



IL DIRETTORE GENERALE

Visto: l'art. 7 comma 6 del Decreto Legislativo 30 marzo 2001 n. 165 e successive modificazioni e integrazioni;

Visto: il Regolamento per l'affidamento a terzi estranei all'Università di incarichi di carattere intellettuale come modificato con decreto rettorale n. 0267760 del 23/04/2010;

Visto: il Progetto "*Dissecting the role of unexplored mir-205 host gene as long non-coding rna in prostate basal cell: implications for cancer development*";

Visto: l'avviso di conferimento rivolto al personale interno pubblicato all'albo della struttura e sul sito web d'Ateneo in data n. repertorio 236/2020 del 14/01/2020;

Considerato: che tale avviso di conferimento rivolto al personale interno è andato deserto;

Visto: l'avviso di procedura comparativa Reg. 1254/2020 del 04/02/2020 per l'affidamento di un incarico di collaborazione di lavoro autonomo, della durata di 7 mesi e per un compenso di 10.548,00 Euro lordo al collaboratore per attività di supporto alla ricerca; per il raggiungimento dei seguenti obiettivi:

Approfondire il meccanismo molecolare del gene ospite di miR-205 (MIR205HG), recentemente identificato come long noncoding RNA in grado di regolare il differenziamento di cellule basali di prostata (Profumo et al. Nature Communications 2019). Nello specifico, gli obiettivi di questo incarico saranno analizzare a livello bioinformatico dati di RNA-seq e ChIRP-seq su opportuni modelli cellulari modificati nell'espressione di MIR205HG, allo scopo di identificare i geni regolati dallo stesso e mappare il suo legame al DNA in maniera genome-wide.

Svolgendo la seguente attività:

Il candidato si occuperà di effettuare le analisi bioinformatiche relative a:

- Dati di bulk RNA-seq su cellule basali di prostata parentali, cloni ingegnerizzati per non esprimere MIR205HG attraverso la metodica CRISPR/Cas9 e cloni overesprimenti;
- dati di ChIRP-seq ottenuti sui modelli sopracitati per determinare il legame di MIR205HG al DNA in un approccio genome-wide;
- dati pubblici di gene expression e ChIP-seq per supportare le evidenze raccolte (TCGA, ENCODE).



UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

Visto: il verbale di selezione del 20/02/2020 da cui risulta idonea la Dr.ssa Bezzecchi Eugenia;

Considerato: che l'importo lordo pari a Euro 10.548,00 risulta congruo per l'attività in esso dedotta;

Verificato: il budget nell'ambito del progetto CAR_RIC19PGAND_01 - n. di creazione U-GOV 30860 del Dipartimento di Bioscienze;

Visto: il verbale del 20/02/2020 da cui risultano attribuiti ai candidati i seguenti punteggi:

COGNOME E NOME	LUOGO E DATA DI NASCITA	PUNTI
Bezzecchi Eugenia	Carpi (MO) - 30/09/1988	85

DETERMINA

L'approvazione degli atti della procedura comparativa 1254/2020 del 04/02/2020;
La stipula di un contratto individuale di collaborazione alla Dr.ssa Bezzecchi Eugenia per attività di supporto alla ricerca finalizzata al raggiungimento dei seguenti obiettivi:
Approfondire il meccanismo molecolare del gene ospite di miR-205 (MIR205HG), recentemente identificato come long noncoding RNA in grado di regolare il differenziamento di cellule basali di prostata (Profumo et al. Nature Communications 2019). Nello specifico, gli obiettivi di questo incarico saranno analizzare a livello bioinformatico dati di RNA-seq e ChIRP-seq su opportuni modelli cellulari modificati nell'espressione di MIR205HG, allo scopo di identificare i geni regolati dallo stesso e mappare il suo legame al DNA in maniera genome-wide.

Svolgendo la seguente attività:

Il candidato si occuperà di effettuare le analisi bioinformatiche relative a:

- Dati di bulk RNA-seq su cellule basali di prostata parentali, cloni ingegnerizzati per non esprimere MIR205HG attraverso la metodica CRISPR/Cas9 e cloni overesprimenti;
- dati di ChIRP-seq ottenuti sui modelli sopracitati per determinare il legame di MIR205HG al DNA in un approccio genome-wide;
- dati pubblici di gene expression e ChIP-seq per supportare le evidenze raccolte (TCGA, ENCODE).



UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

Tale attività sarà da svolgersi nell'ambito del Progetto *“DISSECTING THE ROLE OF UNEXPLORED MIR-205 HOST GENE AS LONG NON-CODING RNA IN PROSTATE BASAL CELL: IMPLICATIONS FOR CANCER DEVELOPMENT”*, Codice Cup G44I19000730007;

Il contratto, che prevede un importo lordo al collaboratore pari a Euro 10.548,00, avrà la durata di n. 7 mesi e sarà svolto a favore del Dipartimento di Bioscienze;

Il corretto svolgimento dell'incarico sarà verificato dal Dott. Paolo Gandellini;

Il costo di 13.897,00 euro graverà sul progetto CAR_RIC19PGAND_01 - n. di creazione U-GOV 30860 del Dipartimento di Bioscienze.

IL DIRETTORE GENERALE

Roberto Conte