated urinary bladder cancer in podolica cattle. Iowa State University, July 13-15/2005-126 Symposium on Genetic and Animal Health. POSTER
56. M.C. Cozzi, M.G. Strillacci, M. Cancedda, P. Valiati, B. Bighignoli, S. Dardano, M. Polli, M. Longeri, L.G. Cavalchini (2005) Variabilità genetica del DNA mitocondriale, nella regione di controllo del D-loop, nella razza Cavallino della Giara. Lavoro per esteso. 7 °Convegno “New findings in equine practice”. Lodi, 22-23 giugno.

2004

57. M.C. Cozzi, P. Valiati, R. Cerchi, M. G. Strillacci, M. Cancedda, B. Bighignoli, M. Zanotti (2004): “Variazione delle frequenze geniche nel cavallo Sarcidano nell’arco di un decennio”. Atti 6° Convegno. “New findings in equine practice”. 57-63. Campobasso 7-9/07/04.
58. Valiati P., Cozzi M.C., Cherchi R., Strillacci M.G., Cancedda M., M. Zanotti & Cavalchini L. Guidobono (2004): “Sarcidano horse gene frequencies in a ten years period.” 29th Int. Conf. On Animal Genetics, Tokyo (Japan) 11-16/09/04: 118.

2003

59. M. Polli, M. Longeri, P. Magnetti, S.P. Marelli, I. Taboni, B. Bighignoli, M.G. Strillacci, M. Zanotti And L. Guidobono Cavalchini (2003): “Phylogenetic relationships of 10 canine Italian breeds (Canis familiaris) and wild canids (Vulpes vulpes, Canis lupus italicus) by microsatellite and mitochondrial polymorphisms”. 54th Annual meeting of European Association for Animal Production (EAAP), Roma. Abstract
60. M. Longeri, I. Taboni, M. G. Strillacci, A. B. Samorè, M. Zanotti (2003): “Physiochemical polymorphism in MHC class II peptide binding groove molecule and Somatic Cell Count in Italian Holstein Friesian bulls”. 54th Annual meeting of European Association for Animal Production (EAAP), Roma. Abstract. n°9
61. M.C. Cozzi, M. G. Strillacci, P. Valiati, B. Bighignoli, M. Cancedda, M. Zanotti (2003): “Studio della variabilità genetica della sequenza del D-loop del DNA mitocondriale in alcune razze equine italiana”. Atti 5° “New findings in equine practice”. p 33-39, Torino 3-5/07/03

2002

62. M. Longeri, M. G. Strillacci, R. Leonarduzzi, F. Pilla, R. Rasero, A. Fraghi, M. Zanotti (2002): “Genetic characterisation of Istrian sheep by microsatellites”. XXVIII International Conference on Animal Genetics. ISAG, p. 115. Gottingen
63. M.C. Cozzi, M. G. Strillacci, M. Longeri, (2002): “Study of mitochondrial d-loop DNA sequence variation in some Italian horses”. XXVIII International Conference on Animal Genetics. ISAG, p. 144-145. Gottingen 10-15/08/2002
64. M. Zanotti, M. G. Strillacci, M. Polli, I. L. Archetti, M. Longeri (2002): “NRAMP1 gene effect on bovine tuberculosis by microsatellite markers analysis”. Proceedings of the 7th World Congress on Genetics Applied to Livestock Production. Session 13: p 775-778, 19-23 August Montpellier.

65. Zanotti M., Scotti R., Strillacci M. G., Longeri M. (2002): "Bovine nramp1 gene promoter sequence and polymorphism". Second International Symposium on Candidate Genes for Animal Health. Session 3, abstract. 16 - 18 August, Montpellier.

2001

66. Cozzi M.C., Valiati P., Strillacci M.G., Zanotti M. (2001): "Caratterizzazione genetica del cavallo del Sarcidano mediante microsatelliti." Atti 3° Convegno "Nuove acquisizioni in materia di alimentazione, allevamento e allenamento del cavallo sportivo", Campobasso 12-14/07/2001: 53 – 57.
67. M. Zanotti, M.G. Strillacci, L. Del Bo, M. Longeri (2001): "Association Of Nramp1 Gene With Bovine Tuberculosis". SISVet Annual meeting selected abstracts, Anno III, p 35-36

2000

68. M. Zanotti, M.G. Strillacci, L. Del Bo, M. Longeri (2000): "Studio del gene NRAMP1 in relazione alla Tuberculosis Bovina". ATTI S.I.S.VET. Vol. LVII p. 423-424. Riviera del Garda

13.4 – ARTICOLI DIVULGATIVI

1. Maria Giuseppina Strillacci e Alessandro Bagnato: È il momento di fare genomica di stalla. Rivista "Informatore Zootecnico"– Dossier Genetica Bovina, n. 5:42-45, 2021 – 12 Marzo.
2. M.G. Strillacci e A. Bagnato. Consanguineità genomica: importante saperla interpretare. Rivista "rb-la razza bruna", 3 settembre, 2019.
3. A. Bagnato, E. Gorla, C. Cozzi, M.G. Strillacci. Lo studio della biodiversità nell'era della genomica. Rivista "rb-la razza bruna", 2 Aprile, 2019.
4. S.P. Marelli, S. Dardano, M.G. Strillacci, M. Polli: Selezione, genetica e cinotecnica. Tutto Cani (2006)
5. S.P. Marelli, M. Polli, M.G. Strillacci, S. Dardano, L. Guidobono Cavalchini: Il colore del mantello nelle razze di ceppo Jack Russell: (2005) Bollettino d'Informazione della Società Italiana terriers.
6. J. Riva, L. Conterno, S. P. Marelli, M. Polli, M.G. Strillacci, M. Verga: Effetti della selezione artificiale sulle aviazioni dell'istinto predatorio in differenti razze canine. PRAXIS VETERINARIA. VOL.XXIX N°2 GIUGNO 2008
7. M.C. Cozzi, M. Longeri, P. Valiati, M.G. Strillacci, S. Dardano, M. Polli, A. Lancia, E. Battista, L. Guidobono Cavalchini: Caratterizzazione genetica della razza Pony di Esperia mediante marcatori genetici. In: il Pony di Esperia / E. Battista; [a cura di] E. Battista. - [s.l.]: Ciociariaturismo, 2009. - p. 118-125.
8. M. Polli, S.P. Marelli, S. Dardano, M.G. Strillacci, L. Guidobono Cavalchini: L'epidermiolisi bollosa ereditaria nel cane. N° 61, Novembre 2005. www.braccoitaliano.it
9. M.G. Strillacci. Coagulopatie emorragiche: approccio clinico e test emodinamici. La Settimana Veterinaria - N°831 - 15 Maggio 2013
10. M.G. Strillacci. Cane aggressivo? Valutazione dei rischi. La Settimana Veterinaria - N°832 - 22 Maggio 2013
11. M.G. Strillacci. Nuove possibilità terapeutiche per l'epilessia idiopatica nel cane. La Settimana Veterinaria - N°837 – 3 Luglio 2013
12. M.G. Strillacci. La genetica per resistere alle malattie. La Settimana Veterinaria - N°838 – 10 Luglio 2013
13. M.G. Strillacci. Incontro all'IZS di Torino. Malattie batteriche e virali combattute con la genetica. La Settimana Veterinaria - N. 840 - 24 Luglio 2013
14. M.G. Strillacci. La nutrizione e l'uso di emoderivati nei pazienti critici. La Settimana Veterinaria - N. 842 - 11 Settembre 2013
15. M.G. Strillacci. La corretta interpretazione dell'emogasanalisi. La Settimana Veterinaria - N. 846 - 9 Ottobre 2013
16. M.G. Strillacci. IBD del cane: nuove acquisizioni su patogenesi e terapia. La Settimana Veterinaria - N. 850 – 6 Novembre 2013
17. M.G. Strillacci. Marketing e comunicazione: Imparare a strutturarsi meglio nei momenti di crisi. La Settimana Veterinaria - N. 852 – 20 Novembre 2013
18. M.G. Strillacci. Come migliorare la soddisfazione dei clienti. La Settimana Veterinaria - N. 856 - 18 dicembre 2013
19. M.G. Strillacci. Pregi e difetti della struttura sanitaria veterinaria. La Settimana Veterinaria - N. 860 - 5 Febbraio 2014
20. M.G. Strillacci. Diagnosi differenziale fecale FIP e coronavirosi. La Settimana Veterinaria- N. 867 - 26 Marzo 2014
21. M.G. Strillacci. Le malattie ematologiche ereditarie del cane e del gatto. La Settimana Veterinaria- N. 867 - 26 Marzo 2014
22. M.G. Strillacci. Lyme: una malattia emergente. La Settimana Veterinaria- N. 883 – 16 Luglio 2014

23. M.G. Strillacci. Approccio alla medicina comportamentale felina. La Settimana Veterinaria - N°901 - 21 gennaio 2015
24. M.G. Strillacci. Genetica e diagnostica precoce di patologie a trasmissione ereditaria. La Settimana Veterinaria - N°907 - 4 marzo 2015
25. M.G. Strillacci. Analisi di laboratorio e patologie metaboliche giovanili. La Settimana Veterinaria - N°919 - 27 maggio 2015
26. M.G. Strillacci. Batteriologia nella diagnostica post-mortem neonatale. La Settimana Veterinaria - N°923 - 24 giugno 2015

14. PUBBLICAZIONI INVIATE A RIVISTE INDICIZZATE ED IN FASE DI REVISIONE PEER REVIEWED

- 1) **Maria G. Strillacci**, Hossein Moradi-Shahrbabak, Pourya Davoudi, Seyed Mohammad Ghoreishifar, Mahdi Mokhber, Anwar Jamai Masroure, Alessandro Bagnato. A genome-wide scan of copy number variants in three Iranian indigenous river buffaloes. **BMC Genomics**. Accepted with revision.
- 2) Maria Longeri, Valeria Russo, **Maria Giuseppina Strillacci**, Antonella Perillo, Michela Carisetti, Maria Cristina Cozzi, Benedetto Neola and Sante Roperto. Association between BoLA-DRB3.2 polymorphism and bovine papillomavirus infection for bladder tumor risk in Podolica cattle. **Frontiers in Veterinary Science**. Accepted with revision.
- 3) Francesca Genova, Simona Nonnis, Elisa Maffioli, Gabriella Tedeschi, **Maria Giuseppina Strillacci**, Michela Carisetti, Giuseppe Sironi, Francesca Anna Cupaioli, Noemi Di Nanni, Alessandra Mezzelani, Ettore Mosca, Christopher R. Helps, Peter A. J. Leegwater, Laetitia Dorso, 99 Lives Consortium, Maria Longeri. Multi-omic analyses in Abyssinian cats with primary renal amyloid deposits. **Scientific Report**. Accepted with revision.
- 4) Quan-Kuan Shen, Min-Sheng Peng, Adeniyi C. Adeola, Ling Kui, Shengchang Duan, Yong-Wang Miao, Nada M. Eltayeb, Jacqueline K. Lichoti, Newton O. Otecko, **Maria Giuseppina Strillacci**, Erica Gorla, Alessandro Bagnato, Olaogun S. Charles, Oscar J. Sanke, Philip M. Dawuda, Agboola O. Okeyoyin, John Musina, Peter Njoroge, Bernard Agwanda, Szilvia Kusza, Hojjat Asadollahpour Nanaei, Rana Pedar, Ming-Min Xu, Yuan Du, Lotanna M. Nneji, Robert W. Murphy, Ming-Shan Wang, Ali Esmailizadeh, Yang Dong, Sheila C. Ommeh, Ya-Ping Zhang. Genomic analyses unveil helmeted guinea fowl (*Numida meleagris*) domestication in West Africa. **Genome Biology and Evolution**. Accepted with minor revision.

Data

16 Marzo 2021

Luogo

Milano